		*	20	*	40	*	60	
LpCSa1	:	GNNTTATATTGAC	CGGGGATGAGGC	GAATTCTTCGC	CTACAGAGGCT	ATCCAATTGA	GGAGGT	: 60
LpCSa2	:			- 				: -
LpCSa3	:				· 		-	: -
LpCSa4	:		· 		· 			: -
LpCSa5	:		·				;	: -
LpCSa6	:			·			;	: -
LpCSa7	:				·			: -
LpCSa8	:						;	: -
		*	80	*	100	*	120	
LpCSa1	:	GGCTGAAAGCAG	TCGTTTGTTG	GGTCGCCTAC	CTCTTAATGT	ATGGGAATTT	GCCCAC	: 120
LpCSa2	:							: -
LpCSa3	:		·	·				: -
LpCSa4	:							: -
LpCSa5	:		·		·			: -
LpCSa6	:						:	: -
LpCSa7	:			·			-	: -
LpCSa8	:							; -
		*	140	*	160	*	180	
${ t LpCSa1}$:	CCAGAGTCAACTC	GCAGGCTGGGA	GTTTGCAATT	TCGCAGCACT	CTGCTGTTCC:	CAAGG:	180
LpCSa2	:		GCAGGCTGGGA	GTTTGCAATT	TCGCA <mark>-</mark> CACTO	CTGCTGTTCC:	CANGN :	: 46
LpCSa3	:						:	-
LpCSa4	:			·			;	
LpCSa5	:					- 		: -
LpCSa6	:			·			:	. –
LpCSa7	:						:	-
LpCSa8	:						- :	: -
		*	200	*	220	*	240	
LpCSa1	:	ACTCTTGGATATA	ATACAATCAAT	GCCTCATGAT	GCCCACCCCAT	rgggtgtcct1	GCCAG:	240
LpCSa2	:	ACTCTTGGATATA	ATACAATCAAT	GCCTCATGAT	GCCCACCCCAT	rgggtgtcct1	GCCAG :	106
LpCSa3	:						- :	-
LpCSa4	:						- - :	
LpCSa5	:						:	. –
LpCSa6	:			· 		- <i></i>	 - ;	-
LpCSa7	:						:	-
LpCSa8	:			·			- - :	-
		*	260	*	280	*	300	
LpCSa1	:	TGCAATGAGCACA						300
LpCSa2	:	TGCAATGAGCACA	CTTTCAGTCTT	CCATCCAGAT	GCAAACCCTGC	CTCTTAGAGGT	CAAGA :	166
LpCSa3	:						:	: -
LpCSa4	:			· -			- :	: -
LpCSa5	:						· :	: -
LpCSa6	:						:	; –
LpCSa7	:					- -	:	-
LpCSa8	:							

FIGURE 1

	*	320	*	340	*	360	
LpCSa1 : TCT	'ATACAAGTCGA		GATAAGCA		TCTTGGGAA		: 360
	TATACAAGTCGA						: 226
LpCSa3 :							. 220
LpCSa4 :	·						
LpCSa5 :	. 			- 			· · <u>-</u>
LpCSa6 :			· 		- 		
LpCSa7 :	. 						· · _
LpCSa8 :	. 			- 			
							•
	*	380	*	400	*	420	
LpCSa1 : AGT	PAATAGCAGCTG	CAGCCTATCTC	SAGATTAGC	AGGAAGGCC <mark>T</mark> TT	TGTCCTTCC'	TTCAAA	: 420
	'AATAGCAGCTG	CAGCCTATCTC	SAGATTAGC	AGGAAGGCCCTT	TGTCCTTCC'	PTCAAA :	: 286
LpCSa3 :							: -
LpCSa4 :							: -
LpCSa5 :				- 			: -
LpCSa6 :	·			 -			: -
LpCSa7 :				- 			: -
LpCSa8 :							: -
T 00 1	*	440	*	460	*	480	
	TCTCTCTTATT						: 480
	TCTCTCTTATT	CAGAAAATTTC	CTTGTATATO	GCTGGACTCTAT	GGGTGACAA.	AGATTA	: 346
LpCSa3 :							: -
LpCSa4 :	·						: -
LpCSa5 :			· 	- 			: -
LpCSa6 :					·		: -
LpCSa7 :		- 	- 			:	: -
LpCSa8 :				- 			: -
	*	500	*	520	*	540	
LpCSa1 : TAA	GCCAAATCCCA		CTTCTCA				: 540
LpCSa2 : TAA	GCCAAATCCCA	SACTTGCCCCC	CTTCTGGA.	PCTCCTTTTA.	TCTTCATGC.	TCAACA	: 406
LpCSa3 :			GIICIGOA	OICCITITA	NTTNTGC		: 12
LpCSa4 :					NIINIGC	IG-ACA	. 12
LpCSa5 :						-	_
LpCSa6 :					· 		-
LpCSa7 :					·		-
LpCSa8 :			- 		·	- :	-
Epobao .							-
	*	560	*	580	*	600	
LpCSa1 : CGA	AATGAACTGCT	CAACAGCTGCT	GTTAGGCA(CCTTGCTTCAAC	TGGTGTCGA'	rgtctt	: 600
LpCSa2 : CGA	AATGAACTGCT	CAACAGCTGCI	GTTAGGCA	CTTGCTTCAAC	TGGTGTCGA'	IGTCTT :	: 466
LpCSa3 : CGA	AATGA <mark>N</mark> CTGCT(CAACAGCTGCT	GTTAGGCA	CCTTGCTTCAAC	TGGTGTCGA'	IGTCTT :	
LpCSa4 :							-
LpCSa5 :		-	· 		· 		-
LpCSa6 :			·	·		;	-
LpCSa7 :				·	· 	- :	: -
LpCSa8 :						- :	-

LpCSa1 LpCSa2 LpCSa3 LpCSa4 LpCSa5 LpCSa6 LpCSa7 LpCSa8	CACTGCT	CTTTCTGG	620 TGCTGTTGGA TGCTGTTGGA TGCTGTTGGA	GCTCTATAT	GGTCCACTGC	$ATGG\overline{T}GGCGC$	AAATGA	: 660 : 526 : 132 : - : - : -
LpCSa1 LpCSa2 LpCSa3 LpCSa4 LpCSa5 LpCSa6 LpCSa7 LpCSa8	GGCGGTA	$\mathtt{CTTAAAAT}$	680 'GTTAAATGAG 'GTTAAATGAG 'GTTAAATGAG	ATTGGAAGT	GTAGAGAATA	TCCGGAATT	CATTGA	: 719 : 586 : 192 : - : - : -
LpCSa1 LpCSa2 LpCSa3 LpCSa4 LpCSa5 LpCSa6 LpCSa7 LpCSa8	GGGAGTG	AAGAACAG	740 GAAGCGGAAA GAAGCGGAAA GAAGCGGAAA	ATGTCTGGT	TTTGGGCACC	GTGTGTATAA		: 763 : 646 : 252 : 2 : - : -
LpCSa1 LpCSa2 LpCSa3 LpCSa4 LpCSa5 LpCSa6 LpCSa7 LpCSa8	TGATCCT	CGTGCTAA	800 AGTCATCCGG. AGTCATCCGG. AGTCATCGG.	AAGTTAGCG <mark>G</mark> AGTTAGCG	GAGGAGGTTTT	CACGATTGT	GGGACG	: - : 682 : 312 : 61 : 37 : - : -
LpCSa1 LpCSa2 LpCSa3 LpCSa4 LpCSa5 LpCSa6 LpCSa7 LpCSa8	GGATCCT	CTTATCGA	860 	GCTTTGGAG	AAGGCAGCAC1 AAGGCAGCAC1	rgtcagacga	GTATTT GTATTT GTATTT	: - : - : 372 : 121 : 97 : 16 : 15

		*	920	*	940	*	960	
LpCSa1 :							:	-
LpCSa2 : LpCSa3 :	ТАТСА АС	20022000	GTATCCAAATGT(300220	- 432
LpCSa3 :			GTATCCAAATGT(GTATCCAAATGT(181
LpCSa5	TATCGAG	AGGAAGCT	GTATCCAAATGT(GGATTTTT	ATTCTGGCCTAA ATTCTGGCCTAA	TATATAGO	GCAAT :	157
LpCSa6 :			GTATCCAAATGT(76
LpCSa7			GTATCCAAATGT(75
LpCSa8 :							;	-
		*	980	*	1000	*	1020	
LpCSa1 :					1000		:	_
LpCSa2							:	_
LpCSa3	GGGATTC	CCTACAGA	GTTTTTCCCTGT	CTGTTTG	CAGTTCCTCGCA	TGGCTGGT	TTGGTT:	492
LpCSa4 :			GTTTTTCCCTGT					241
LpCSa5 :			GTTTTTCCCTGT					217
LpCSa6 : LpCSa7 :			GTTTTTCCCTGT? GTTTTTCCCTGT?					136 135
LpCSa7 :	GGGATIC				CAGIICCICGCA		IIGGII :	132
							•	
		*	1040	*	1060	*	1080	
LpCSal :							:	-
LpCSa2 : LpCSa3 :	ACCACAT	TGGAAGGA	GTCACTTGATGA	CCCCACA	λ Π λ λ λ Ω Π Λ Τ Γ Λ λ	CCCCCA	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	552
LpCSa4			GTCACTIGATGA GTCACTTGATGA					301
LpCSa5 :			GTCACTTGATGA(277
LpCSa6 :	AGCACAT	TGGAAGGA	GTCACTTGATGA(CCCGACA	ATAAAATTATGA	GGCCCCA	ACAGGT :	196
LpCSa7 :	AGCACAT	TGGAAGGA	GTCACTTGATGA(CCCCGACA	ATAAAATTATGA	GGCCCCAA	ACAGGT :	195
LpCSa8 :							:	-
		*	1100	*	1120	*	1140	
LpCSa1 :							:	_
LpCSa2 :							 :	-
LpCSa3 :	ATACACC	GGTACTTG	GCTAAGGCATTA(CACCCCAG	TGAGAGAACGGG	TGCCATCA	AGCGA :	612
LpCSa4 : LpCSa5 :	ATACACC	GGTACTTG GGTACTTG	GCTAAGGCATTA(GCTAAGGCATTA(CACCCCAG	TGAGAGAACGGG	TGCCATCA	AAGCGA :	361 337
LpCSa6 :	ATACACC	GGTACTTG	GCTAAGGCATTA(GCTAAGGCATTA(CACCCCAG	TGAGAGAACGGG TGAGAGAACGGG	TGCCATCA	AGCGA :	256
LpCSa7	ATACACC	GGTACTTG	GCTAAGGCATTA(CACCCCAG	TGAGAGAACGGG	TGCCATC <i>i</i>	AGCGA :	255
LpCSa8 :								_
			1160		1100	ale	1000	
LpCSa1 :			T T Ø O	*	1180	*	1200	
LpCSa2 :				-			: :	_
LpCSa3 :	CAGTGAG	CAGCTTGG	GCAGATC <mark>A</mark> CTAC <i>A</i>	ATCAAACG	CGACGAGGCG <u>TC</u>	GGCGTGCT	GGTTC:	672
LpCSa4 :	CAGTGAG	CAGCTTGG	GCAGATCGCTACA	ATCAAACG	CGACGAGGCGTC	GGCGTGC1	GGCTC :	421
LpCSa5:	CAGTGAG	CAGCTTGG	GCAGATCGCTACA	TCAAACG	CGACGAGGCGTC	GGCGTGCT	rggctc :	397
LpCSa6 :	CAGTGAG	CAGCTTGG	GCAGATCGCTACA	ATCAAACG	CGACGAGGCGTC	GGCGTGCT	GGCTC :	316
LpCSa7 : LpCSa8 :	CAGTGAG	CAGCTTGG	GCAGATCGCTACA	YI'CAAACG	CGACGAGGCGTC	GGCGTGCT	GGCTC:	
Thenas:			GCAGATCGCT <mark>-</mark> CA	ATCAAACG	CGTCGAGGCGTC	GGCGTGC'I	GGCTC :	45

		*	1220	*	1240	*	1260	
LpCSa1 :					- -		:	-
LpCSa2 :							:	_
LpCSa3 :			GTCTGCATGATAC					732
LpCSa4 :			GTCTGCATGATAC					481
LpCSa5 :			GTCTGCATGATAC					457
LpCSa6 :			GTCTGCATGATAC					376
LpCSa7 :			GTCTGCATGATAC					375
LpCSa8 :	TGCCCTG	TAGAACA	GTCTGCATGATAC	AGCATACA	AGTCCACACAATA	AACCAAG(CTGCCA : 1	105
		*	1280	*	1200	*	1220	
LpCSa1 :		.,	1200	^	1300	^	1320	
LpCSa1 :		· 			·		:	_
LpCSa3 :	AGGGCCA	.CGGCTGC	Lus y y a.m. v				: 	- 753
LpCSa4:			TTAAATCTGGGAG	СТССТАТА	СФФСФСФФАФСА		• •	541
LpCSa5 :	AGGGCCA	CAGCTGC	TTAAATCTGGGAG	СТССТАТА СТССТАТА	CTTGTGTTMTCA CTTGTGTTATCA	ССТАТАТО	ATAGGC: 5	517
LpCSa6 :	AGGGCCA	CGGCTGC'	PTAAATCTGGGAG	CTGCTATA	CTTGTGTTATCA	CGTATAT?	ATAGGC : 4	436
LpCSa7 :			TTAAATCTGGGAG					435
LpCSa8 :	AGGGCCA	CGGCTGC'	TTAAATCTGGGAG	CTGCTATA	CTTGTGTTATCA	CGTATATA	ATAGGC : I	165
		*	1340	*	1360	*	1380	
LpCSa1 :					·	-	:	-
LpCSa2 :							:	-
LpCSa3 :	770777						:	-
LpCSa4 : LpCSa5 :	AAIAAAC	TAATAAT(GCCGCCAGGACAC GCCGCCAGGACAC	TTCACTGG	TGGTCATGTGAA	GTTGGTA(FTAGAA : 6	501
LpCSa6:			GCCGCCAGGACAC GCCGCCAGGACAC					577 496
LpCSa7:			GCCGCCAGGACAC GCCGCCAGGACAC					495
LpCSa8 :			GCCGCCAGGACAC					225
					710010111010111	01100111		.20
		*	1400	*	1420	*	1440	
LpCSa1 :						-	- :	_
LpCSa2 :							:	-
LpCSa3 :							 :	-
LpCSa4:			GTTGTTAATTTGT					661
LpCSa5 : LpCSa6 :			GTTGTTAATTTGT					637
LpCSa6 : LpCSa7 :			GTTGTTAATTTGT GTTGTTAATTTGT					556
LpCSa7 :			GTTGTTAATTTGT GTTGTTAATTTGT					555 285
превио .	IOCACII	OTAACGI	311G11W111G1	IAICCIGC	AAIGIACGCICI.	AIAAACI(FIICAG : 2	200
		*	1460	*	1480	*	1500	
LpCSa1 :							:	_
LpCSa2 :					- 			_
LpCSa3 :	<u></u>						:	-
LpCSa4 :			TAATCATGTGGAC		ACATAGATCA AG	TTCTTTG	CATGGG : 7	720
LpCSa5 :			TANTCCNNNNAAA					666
LpCSa6 :			PAATCATGTGGAC			TTCTTTG		515
LpCSa7:			FAATCATGTGGAC	CAATCAAA	AAAAAAA			597
LpCSa8 :	TATCTTG	AAAGTCT'	TAA <mark>AAA</mark> AAAAA – –				 : 3	310

			*	1520	*	1540	*		
LpCSa1	:						:		-
LpCSa2	:						:		-
LpCSa3	•						:		_
LpCSa4	:	CGGCGGCTC	GTTTCTTT	rgg <mark>n</mark> aaaaaa			:	7	45
LpCSa5	:						:		-
LpCSa6	:	CGGCGGCTC	GTTTCTT:	rg <mark>tg</mark> tttcct <mark>ctti</mark>	TTATGG	SAGTCTTTTTTA	ACC :	6	65
LpCSa7	:						:		-
LpCSa8	:						:		_

			*	20	*	40	*	60	
LpCSb1		СФФСФСС	СТСТИАСТО		CACAGTTT	ACCACTGGAGTG	ATGGCACT		60
LpCSb2	:		CIGIMACI	0010100/1110/	icricrio i i i	10011010101	HOGENCI	cenne .	00
	•							:	_
LpCSb3	:							:	-
LpCSb4	:							:	-
			*	80	*	100	*	120	
LpCSb1		TTCACAC	ምር እ እጥጥጥር		מ א א א א א א א א א א א א	ATTCATAAATCA			120
	•	TIGAGAG	TGAATITG	CAAAGGCIIAIG	AUDDAAUGGA	ATICATAAATCAA	AAGIICIG	GGAGC :	120
LpCSb2	:			- -				:	_
LpCSb3	:							:	_
LpCSb4	:							:	-
			*	140	*	160	*	180	
LpCSb1		СТАСАТА	таа ааата		TTTCCTCCC	CTTCCACAAGTG	\sim		180
LpCSb2	:	CITICITIT	ALMONIOL	JCIIAAAIIIOA	111001000	CIICCACACHIO	SCIICAIA		100
	•				· -			:	_
LpCSb3	:				·			:	-
LpCSb4	:							:	-
			*	200	*	220	*	240	
LpCSb1	:	ACCGGAG	AATTTTCA.	AGGACGGGAAAA	CTATTGCA	GCTGATAATACA	СТССАСТА	CGCAG :	240
LpCSb2									_
LpCSb3	:							:	
LpCSb3	•				· 			:	_
трсгр4	:							:	_
			*	260	*	280	*	300	
LpCSb1	:	CTAATTT	TTCACACA'	TGCTTGGTTTTG	ATGACCCC.	AAAATGCTGGAG'	TTGATGCG	CCTAT :	300
LpCSb2	:				. 			:	-
LpCSb3									_
LpCSb4								:	_
_p 00001	•							•	
			*	320	*	340	*	360	
T O.C.I- 1		2020220							260
LpCSb1	:	ACATAAC	AAT"TCACA	CTGATCACGAAG	GAGGGAAT	GTTAGTGCTCAT	GCTGGGCA	reree :	360
LpCSb2	:							:	-
LpCSb3	:							:	-
LpCSb4	:							:	-
			*	380	*	400	*	420	
LpCSb1		TTGGAAG	T		, դրդուր գրագր	GCAGCGGCACTG	A A C G G T T T		420
LpCSb2	:		10010101			ochocooche i or	MICOCITI		420
	•							;	_
LpCSb3	:							:	_
LpCSb4	:							:	_
			*	440	*	460	*	480	
LpCSb1	:	GACCA <u>CT</u>	'GCACGG <u>CT</u>	TGGCTAATCAGG	BAAGTGTTG	T <mark>T</mark> ATGGATCAAA'	TCTGTG <u>A</u> T	GGAAG :	480
LpCSb2						TNATGGAT-NAA			24
LpCSb3	·								
LpCSb4	:							•	_

FIGURE 2

		*	500	*	520	*	540	
LpCSb1 : LpCSb2 : LpCSb3 : LpCSb4 :					GAATATGTTTGG GAATATGTTTGG	AAGACACT		: 540 : 83 : 7
LpCSb1 : LpCSb2 : LpCSb3 : LpCSb4 :	GTGGAAA	GGTTGTTCC	TGGCTATGGTC.	ATGGAGTT(580 CTACGTAATACA CTACGTAATACA CTACGTAATACA	GATCCACG2	ATACT	: 600 : 143 : 67 : -
LpCSb1 : LpCSb2 : LpCSb3 : LpCSb4 :	CGTGCCA	AAGGGAGTI	TGCACTGAAGT.	ATTTACCC(640 GAAGACCCACTT' GAAGACCCACTT' GAAGACCCACTT'	PTCCAACTO	GGTCT	: 660 : 203 : 127 : -
LpCSb1 : LpCSb2 : LpCSb3 : LpCSb4 :	CCAAGTT	GTACGAAG1	TGTGCCTCCTA'	TCCTCACC	700 GAGTTAGGCAAG(GAGTTAGGCAAG(GAGTTAGGCAAG(CAAAAAT	CCCAT	: 720 : 263 : 187 : -
LpCSb1 : LpCSb2 : LpCSb3 : LpCSb4 :	G <mark>C</mark> CCTAA!	IGTTGATGC	TCACAGTGGAG'	TTTTGCTC#	760 AACCACTTCGGA AACCACTTCGGA AACCACTTCGGA	TAGTTGA	AGCAC	: 779 : 323 : 247 : -
LpCSb1 : LpCSb2 : LpCSb3 : LpCSb4 :	$\overline{GGTACTAC}$	* CACTGNCTT CACTGTCTT	GTTCGGCGTCT	* CAAGGAGCA CAAGGAGCA	820 ATGGGAATTGGA ATGGGAATTGGA G <mark>TTT</mark> TTGGA	CTCAGCT	CATTT	: 802 : 383 : 307 : 22
LpCSb1 : LpCSb2 : LpCSb3 : LpCSb4 :	GGGACCG:	rgccctcgg	CCTGCCACTTG	AAAGACCG <i>A</i>	880 AGAGTGTCACCA AGAGTGTCACCA	TGGAGTG	GCTGG :	: - : 443 : 367 : 82
LpCSb1 : LpCSb2 : LpCSb3 : LpCSb4 :	AAAACCA(CTGCAAGAA	GGCTGCGGCCT	GAAGCTACA	940 ACCAATGCTTCGT ACCAATGCTTNGT ACCAATGCTTCGT	TTTACAA	ATCAN :	: - : 503 : 427 : 142

FIGURE 2 (cont.)

que despréser de la company de la company

LpCSb1			*	980	*	1000	*	1020	
LpCSb1 LpCSb2 LpCSb3 LpCSb4	:	GCCGTCTT	rgatgtt <i>i</i>	ATAATGACTGAG	CATAAGT	PAGGCATGGTTAG PAGGCATGG <mark>G</mark> TAG PAGGCATGGTTAG	CCTTGTT	TTACC:	563 487 202
LpCSb1	:		* -	1040	*	1060	*	1080	_
LpCSb2	:					GCT <mark>T</mark> ACAGACGGT.			623
LpCSb3	:					GCTCACAGACGGT.			547
LpCSb4	:	ATCTTCGT	TTTCCTGG	CCAATAACTGGA	GCAAGAG	GCTCACAGACGGT.	AGAAT"I"I"	TGTAA :	262
T - 001 1			*	1100	*	1120	*	1140	
LpCSb1 LpCSb2	:	CCACCGNT	ACTTGAAC	CACCGAATCANTT	AAATGTC	ATTTGGCATAAAG.	AGATTAG	GACAT :	683
LpCSb3	:	CCACCG <mark>G</mark> T2	ACTTG-AC	CACCGAAT <mark>N</mark> AN <mark>N</mark> T.	AAATG <mark>GN</mark>	ATTTGGCATAAAG.	AGATTAG	GACAT :	606
LpCSb4	:	CCACCG <mark>T</mark> T	ACTTGĀAC	:ACCGAATCA <mark>G</mark> TT	AAATGTC	ATTTGGCATAAAG.	AGATTAG	GACAT :	322
			*	1160					
LpCSb1	:	03.03.03.03			: -				
LpCSb2 LpCSb3	:			GTG <mark>N</mark> CG <mark>N</mark> TCGG GTGTCGCTCGG	: 710 : 633				
LpCSb3				GTGTCGCTCGG	: 349				
	•	Offerication		O TO TOOC TOOM	. 545				

		*	*	20	*	40	*	60		
LpMDHa1 :	$G\mathbf{T}$ T	TGGTTC	CTGGTAT	CACCATTCTG	CCTGTTCT	CACAGGCAACT	CCTTCGACT	'AATGC	: 6	60
LpMDHa2 :						CACAGGCAACTO				59
LpMDHa3						CACAGGCAACT(59
	0.1									
LpMDHa4 :		GGTTC	JCTGGTAT	CACCATTCTG	CCTGTTCT	CACAGGCAACT	CTTCGACT	'AATGC	: :	56
LpMDHa5 :									:	-
LpMDHa6 :		-							:	-
LpMDHa7 :			- 						:	_
_										
		*	k	80	*	100	*	120		
LpMDHa1 :	ATT	'GTCTAC	TGAAGAC	ATCAAGGCTC'	rcaccaaga	GGACACAGGAG	GTGGGACA		:12	20
LpMDHa2 :						GGACACAGGAG(:11	-
LpMDHa3										
	ATI	GICIAC	TGAAGAC.	ATCAAGGCTC:	CACCAAGA	GGACACAGGAG(AJADDDTDE	GAAGT	:12	
LpMDHa4 :	A.II	GTCTAG	FIGAAGAC.	A'I'CAAGGC'I'C'	I'CACCAAGA	GGACACAGGAG			:13	
LpMDHa5 :						<mark>GAG</mark> (GGTGGGACA	GAAGT	; [17
LpMDHa6 :									:	_
LpMDHa7 :									:	_
		*	k	140	*	160	*	180		
LpMDHa1 :	TGT	'TGAGGC	CAAAGGCT	GGAAAGGGAT	TTGCAACCT	TGTCCATGGCG	гатастаас		:18	ลก
LpMDHa2	TGT	TGAGGC		GGAAAGCCAT		TGTCCATGGCG:		TOACDO.	:17	
LpMDHa3 :	m C n			CCAAAGGGAM	TOCAACCI	TGTCCATGGCG.	AIGCIGGC	GCAGT		
	TG1	JUDAUL	AAAGGCI	TADDDAAADD	TGCAACCT"	TGTCCATGGCG	PATGCTGGC	:GCAG'I'	:17	-
LpMDHa4:	TGT	TGAGGC	JAAAGGCT	GGAAAGGGAT'(J'I'GCAACC'I''	TGTCCATGGCG:	PATGCTGGC	GCAGT	:17	
LpMDHa5 :	$^{\mathrm{TGT}}$	'TGAGGC	CAAAGGCT	GGAAAGGGAT	CTGCAACCT'	TGTCCATGGCG:	PATGCTGGC	GCAGT	: 7	77
LpMDHa6 :		·							:	_
LpMDHa7 :					- 				:	_
		*		200	*	220	*	240		
LpMDHa1 :	${ m TTT}$	TGGTGA	ATGCATGC'	TTGAAGGGTC:	rgaacggag'	TTCCTGACATTC	GTTGAATGC	TCCTA	:24	10
LpMDHa2 :	TTT	TGGTGA	ATGCATGC'	TTGAAGGGTC'	rgaacggag:	TTCCTGACATTC	TTGAATGC	TCCTA	:23	39
LpMDHa3 :	$ ext{TTT}$	TGGTGA	ATGCATGC'	TTGAAGGGTC	rgaacggag	TTCCTGACATTC	TTGAATGC	тССТА	:23	
LpMDHa4:	ттт	тсстса	ATGC ATGC	TTGA ACCCTC	rga acceaer	TTCCTGACATT(TCCIA	:23	
LpMDHa5						TTCCTGACATT(TTCCTGACATT(
_		100102	TIGCATGC	IIGAAGGGIC.	GAACGGAG"	TTCCTGACATTC	³ TTGAATGC	TCCTA	:13	5 /
LpMDHa6:									:	-
LpMDHa7 :							- 		:	-
_		*		260	*	280	*	300		
LpMDHa1 :	CGI	'GCAATC	AACTATC.	ACAGAACTGC(CATTCTTTG	CCTCCAAGGTGA	AGGCTCGGG	AAGAA	:30	0 (
LpMDHa2 :	CGI	'GCAATC	CAACTATC	ACAGAACT <u>GC</u>	CATTCTTTG	CCTCCAAGGTGA	AGGCTCGGG	AAGAA	:29	9
LpMDHa3 :	CGI	GCAATC	CAACTATC	ACAGAACTGC	Аттстттс	CCTCCAAGGTGA	AGGCTCGGC	AAGAA	:29	
LpMDHa4 :	CGT	GCAATC	TAACTATC	ACAGA ACTGC		CCTCCAAGGTG <i>i</i>	CCCTCCCC		:29	
LpMDHa5 :	TICT	CCAATIC		ACACAACTOC		COMOCALOGICA	COCTOGG	AAGAA		_
_	1. O. I	JUMAJU	AACIAIC	JUDI JAKONDA	ATTCTTTG	CCTCCAAGGTGA			:19	
LpMDHa6 :							ANGCTCGGN		: 1	L7
LpMDHa7:								A A		2

FIGURE 3

	*	320	*	340	*	360	
LpMDHa1 :	TGGAGTCGAGGA	AGTGCTTGGTTT	GGGTGAGCT		AGAAGGAAG		:360
LpMDHa2 :		AGTGCTTGGTTT					:359
LpMDHa3 :		AGTGCTTGGTTT					:359
LpMDHa4 :		AGTGCTTGGTTT					:356
LpMDHa5 :		AGTGCTTGGTTT					:257
LpMDHa6 :		AGTGCTTGGTTT					: 77
LpMDHa7:		AGTGCTTGGTTT					: 62
		101001100111	000107.001	31000001110	710711100711100	3111001	. 02
	* 380	*	400	*	420		
LpMDHa1 :	AAGTCTCAAGGC	TGAGCTCAAGTC	TTCAATTGA	CAAGGGCATCG	CGTTCGCCA	ATGCGAG	:420
LpMDHa2 :		TGAGCTCAAGTC					:419
LpMDHa3 :	AAGTCTCAAGGG	TGAGCTCAAGTC	TTCAATTGA	CAAGGGCATCG	CGTTCGCCA	ATGCGAG	:419
LpMDHa4 :		TGAGCTCAAGTC					:416
LpMDHa5 :		TGAGCTCAAGTC					:317
LpMDHa6 :		TGAGCTCAAGTC					:137
LpMDHa7 :		TGAGÑTCAAGTC					:122
_		 -					
	*	440	*	460	*	480	
LpMDHa1 :	TTAATTAATTT	GCAGATTATAGC	AAACCAGGT	CTAGTTAAGGG	GTCTGT	TTT-DI	:475
LpMDHa2 :	TTAATTAATTT	GCAGATTATAGC	AAACCAGGT	CTAGTTAAGGG	GTCTGT	rg tt t	:474
LpMDHa3 :	TTAATTAATTT	GCAGATTATAGC	AAACCAGGT	CTAGTTAAGGG	GTCTGT	rgttt	:474
LpMDHa4 :	TTAATTAATTT	GCAGATTATAGC	AAACCAGGT	CTAGTTAAGGG	GTCTGT	TTMNTT	:471
LpMDHa5 :	$\mathtt{TT}\mathbf{G}\mathtt{ATTAA}\mathbf{ATTT}$	GCAGATTATAGC	AATCCAGGT	CTAGTT G AGGG	GTCTGTTTT:	rgacttt.	:377
LpMDHa6 :	TTGATTAA A TTT	GCAGATTATAGC	AATCCAGGT	CTAGTT G AGGG	GTCTGTTTT	IGACTTT	:197
LpMDHa7 :	$ ext{TT} ext{G} ext{A} ext{TT} ext{T}$	GCAGATTATAGC	AA T CCAGGT	CTAGTT G AGGG	GTCTGTTTT	rgacttt	:182
				<u></u>			
	*	500	*	520	*	540	
LpMDHa1 :		TTTTCTGCCCAT					:535
LpMDHa2 :		TTTTCTGCCCAT					:534
LpMDHa3 :		TTTTCTGCCCAT					:534
LpMDHa4 :		TTTTCTGCCCAT					:531
LpMDHa5 :	k:x	TTTTCTGCCCAT					:437
LpMDHa6 :		TTTTCTGCCCAT					:257
LpMDHa7 :	TTGTTCAGTGCT	TTTTCTGCCCAT	CACGTGGGC.	ATGGAAGATTI	'GAGCTTCAC <i>I</i>	AAAATAA	:242
	ai.	5.60		500			
T - 1470** 1	*	560	*	580	*	600	
LpMDHa1 :		'AATGCCACAGAA					:595
LpMDHa2 :		'AATGCCACAGAA					:594
LpMDHa3:	and the second second	'AATGCCACAGAA	CATTACTTG	I'ACAAGAGGGA	.ACTAGTTCG	IGTCAAG	:594
LpMDHa4:	ATNCCNGCGCGN	and the same of th					:544
LpMDHa5 :		'AATGCCACA <u>N</u> AA					:497
LpMDHa6 :		'AATGCCACAGAA					:317
LpMDHa7 :	ATCCGGCGGCG'I	'AATGCCACAGAA	CATTACTTG	FACAAGAGGGA	ACTAGTTCG'.	I'G'I'CAAG	:302

			*	620	*	640)	*	660	
LpMDHa1	:	TTTTGAA	CTGGT	ACATTAAACGA	ACAATTGCT	GATGCAG	CTTTGA	GAAAAAAA	AN	:650
LpMDHa2	:	TTTTGAA	CTGGT	ACATTAAACGA	ACAATTGCT(GATGCA(CTTTGAG	GAAAAAAAA	AA	:649
LpMDHa3	:	TTTTGAA	CTGGTA	ACATTAAACGA	ACAATTGCT	GATGCA(CTTTGAG	GAAAAAAAA	AA	:649
LpMDHa4	:									: -
LpMDHa5	:	TTTTGAA	CTGGN	ACATTAAAC <mark>A</mark> A	C CAATTG T T(GTGCCC	CTTTGN	GAA CCG<mark>C</mark>CC	TTTGGGG	:557
LpMDHa6	:	TTTTGAA	CTGGT	ACATTAAACGA	ACAATTGTT	GATGCA(CTTTG T (GAA CCGTC C	TTTGG T G	:377
LpMDHa7	:	TTTTGAA	CTGGT	ACATTAAACGA	ACAATTG T T	ga aaa a	AAAAA-			:345
			*	680	*					
LpMDHa1	:					:	_			
LpMDHa2	:					:	_			
LpMDHa3	:					:	_			
LpMDHa4	:					:	_			
LpMDHa5	:	GTGANTC	CATTG	NCTNAAGCCN	AAAAAAAA	:	589			
LpMDHa6	:	TTGATTC	CATTG!	rc t tcaag tt a	ACGAANAAN.	AAAA :	413			
LpMDHa7	:					 :	_			

			*	20	*		40	*	60		
LpMDHb1 LpMDHb2	:	TTTGGTN	CTTTTGC						GTTCGTGCT GTTCGTGCT	:	60 4 4
LpMDHb1 LpMDHb2	:						TGGGGTG.		120 CTGTTGTTG CTGTTGTTG	:	121 105
LpMDHb1 LpMDHb2	:						CAGGCTA		180 AAGTAATGC AAGTAATGC	:	182 166
LpMDHb1 LpMDHb2	:	* ATTGTCC ATTGTCC	CATGAGG.	200 A T CTTAAGO ACCTTAAGO	* GCCTCAC	220 CAAGAGGA CAAGAGGA	ACACAAGA ACACAAGA	* TGGTGGG TGGTGGG	240 ACGGAAGTT ACGGAAGTT	:	243 227
LpMDHb1 LpMDHb2	:		CAAAGGC'						300 GTGCAGTAT GTGCAGT T T	:	304 288
LpMDHb1 LpMDHb2	:			rtgaaggg(TAGAGTG	360 CTCCTTTGT CTCCTTTGT	:	365 349
LpMDHb1 LpMDHb2	:							GCTCGGC.	20 AAGAACGGA AAGAACGGA	:	426 410
LpMDHb1 LpMDHb2	:								0 TGGAGAGCC TGGAGAGCC	:	487 471
LpMDHb1 LpMDHb2	:				CATCGAGA				GAGCTAGTC GAGCTAGTC	:	548 532
						GAACTCGC			* TTTTTGGTA TTTTTGGT T	:	609 593
		CGACTCC				GACATTGA			* CA T TAAAAT CAATAAAAT		

FIGURE 4

LpMDHb1 LpMDHb2	:	680 GGCGTGNNTTGTT GGCGTG T CTTGTT			Sivi I and South a	720 AGAAAGAGTGA	* .AACCCTGTGC		708 715
LpMDHb1 LpMDHb2	:	740 CTTATGTACCACA	* GTACGGT	760 GAACCCGAAAA	* TCATGAAGG	780 TAGCAGAAGAT	* TCTGTGGAAG	: : 7	- 776
LpMDHb1 LpMDHb2	:	800 CTTTTTTCTTTTA	-: - N : 790						

			*	20	*	40	*	60		
LpMDHf1 LpMDHf2	:	G NNN TGAT -GGATGAT	TNATNCAA P T AT T CAA	CAAAAATGCTGG CAAAAATGCTGG	GCATTGTC G <mark>-</mark> ATTGTC	CGATCAATCTGT CGATCAATCTGT	'GAGGGCGT 'GAGGGCGT	TGCC TGCC	:	60 58
LpMDHf1 LpMDHf2	:	AAGAGCTO AAGAGCTO	* GTCCTAATG GTCCTAATG	80 CAATAGTGAATT CAATAGTGAATT	* 'TGATCAGC 'TGATCAGC	100 AACCCTGTGAAC	* TCAACTGT	120 CCCC CCCC	:	120 118
LpMDHf1	:	ATTGCGGC	* CA N AAGNTT	140 TCAAGAGGGCTG	* GAACTTAC	160 TGCCCCAAACGT	* CTCCTTGG	180 AGTG	:	180
LpMDHf2	:		*	200	*	TGCCCCAAACGT	*	240	:	178
LpMDHf1 LpMDHf2	:	ACAACTCT	"TGATGTAG "TGATGTAG	CGAGGGCTAACA	CCTTTGTG CCTTTGTG	GCTGAAGTGCTT GCTGAAGTGCTT	G N AGNTGA GGAG T TGA	TCCT	:	240 238
LpMDHf1 LpMDHf2	:	AGAGAAGN AGAGAAGT	CAGTGTTC	260 CGGNTGTTGGCG CGGTTGTTGGCG	GGCATGCN GGCATGCA	280 GGGATCACTATA GGGATCACTATA	* TTGCCCCT TTGCCCCT	300 CCTG CCTG	:	300 298
LpMDHf1 LpMDHf2	:	NCCCAGGT T CCCAGGT	* CAGCCCCC	320 CGTGCTCATTCA CGTGCTCATTCA	* CTCCAGAT CTCCAGAT	340 GAAATCAGCTAT GAAATCAGCTAT	* TTGACTAA TTGACTAA	360 CCGC CCGC	:	360 358
LpMDHf1 LpMDHf2	:	ATACAGAA ATACAGAA	* \TGGCGGTA \TGGCGGTA	380 CCGAAGTTGTTG CCGAAGTTGTTG	* AGGCAAAG AGGCAAAG	400 GCTGGAGCAGGC GCTGGAGCAGGC	* TCTGCAAC TCTGCAAC	420 TTTG TTTG	:	420 418
LpMDHf1 LpMDHf2	:	TCAATGGC TCAATGGC	* TTTTGCTG(440 CTGCAAAATTCG CTGCAAAATTCG	* CCGATGCA CCGATGCA	460 TGCTTGCGTGGA TGCTTGCGTGGA	* ATGCGTGG ATGCGTGG	480 TGAT TGAT	:	480 478
LpMDHf1 LpMDHf2	:		* TGTGGAAT TGTGGAAT		* CATCTGAG	520 GTGACAGAGCTG	* CCGTTCTT	540 TGCA	:	540 497
LpMDHf1 LpMDHf2	:	ACAAAAGT	* 'GAGGTTAG	560 GTCGTGGCGGAG	* CTGAGGAG	580 ATCCTCCCTCTT	* GGGCCACT	600 GAAT	:	600 -
LpMDHf1	:	GACTTTGA	* GAGAGCTG	620 GCCTGGAGAAGG	* CGAANAAG	640 GAGCTCAGCGAG	* AGCATCCA	660 GAAG	:	660

FIGURE 5

			*	680	*	700	*	720	
LpMDHf1	:	GGTGTGG	CGTTCATGA	ACAAGTGAGATC.	ATATGAAT	GGATGGATACCC	CGCAACCT	ATAC :	720
LpMDHf2	:							:	-
			*	740	*	760	*	780	
				740		700		,00	
LpMDHf1	:	ATAGATGA	ATGCAAAGA	CTAAAGAAAGAG'	TGTGATAT	AGTGCTCCTATA	TACCTGTA	AAAT :	780
LpMDHf2	:							:	-
			*						
		~m ~m ~ ~ ~ ~							
LpMDHf1	:	CTCTCCTC	SCCTGTAAG2	AA : 798					
LpMDHf2	:			: -					

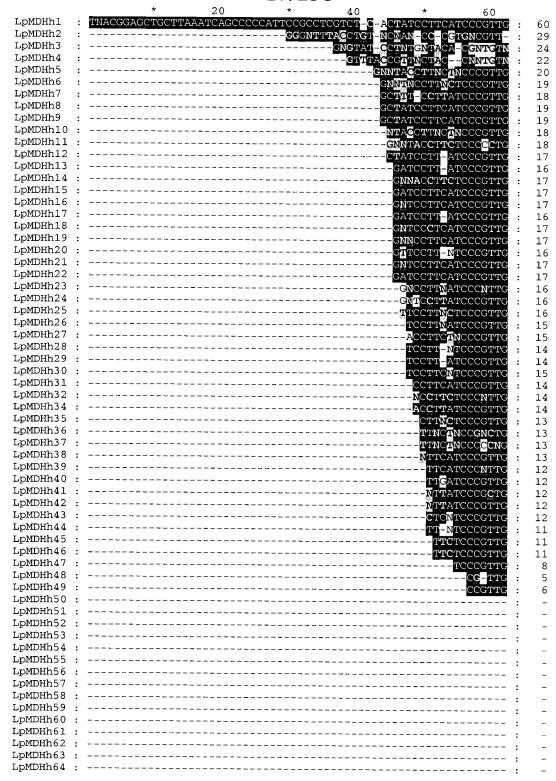


FIGURE 6

		* 80 * 100	*	12	3
LpMDHh1	:	TCGTCGCCTCCCGAACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	122
LpMDHh2	:	T-G-CTNCTECCCGN-AACCACTCTCCCCANCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	88
LpMDHh3	:	CGTTCGCCTCCCGACCCACTCTCCCCATCCCCAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	86
LpMDHh4	:	CGTTCGCCTCCCG-AAACNCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	83
LpMDHh5	:	TCGTCGCCTCCCGAACCACTCTNCCCNNCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	82
LpMDHh6	:	TCGTCGCCTCCCGA <mark>N</mark> CCACTCTCCCC <mark>-</mark> TCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	80
LpMDHh7	:	TCG-CTNCTCCTCCC-GACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	78
LpMDHh8	:	TCGTCGCCTCCTCCCGAACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	81
LpMDHh9	:	TCGTCGCCTCCCGAACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			81
LpMDHh10	:	TCGTCGCCTCCCGAACCACTCTCCCC-TCCCCGAACTCCAGAACCG			79
LpMDHh11	:	TCGTCACCTCCCGAACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			80
LpMDHh12	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			78
LpMDHh13	:	TCGTCGCCTCCTCCCG_ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			77
LpMDHh14	:	TCGTCGCCTCCTCCCGNACCACTCTCCCC-TCCCCGAACTCCAGAACCG			78
LpMDHh15	:	TCGTCGCCTCCTCCCG_ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			78
LpMDHh16	:	TCGTCGCCTCCCG_ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			78
LpMDHh17	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			77
LpMDHh18 LpMDHh19	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			78
LpMDHh119	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			78
LpMDHh21	:				77
LpMDHh22	:				78
LpMDHh23	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			78 77
LpMDHh24	•	TCGTCGNCTNCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG TCGTCGNCTNCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			77
LpMDHh25		TCGTCGCCTCCCGAACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG TCGTCGCCTCCCGAACTCCAGAACCG			77
LpMDHh26	:	TCGTCGCCTCCTCCGAACC—CTCTCCCCATCCCGAACTCCAGAACCG			76
LpMDHh27		TCGTCGCCTCCTCCGAACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			77
LpMDHh28	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			75
LpMDHh29	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			75
LpMDHh30	:	TCGTCGCCTCCTCCCG_ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			76
LpMDHh31 :	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			75
LpMDHh32	:	TCGTCGCCTCCTCCGAACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			76
LpMDHh34	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			75
LpMDHh35	:	TCGTCGCCTCCTCCCGAACCACTCTCCCCTNCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	75
LpMDHh36 :	:	TCGTCGCCTCCCCGAACCACTCTCCCCTNCCCCGAACTCCA-AACCG	GCTCCAATGGCGG	:	74
LpMDHh37	:	TCGTCGCCTCCTCCCGAACCACTCTCCCCNNCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG		75
LpMDHh38	:	TCGTCGCCTCCTCCG-AACNCTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	74
LpMDHh39 :	:	TCGTNGCCTNCTCCCGAACCACTCTCCCCTTCCCCGAACTCCAGAACCG	GCTCCAATGGCGG	:	74
LpMDHh40:	:	TCGTCGCCTCCCG-AACCCTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG		:	73
LpMDHh41 :	:	TCGTCGCCTCCTCCCGAAC <mark>N-</mark> CTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG		:	73
LpMDHh42 :	:	TCGTCGCCTCCCGAACC-CTCTCCCCATCCCCGAACTCC-GAACCG		:	72
LpMDHh43 :	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG		:	73
LpMDHh44:	:	TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG			72
LpMDHh45 : LpMDHh46 :	:	TCGTCGCCTCCCCG_ACCACTCTCCCC_TCCCCGAACTCCAGAACCG		:	71
LpMDHh47		TCGTCGCCTCCCGAACCACTCTCCCC TCCCCGAACTCCAGAACCG			72
LpMDHh48:		TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG TCGTCGCCTCCTCCCG-ACCCTNCTCCCC-TCCCCGAACTCCAGAACCG		:	69
LpMDHh49		TCGTCGCCTCCTCCCG_ACC <u>CTN</u> CTCCCC_TCCCCGAACTCCAGAACCG TCGTCGCCTCCTCCCGAACCACTCTCCCCATCCCCGAACTCCAGAACCG		:	65
LpMDHh50				:	68
LpMDHh51	•	GGACC-CTCTCCCCATCCCGAACTCCAGNACCG		:	46
LpMDHh52		MCCCCOMMITCER-MACCG	GC ICCAA-GGCGG	:	30
LpMDHh53 :				:	-
LpMDHh54:				:	_
LpMDHh55:	:			:	_
LpMDHh56:	:			:	
LpMDHh57:	:			•	_
LpMDHh58:	:		-		_
LpMDHh59 :	:			:	_
LpMDHh60:	:			:	_
LpMDHh61 :	:			:	-
LpMDHh62 :	:			:	-
LpMDHh63:	:			:	-
LpMDHh64:	:			:	-

FIGURE 6 (cont)

	*	140	*	160	*	180		
LpMDHh1 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	184
LpMDHh2 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	.ccggcgccc	TAGGACAAAT	rggatatget	CTTGTT	: :	150
LpMDHh3 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	rggatatget	CTTGTT	: :	148
LpMDHh4 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	.CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	145
LpMDHh5 :	CGAAGNAACCGATO	SCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	144
LpMDHh6 :	CGAAGGAACCGATC	CGCGTGCTCGTCA	.CCGGCGCCC	CAGGACAAAT'	TGGATATGCT	CTTGTT		142
LpMDHh7 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	140
LpMDHh8 :	CGAAGGAACCGATC	CGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	TGGATATGCT	\mathtt{CTTGTT}	: :	143
LpMDHh9 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	143
LpMDHh10 :	CGAAGGAACCGATC	CGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCG	CAGGACAAAT'	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	141
LpMDHh11 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT'	rggatatget:	CTTGTT	: :	142
LpMDHh12 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT:	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	140
LpMDHh13 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	TGGATATGCT:	CTTGTT	: :	139
LpMDHh14:	CGAAGGAACCGATC						: 1	140
LpMDHh15:	CGAAGGAACCGATC						: :	140
LpMDHh16:	CGAAGGAACCGATC						: 1	140
LpMDHh17:	CGAAGGAACCGATC						: :	139
LpMDHh18 :	CGAAGGAACCGATC							140
LpMDHh19 :	CGAAGGAACCGATC							140
LpMDHh20 :	CGAAGGAACCGATC							139
LpMDHh21 :	CGAAGGAACCGATC							140
LpMDHh22 :	CGAAGGAACCGATC							140
LpMDHh23 :	CCAAGGAACCGATC							139
LpMDHh24 : LpMDHh25 :	NGAAGGAACCGATC							139
LpMDHh26:	CGAAGGAACCGATC							139
LpMDHh27:	CGAAGGAACCGATC							138
LpMDHh28:	CGAAGGAACCGAT(CGAAGGAACCGAT(139
LpMDHh29:	CGAAGGAACCGATC							137 137
LpMDHh30 :	CGAAGGAACCGATC							138
LpMDHh31 :	CGAAGGAACCGATC							137
LpMDHh32:	CGAAGGAACCGATC							138
LpMDHh34:	CNAAGGAACCGATC							137
LpMDHh35 :	CGAAGGAACCGATC							137
LpMDHh36:	CGAAGGAACCGAT							136
LpMDHh37:	CGAAGGAACCGATC							137
LpMDHh38:	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCC	CAGGACAAAT'	IGGATATGCT	CTTGTT		136
LpMDHh39 :	CGAAGGAACCGATC							136
LpMDHh40:	CGAAGGAACCGATC							135
LpMDHh41 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	135
LpMDHh42:	CGAAGGAACCGAT						: :	134
LpMDHh43 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCG	CAGGACAAAT'	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	135
LpMDHh44:	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCG	CAGGACAAAT'	TGGATATGCT	\mathtt{CTTGTT}	: :	134
LpMDHh45 :	CGAAGGAACCGATC	GCGCGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGACAAAT'	TGGATATGCT	CTTGTT	: :	133
LpMDHh46:	CGAAGGAACCGATC						: :	134
LpMDHh47:	CGAAGGAACCGATC							131
LpMDHh48:	CGAAGGAACCGATC							127
LpMDHh49 :	CGAAGGAACCGATC							130
LpMDHh50 :	CGAAGGAACCGATC						: :	108
LpMDHh51:	CGAAGNAACCGA-						:	91
LpMDHh52 :	GGACCGATIC	GC C CGTGCTCGTCA	CCGGCGCCC	CAGGNCAAAT'	TGGATATGCT	CTTGTT	:	57
LpMDHh53:							:	-
LpMDHh54:							:	-
LpMDHh55 : LpMDHh56 :							:	-
LpMDHh57:							:	-
LpMDHh58:							:	-
LpMDHh59:							:	-
LpMDHh60:								-
LpMDHh61:			-					_
LpMDHh62:							:	_
LpMDHh63 :							:	_
LpMDHh64:				- 			:	_

	*	200	*	220	*	240		
LpMDHh1 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA'	IGCTGGA	:	246
LpMDHh2 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA'	TGCTGGA	:	212
LpMDHh3 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA'	TGCTGGA	:	210
LpMDHh4 :	CCGATGATTGCT	AGG CN AATTATGC'	TTGG N G T G C A	CTAGCCTGTTA	TTNTGCATA	rc	:	202
LpMDHh5 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTG T GGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA'	TGCTGGA	:	206
LpMDHh6 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA'	TGCTGGA	:	204
LpMDHh7 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	202
LpMDHh8 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA'	TGCTGGA	:	205
LpMDHh9 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	205
LpMDHh10 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	203
LpMDHh11 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	204
LpMDHh12 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	202
LpMDHh13 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	201
LpMDHh14:	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	202
LpMDHh15 :		AGGGGAATTATGC'					:	202
LpMDHh16 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	202
LpMDHh17 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	201
LpMDHh18 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	202
LpMDHh19 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA'	TGCTGGA	:	202
LpMDHh20 :		AGGGGAATTATGC					:	201
LpMDHh21 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA!	rgctgga	:	202
LpMDHh22 :		AGGGGAATTATGC					:	202
LpMDHh23 :	CCGATGATTGCT	NGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	rgctgga	:	201
LpMDHh24:	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	rgctgga	:	201
LpMDHh25:	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	rgctgga	:	201
LpMDHh26:	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC'	rtggtgcgga(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA'	IGCTGGA	:	200
LpMDHh27:	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC	rtggtgcgga(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA'	IGCTGGA	:	201
LpMDHh28 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	rgctgga	:	199
LpMDHh29 :	CCGATGATTGCTZ	AGGGGAATTATGC	rtggtgcgga(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	rgctgga	:	199
LpMDHh30 :	CCGATGATTGCTZ	AGGGGAATTATGC	rtggtgcgga(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	rgctgga	:	200
LpMDHh31 :	CCGATGATTGCTA	AGGGGAATTATGC	l'TGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	IGCTGGA	:	199
LpMDHh32 : LpMDHh34 :	CCGATGATTGCTA	AGGGGAATTATGC	PTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA'	TTCTGCATA	IGCTGGA	:	200
LpMDHh35 :	CCCAMCAMMCCM	AGGGGAATTATGC	I"I'GG'I'GCGGA(CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA!	GCTGGA	:	199
LpMDHh36:	CCCATCATTCCT	GGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA(CAGCCTGTTA	TTCTGCATA:	I'GCTGGA	:	199
LpMDHh37:	CCCATGATIGCTA	AGGGGAATTATGC AGGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA(CAGCCTGTTA'	I'TCTGCATA'	IGCTGGA	:	198
LpMDHh38:	CCCATGATTCCT	GGGGAATTATGC.	TIGGIGCGGA(CAGCCTGTTA	TTCTGCATA.	IGCIGGA	:	199
LpMDHh39 :	CCGATGATTGCTZ	NGGGAATTATGC:	PTCCTCCCCA	CAGCCTGTTA	TTCTGCATA.	TGCTGGA	:	198
LpMDHh40:	CCGATGATTGCT	GGGGAATTATGC:	TTGGTGCGGA	CAMICCIGIIA	TTCTGCATA.	rcc'a'cca	:	198
LpMDHh41 :	CCGATGATTGCT	GGGGAATTATGC:	TTGGTGCGGA(CAGCCIGITA CAGCCCCCTTTA	TICIGCAIA.	TCCTTCCA	:	197 197
LpMDHh42 :	CCGATGATTGCT	GGGGAATTATGC:	TTGGTGCGGA(CAGCC <u>C</u> GIIA	TTCTGCATA.		:	196
LpMDHh43 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC:	TTGGTGCGGA	CAGCCTGTTA CAGCCTGTTA	TTCTGCATA.	rccrcca	:	197
LpMDHh44:	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA(CAGCCTGTTA'	TTCTGCATA.	TGCTGGA	:	196
LpMDHh45 :	CCGATGATTGCT	AGGGGAATTATGC	TTGGTGCGGA	CAGCCTGTTA	ТТСТССМТАТ	TGCTGGA	:	195
LpMDHh46:	CCGATGATTGCTA	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA	CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	TGCTGGA	:	196
LpMDHh47 :	CCGATGATTGCTA	AGGGGAATTATGC'	TTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	IGCTGGA		193
LpMDHh48 :	CCGATGATTGCTA	GGGGAATTATGC:	TTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA:	TGCTGGA	:	189
LpMDHh49 :	CCGATGATTGCT	GGGGAATTATGC:	TTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	rgctgga	:	192
LpMDHh50 :	CCGATGATTGCTA	GGGGAATTATGC	PTGGTGCGGA(CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	IGCTGGA	:	170
LpMDHh51 :	CCGATGATTGCTA	GGGGAATTATGC:	rtggtgcgga(CCAGCCTGTTA	TTCTGCATA	rgctgga	:	153
LpMDHh52 :	CCGATGATTGCTA	GGGGAATTATGC	rtggtgcgga(CCAGCCTGTTA	TTCTGCATAT	TGCTGGA	:	119
LpMDHh53 :				CCAGCCTGTTA			:	41
LpMDHh54:		· 					:	
LpMDHh55 :				-			:	_
LpMDHh56 :		·			 		:	-
LpMDHh57:							:	-
LpMDHh58:							:	-
LpMDHh59 :				-			:	-
LpMDHh60:					-		:	-
LpMDHh61:							:	-
LpMDHh62:							:	-
LpMDHh63:							:	-
LpMDHh64:							:	-

FIGURE 6 (cont.)

	*	260	*	280	* 300	1	*
LpMDHh1 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	308
LpMDHh2 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCG N ATTT N	:	274
LpMDHh3 :	TATT G CAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	GCGTTAACATG	GAAGTGNNT <mark>-</mark> NGGCGGCNTAGN	:	271
LpMDHh4:						:	-
LpMDHh5 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	268
LpMDHh6:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	266
LpMDHh7 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	264
LpMDHh8 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	267
LpMDHh9 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	267
LpMDHh10:	TATTCCAC	CAGCCGCTGAA	GCTCTTAATGO	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	265
LpMDHh11:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	266
LpMDHh12 : LpMDHh13 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	264
LpMDHh14:	TATICCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATG(TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	263
LpMDHh15:	TATTCCAC	CAGCIGCIGAA CAGCTCCTCAA	CCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	264
LpMDHh16:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	CCTCTTAATGG	TOTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	264
LpMDHh17:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	TOTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	264
LpMDHh18 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC GCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	263 264
LpMDHh19 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTTA ATGC	OTADAATTOTC TTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	264
LpMDHh20:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	263
LpMDHh21 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	264
LpMDHh22 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	NCTCTTAATGO	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	Ċ	264
LpMDHh23 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCNCATTTC	÷	263
LpMDHh24 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	263
LpMDHh25 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	263
LpMDHh26 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	262
LpMDHh27 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	263
LpMDHh28 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	261
LpMDHh29 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	261
LpMDHh30:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	262
LpMDHh31 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	STGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	261
LpMDHh32 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	262
LpMDHh34 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGO	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCAT TT C	:	261
LpMDHh35 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	261
LpMDHh36:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	260
LpMDHh37 : LpMDHh38 :	TATICCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	GTGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	261
LpMDHh39:	TATICCAC	CAGCIGCIGAA	CCCCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	260
LpMDHh40:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	CCTCTTAATGG	TOTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC GAGTTGGNTGATGCCGCATTTC	:	260
LpMDHh41:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	CCTCTTAATGC	TGTTAAGAIG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	259 259
LpMDHh42:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	CCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	258
LpMDHh43 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	•	259
LpMDHh44:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGC	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	258
LpMDHh45:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	257
LpMDHh46 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	258
LpMDHh47 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	255
LpMDHh48 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	251
LpMDHh49 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	254
LpMDHh50 :	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	232
LpMDHh51:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	215
LpMDHh52:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	181
LpMDHh53:	TATTCCAC	CAGCTGCTGAA	GCTCTTAATGG	TGTTAAGATG	GAGTTGGTTGATGCCGCATTTC	:	103
LpMDHh54 :						:	~
LpMDHh55:						:	-
LpMDHh56 : LpMDHh57 :						:	-
LpMDHh58:						:	-
LpMDHh59:						:	-
LpMDHh60:						:	-
LpMDHh61:						:	-
LpMDHh62:						:	-
LpMDHh63 :						:	-
LpMDHh64:					·		~
						•	_

	320	*	340	*	360		*
LpMDHh1 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	:	370
LpMDHh2 :	CACTTITNAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	IGGNGNGAATGT-		335
LpMDHh3 :	NCTTTNTCGCN				 -	:	282
LpMDHh4 :						:	
LpMDHh5 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	TGGTGTGAATGTT	:	330
LpMDHh6 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	rggtgtgaatgtt	:	328
LpMDHh7 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GACGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	:	326
LpMDHh8 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	:	329
LpMDHh9 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	rggtgtgaatgtt	:	329
LpMDHh10 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	\ :	327
LpMDHh11 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	rggtgtgaatgtt	:	328
LpMDHh12 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	IGGTGTGAATGTT	¦ :	326
LpMDHh13 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	:	325
LpMDHh14 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	rggtgtgaatgtt	١:	326
LpMDHh15 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	:	326
LpMDHh16 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	FGGTGTGAATGTT	:	326
LpMDHh17 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	STTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	rggtgtgaatgtt	:	325
LpMDHh18 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGC G ACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	TGGTGTGAATGTT	:	326
LpMDHh19 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	rggtgtgaatg <mark>tt</mark>	:	326
LpMDHh20 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	:	325
LpMDHh21 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	rggtgtgaatgtt	:	326
LpMDHh22 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	rggtgtgaatgtt	:	326
LpMDHh23 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTT N A	GGCTTGCAC'	ГGG	:	315
LpMDHh24 :	CACTINTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	rggtgtgaatgtt	:	325
LpMDHh25 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	PGGTGTGAATGTT	:	325
LpMDHh26 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	TGGTGTGAATGTT	;	324
LpMDHh27:	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC:	FGGTGTGAATGTT	:	325
LpMDHh28 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	PGGTGTGAATG T T	:	323
LpMDHh29 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	TTGTGAATGTT	:	323
LpMDHh30:	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	:	324
LpMDHh31 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC'	TGGTGTGAATGTT	:	323
LpMDHh32 :	CACTTCTCAAGGGAGTTC	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCACT	rggtgtgaatgtt	:	324
LpMDHh34 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAAC G ACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC	PGGTGTGAATGTT	:	323
LpMDHh35 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC:	PGGTGTGAATGTT	:	323
LpMDHh36 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC:	rggtgtgaatgtt	:	322
LpMDHh37:	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCACT	rggtgtgaatg c t	:	323
LpMDHh38 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCAC1	rggtgtgaatgtt	:	322
LpMDHh39 : LpMDHh40 :	CACTTCTCAAGGGAGNTG	NTGCAACAACT	GATGTTGNTGA	GCTNGCACT	rggtgtgaatgtt	:	322
LpMDHh40 : LpMDHh41 :	CACTINTCAAGGGAGTTG	NTGCAACAACT	GATGTNGTTGA	NGCTTGCACT	'GGNGTGAATGTT	:	321
LpMDHh42:	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTTGCAACAACT	GATGTTGTTGA	GGCTTGCACT	rggtgtgaatgtt	:	321
LpMDHh43 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG CACTTCTCAAGGGAGTTG	TIGCAACAACT	GATGTTGTTGA(GCTTGCACT	rggtgtgaatgtt	:	320
LpMDHh44:	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TIGCAACAACI	GATGTTGTTGA(GGTGTGAATGTT	:	321
LpMDHh45:	CACTTCTCAAGGGAGTTG	MTCCAACAACT	GATGTTGTTGA(GCTTGCACT	GGTGTGAATGTT	:	320
LpMDHh46:	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TIGCAACAACI	GATGTTGTTGAC		IGGTGTGAATGTT	:	319
LpMDHh47 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	CATGIIGIIGA CATCTTCTTCA		IGGIGIGAAIGIII	:	320
LpMDHh48:	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	CATGIIGIIGA CATCTTCTTCA	GCTTGCACT	IGGTGTGAATGTT	٠	317
LpMDHh49:	CACTTCTCAAGGGAGTTG		GAIGIIGIIGA GATCTTCTTCA	CCTTCCACT	CCTCTC A ATCMT	:	313
LpMDHh50 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	CATCTTCTTCAC	CCTTGCACT	CCTCTC A A TCTT	:	316 294
LpMDHh51 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	SATGIIGIIGA SATC TT CTTCA	GCTTGCACT	CCTCTC A ATCTT	:	
LpMDHh52 :	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	CATCTTCTTCAC	GCTTGCACT	CCTCTC A ATCTT	:	277 243
LpMDHh53:	CACTTCTCAAGGGAGTTG	TTGCAACAACT	CATCTTCTTCAC	CCCTTCCACT	CCTCTC A TCTT	•	165
LpMDHh54:			JATOTIOI JOA	JOCITOCACI	.GGIGIGAAIGII	•	103
LpMDHh55 :						:	_
LpMDHh56 :						:	_
LpMDHh57:						:	_
LpMDHh58:						:	_
LpMDHh59 :						•	_
LpMDHh60 :						:	_
LpMDHh61 :						:	
LpMDHh62 :						•	_
LpMDHh63 :					- 	:	_
LpMDHh64 :			-	- -		:	-

	380	*	400	*	420	*	
LpMDHh1	GCGGTTATGGTT	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG'	TATGTCTAA	: 432
LpMDHh2							: -
LpMDHh3	:		-				: -
LpMDHh4						- 	: -
LpMDHh5 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG'	TATGTCTAA	: 392
LpMDHh6 :	GCGGTTATGGTTC	GGTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG:	TATGTCTAA	: 390
LpMDHh7 :	GCGGTTATGGTT(GGTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG!	TATGTCTAA	: 388
LpMDHh8 :	GCGGTTATGGTT	GGTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG!	TATGTCTAA	: 391
LpMDHh9 :	GCGTTTATGGTT(GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG:	TATGTCTAA	: 391
LpMDHh10 :	GCGGTTATGGTT	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG:	TATGTCTAA	: 389
LpMDHh11 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG:	TATGTCTAA	: 390
LpMDHh12 :	GCGTTTATGGTTC	GGTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG:	TATGTCTAA	: 388
LpMDHh13 :	GCGGTTATGGTTC	GGTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG?	TATGTCTAA	: 387
LpMDHh14	GCGGTTATGGTTC	GGTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG	TATGTCTAA	: 388
LpMDHh15	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	gggaatggaa.	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 388
LpMDHh16:	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 388
LpMDHh17	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA.	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 387
LpMDHh18 : LpMDHh19 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC(CCAGGAAGGA	GGGAA'I'GGAA.	AGGAAGGATG!	TATGTCTAA	: 388
LpMDHh20	GCGCTTATGGTTC	GTGGATTC		GGGAATGGAA.	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 388
LpMDHh21	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC(CCAGGAAGGA(GGGAATGGAA.	AGGAAGGATG'	TATGTCTAA	: 387
LpMDHh22	GCGGTTATGGTTC GCGGTTATGGTTC	CTCCATTC	CCAGGAAGGA	GGGAATGGAA.	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 388
LpMDHh23		JOIGGAIIC	CCAGGAAGGA	JGGAA I GGAA.	AGGAAGGATG.	TAIGICTAA	: 388
LpMDHh24	GCGGTTATGGTTC	CTCCATTC	CCAGGAAGGA	CCCA ATTCCA A	ACCA ACCA TO	TO A TO COT COT A A	: 387
LpMDHh25	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	ADDAADDADDC ADDA AGGAC	GGGAATGGAA GGGAATGGAA	AGGAAGGAIG ACCAACCATCI	TAIGICIAA	: 387
LpMDHh26	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCAGGAAGGA	GGAATGGAA	AGGAAGGATG! AGGAAGGATG!	TATGTCTAA	: 386
LpMDHh27	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA.	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 387
LpMDHh28:	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATGT	ТАТСТСТАА	: 385
LpMDHh29:	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 385
LpMDHh30 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGAATGGAA	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 386
LpMDHh31 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 385
LpMDHh32 :	GCGGTTATGGNTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 386
LpMDHh34:	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 385
LpMDHh35 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 385
LpMDHh36 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 384
LpMDHh37:	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC(CCCAGGAAGGA	gggaatggaa.	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 385
LpMDHh38:	GCGGTTATGGTTC		CCCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 384
LpMDHh39 :	GCGGTTATGGATC						: 341
LpMDHh40:	GCGGNN <mark>N</mark> TGN <mark>C</mark> NN						: 349
LpMDHh41:	GCGGTTATGGTTG	GTGGATTC(CCAGGAAGGA	GGGAATGGAA	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 383
LpMDHh42 : LpMDHh43 :	GCGGTTATGGTTG	GIGGATIC	CCAGGAAGGA	GGAATGGAA.	AGGAAGGATG1	TATGTCTAA	: 382
LpMDHh44:	GCGGTTATGGTTC	COCCADOC	CCAGGAAGGA	JGGAA'I'GGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 383
LpMDHh45:	GCGGTTATGGTTC GCGGTTATGGTTC	GIGGATIC(CCAGGAAGGA(GGAATGGAA.	AGGAAGGATGT	"PATGTCTAA	: 382
LpMDHh46:	GCGGTTATGGTTC	GIGGATIC(CTCCATTC	CCAGGAAGGA	CCAATGGAA.	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 381
LpMDHh47:	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTCC	CCAGGAAGGA(GGAATGGAA.	ACCA ACCATCI	TATGTCTAA	: 382 : 379
LpMDHh48 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	ACCACCA ACCAC	CGA ATGGAA	ACCAACCATCT	TAIGICIAA	: 375
LpMDHh49 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTC	CCAGGAAGGA	GGAATGGAA	ACCAACCATCT	TATGICIAA	: 378
LpMDHh50 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATCC	CCAGGAAGGA	GGAATGGAA	TOTADDAADDA TOTADDA 400A	ייישרו אמרטיים איי	: 356
LpMDHh51 :		GTGGATTCC	CCAGGAAGGA	GGAATGGAA	TOTADDA ADDA	TATOTOTAA	: 339
LpMDHh52 :	GCGGTTATGGTTG	GTGGATTCC	CCAGGAAGGA	GGAATGGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 305
LpMDHh53 :	GCGGTTATGGTTC	GTGGATTCC	CCAGGAAGGA	GGA G TGGAA	AGGAAGGATGT	ТАТСТСТАА	: 227
LpMDHh54 :	TNGGTTC	GTGGATTCC	CCAGGAAGGA	GGAÄTGGAA	AGGAAGGATGT	TATGTCTAA	: 56
LpMDHh55 :							; -
LpMDHh56 :		·					: -
LpMDHh57:			-	- -			: -
LpMDHh58 :		·					: -
LpMDHh59 :					-		: -
LpMDHh60 :			·		·		: -
LpMDHh61:							: -
LpMDHh62 : LpMDHh63 :							: -
LpMDHh64:			-				: -
Thimulio4:				·			: -

	440	*	460	*	480	*	
LpMDHh1	GAATGTTTC	AATCTACAAAT	CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG		CCGAATTGCA	: 494
LpMDHh2	:						:
LpMDHh3	: 						: -
LpMDHh4	:	-					: -
LpMDHh5	GAATGTTTC	AATCTACAAAT	CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 454
LpMDHh6	GAATGTTTC	AATCTACAAAT	CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 452
LpMDHh7	: GAATGTTTC	AATCTACAAAT	CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCNAATTGCA	: 450
LpMDHh8	: GAATGTTTC	AATCTACAAAT(CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 453
LpMDHh9	GAATGTTTC	AATCTACAAAT(CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 453
LpMDHh10	: GAATGTTTC	AATCTACAAAT(CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 451
LpMDHh11	: GAATGTTTC	AATCTACAAAT(CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 452
LpMDHh12	: GAATGTTTC	AATCTACAAAT(CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 450
LpMDHh13	GAATGTTTC	AATCTACAAAT(CTCAAGCATO	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 449
LpMDHh14	GAATGTTTC	AATCTACAAAT(CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 450
LpMDHh15	GAATGTTTC	AATCTACAAAT	CTCAAGCATO	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 450
LpMDHh16	GAATGTTTC	AATCTACAAAT(CTCAAGCATC	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 450
LpMDHh17	GAATGTTTCA	AATCTACAAATC	CTCAAGCATC	CTGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 449
LpMDHh18	GAATGTTTC	AATCTACAAATC	CTCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 450
LpMDHh19 : LpMDHh20 :	GAATGTTTCA	AATCTACAAAT(CTCAAGCATC	C GCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 450
LpMDHh21	GAATGTTTCA	AATCTACAAAT(CTCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 449
LpMDHh22	CAATGTTTCA	AATCTACAAAT(CTCAAGCATC	CGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 450
LpMDHh23	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	CTCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 450
LpMDHh24	CAATCTTTC	\ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \	COCA A CCA DC				: -
LpMDHh25	GAAIGITICA	ATCTACAAAT(TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 449
LpMDHh26:	GAATGITICA	ATCIACAAAT ATCTACAAAT	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 449
LpMDHh27	GAATGTTTC	ATCIACAAAIC	TCAAGCAIC	TGCCCTTGAAG		CCGAATTGCA	: 448
LpMDHh28	GAATGTTTC	ATCTACAAATC	TCAAGCAIC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 449
LpMDHh29	GAATGTTTC	OTAAACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAA'I"I'GCA	: 447
LpMDHh30 :	GAATGTTTC	ATCTACAAATC	TCAMCCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 447
LpMDHh31 :	NAATGTTTC	ATCTACAAATC	TTAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCA	CCMAATIGCA	: 448
LpMDHh32 :	NAATGTTTCA	ATCTACAAATC	CTCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	OCATGCAGCC	CCCAATIGCA	: 448
LpMDHh34:	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	ODDADDTADOC CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 447
LpMDHh35 :	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 447
LpMDHh36 :	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 446
LpMDHh37 :	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	CTCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 447
LpMDHh38 :	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	CTCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 445
LpMDHh39 :							: -
LpMDHh40 :		-			- 	- -	
LpMDHh41 :	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 445
LpMDHh42:	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 444
LpMDHh43:	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 445
LpMDHh44:	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 444
LpMDHh45 :	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 443
LpMDHh46:	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 444
LpMDHh47:	AAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 441
LpMDHh48:	GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGTATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 437
LpMDHh49 :	GAATGTTTCA GAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 440
LpMDHh50:			CTCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 418
LpMDHh51 : LpMDHh52 :	CAATGTTTCA		TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCATGCAGCC	CCGAATTGTA	: 401
LpMDHh53:	CAATGTTTCA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 367
LpMDHh54:	CAATGITICA	ATCTACAAATC	TCAAGCATC	TGCCCTTGAAG	CCATGCAGCC	CCGAATTGCA	: 289
LpMDHh55 :		ATCTACAAATC	TAAGNGNN	TGCCCTTGAAG(CCATGCAGCC	CCGAATTCCA	: 118
LpMDHh56:			TAAGCATC	TGCCCTTGAAG			: 40
LpMDHh57:					TCCACCO	CCGNANTGCA CCG-ATTGCA	: 20
LpMDHh58:					IGCAGCC	CG-ATTGCA	: 16
LpMDHh59 :							
LpMDHh60:							
LpMDHh61:							
LpMDHh62 :							
LpMDHh63 :							: -
LpMDHh64:							:

		500 * 520 * 540 * 5	
LpMDHh1	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 556
LpMDHh2	:		. 556
LpMDHh3	:		: -
LpMDHh4	:		
LpMDHh5	:	${\tt AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA}$: 516
LpMDHh6	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 514
LpMDHh7	:	AGGTTCTGGTTGCTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 512
LpMDHh8		AGGTTCTGGTTGCTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 512
LpMDHh9		AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 515
LpMDHh10	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 513
LpMDHh11		2 COMPORTOR COMPORTOR CONTRACTOR	: 514
LpMDHh12	:	A COMMON COMMON CONTRACTOR OF THE CONTRACTOR OF	: 514
LpMDHh13	:	AGGTTCTGGTTGCTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 512
LpMDHh14	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 511
LpMDHh15	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTCGCTCCA	: 512
LpMDHh16	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTGGTCCA	: 512
LpMDHh17		AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 512
LpMDHh18	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGTAAACACCAATGCTCTTATCCTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 511
LpMDHh19	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 512
LpMDHh20	:	A COMPONE COMPONE CONTRACT CON	
LpMDHh21		AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 511 : 512
LpMDHh22		AGGTTCTGGTTGCTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 512
LpMDHh23	:		: 512
LpMDHh24	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTAT <mark>N</mark> TTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 511
LpMDHh25		AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 511
LpMDHh26	:	AGGTTCTGGTTGCTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 511
LpMDHh27	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	
LpMDHh28	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 511
LpMDHh29	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 509
LpMDHh30	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 509 : 510
LpMDHh31	:	AGGCTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTTATTTTAAANGAGTTTGCTCCA	: 510
LpMDHh32		AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATTGCTTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 510
LpMDHh34		AGGTTCTGGTTGCTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 509
LpMDHh35	:	AGGTTCTGGTTGTCCAATCCAAGGTTCTGTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 470
LpMDHh36		AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 508
LpMDHh37	:	TO COMPORT COMPORT CONTRACTOR CON	: 509
LpMDHh38	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 507
LpMDHh39	:	The state of the s	. 307
LpMDHh40	:		
LpMDHh41	:	${f AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAG{f NTTGCTCCA}$: 507
LpMDHh42	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 506
LpMDHh43	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 507
LpMDHh44	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 506
LpMDHh45	:	A COMPORTOR DEPOSIT A PROCESS CONTRACTOR DE	: 505
LpMDHh46:	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 506
LpMDHh47	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTTTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 503
LpMDHh48	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 499
LpMDHh49 :	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 502
LpMDHh50	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 480
LpMDHh51	:	A COMPONE COMPONE CONTRACTOR CONT	: 463
LpMDHh52 :	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 429
LpMDHh53	:	A COMMONGO COMPONE CONTRACTOR CON	: 351
LpMDHh54 :	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 180
LpMDHh55 :	:	A CCMMCMCCMMCMMCCCC A MICCA CCC A CC	: 102
LpMDHh56 :	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 82
LpMDHh57 :	:	AGGTTCTGGTTGTTGCCAATCCAGCAAACACCAATGCTCTTATCTTAAAGGAGTTTGCTCCA	: 78
LpMDHh58:	:		. , ,
LpMDHh59	:		· -
LpMDHh60	:		
LpMDHh61:	:		
LpMDHh62 :	:		• -
LpMDHh63:	:		· -
LpMDHh64:	:		
			•

		60 *	580	*	600	*	620		
LpMDHh1	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT:	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCAC1	TTGGTCA	: 6	618
LpMDHh2	:							:	-
LpMDHh3	:			- 				:	
${\tt LpMDHh4}$:							:	_
LpMDHh5	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TTGGTCA	: 9	578
LpMDHh6	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	576
LpMDHh7	:	TCTATTCCTGANAAGA	ACATNAGTTGTT:	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	NGCTCA	: 5	574
LpMDHh8	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	577
LpMDHh9	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT:	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	577
LpMDHh10	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT:	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	575
LpMDHh11	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	576
LpMDHh12	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT:	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	PTGGTCA	: 5	574
LpMDHh13	:	TCTATTCCTGAGAAGA						: 5	563
LpMDHh14	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT:	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	CGGTCA	: 5	574
LpMDHh15	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT:	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	574
LpMDHh16	:	TCTATTCCTGAGAAGA						: 5	574
LpMDHh17	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACI	TGGTCA	: 5	573
LpMDHh18	:	TCTATTCCTGAGAAGA						: 5	574
LpMDHh19	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACI	TGGTCA	: 5	574
LpMDHh20	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	CGGTCA	: 5	573
LpMDHh21	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACI	TGGTCA	: 5	574
LpMDHh22	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	574
LpMDHh23	:							:	-
LpMDHh24	:	TCTMTTCCTGAGAA						: 5	525
LpMDHh25	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGATGTT1	GACCCGNC	TAGACCATA	ACAGGGCACT	C GGTCA	: 5	573
LpMDHh26	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT1	rgacccgcc	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	572
LpMDHh27	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	TGACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACI	CGGTCA	: 5	573
LpMDHh28	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTT	GACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACI	TGGTCA	: 5	571
LpMDHh29	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTT	TGACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	571
LpMDHh30	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	TGACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACT	CGGTCA	: 5	572
LpMDHh31	:	TNTATTCCTGANAAGA	ACATNANTTGTTT	GACCCGCC	TAGACCATA	ACA N GG NN CT	TGNCAA	: 5	570
LpMDHh32	:	TCTAT C CCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTT	TGACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	572
LpMDHh34	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	GACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACI	TGGTCA	: 5	571
LpMDHh35	:							:	_
LpMDHh36	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT	GACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	570
LpMDHh37	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT1	GACCCGNC	TAGACCATA	ACAGGGCACI	C GG N CA	: 5	571
LpMDHh38	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTT	GACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACI	TGGTCA	: 5	569
LpMDHh39	:							:	_
LpMDHh40	:							:	-
LpMDHh41	:	TCTATTCCTGAGAA N A	ACATCAG <mark>N</mark> TGTT1	GACCCGCC	TAGACCATA	acagg n cact	CGGNCA		569
LpMDHh42	:	TCTATTCCTGAGAAGA.	ACATCAGTTGTTI	GACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	68
LpMDHh43	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTI	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 5	69
LpMDHh44	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTI	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACI	TGGTCA	: 5	68
LpMDHh45	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTI	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACT	CGGTCA	: 5	67
LpMDHh46	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTI	GACCCGCC	TAGACCATA	ACAGGGCACI	CGGTCA		568
LpMDHh47	:	TCTATTCCTGA N AAGA.	ACATMANTTGTTT	GACCCGCC	тааассата.	ACAGGGCACI	TGGTCA	: 5	65
LpMDHh48	:	TCTATTCCTGAGAAGA.	ACATCAGTTGTTI	'GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACI	TGGTCA		61
LpMDHh49	:	TCTATTCCTGAGAAGA.	ACATCAGTTATTI	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACI	TGGTCA		64
LpMDHh50 :	:	TCTATTCCTGAGAAGA.						: 5	542
LpMDHh51 :	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTTT	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACT	C GGTCA		525
LpMDHh52	:	TCTATTCCTGAGAAGA.	ACATCAGTTGTTI	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACT	TGGTCA	: 4	191
LpMDHh53	:	TCTATTCCTGAGAAGA	ACATCAGTTGTT1	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACT	TGGTCA		113
LpMDHh54 :	:	TCTATTCCTGAGAAGA.							242
LpMDHh55 :	:	TCTATTCCTGAGAAGA.	ACATCAGTTGTTI	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACT	C GGTCA		L64
LpMDHh56:	:	TCTATTCCTGAGAAGA.	ACATCAGTTGTTT	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACT	TGGTCA		44
LpMDHh57	:	TCTATTCCTGAGAAGA.	ACATCAGTTGTT1	GACCCGCC	TAGACCATA.	ACAGGGCACT	'TGGTCA	: 1	L40
LpMDHh58	:					-		:	-
LpMDHh59	:							:	-
LpMDHh60 : LpMDHh61 :	:							:	-
LpMDHh62			-					:	_
LpMDHh63								:	-
LpMDHh64:								:	-
Thiminos :	•							:	-

		*	640	*	660	*	680	
LpMDHh1	:	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGNCCAA	GTTAGTGAT	GTGAA N AATGT	TATCATCTG	GGCAATC	: 680
LpMDHh2	:						Jedermire	. 000
LpMDHh3	:							: -
LpMDHh4	:				-			: -
LpMDHh5	:	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGCCCAA	GTTAGTGAT	TTGAAGAATCT	יידי אייזי אייזי אייזי אייניייר אייזי איינייירי	CCCAARC	: 640
LpMDHh6	:	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGTCCAA	GTTAGTGAT	GTGAAGAATCT	TMICAICIG(CCCAATC	
LpMDHh7	:	GATCTCTGAGAGAC	TTMATGTCCAA	NTTAGTGAT	CTCAA M AATCT	TATCATC IGC	CCMAAC	
LpMDHh8	:	GATCTCTGAGAGAC	ТТСАТСТССАА	GTTACTCAT(CTCAALYAATGI	TATCATCTG(CCCAATC	: 636
LpMDHh9	:	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGTCCAA	GTTACTCAT(TTC A A C A A TC I	TAICAICIGO	GGCAATC	: 639
LpMDHh10	:	GATCTCTGAGAGAC	$TTGATGTCC\Delta\Delta$	CTTACTCATC	TIGAAGAA IGI	TATCATCTGC	GGCAATC	: 639
LpMDHh11	:	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGTCCAA	CTTACICATO	GECAAGAAIGI CECAACAAEC	TATCATCTGC	GGGGAATC	: 637
LpMDHh12	:	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGTCCAA TTGATGTCCAA	CTTAGIGAI CTTAGIGAI	GIGAAGAATGT	TATCATCTGC	GGCAATC	: 638
LpMDHh13	:		TIGHTOTCCAA	GITAGIGAT	JIGAAGAATGI	TATCATCTGC	GGCAATC	: 636
LpMDHh14		GATCTCTGAGAGAC	TTCATCTCCAA	CERTACECAM				:
LpMDHh15	·	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGTCCAA TTGATCTCCAA	GIIAGIGAI(JIGAAGAATGI	"TATCATCTGC	GGTAATC	: 636
LpMDHh16	:	GATCTCTGAGAGGC	TTGATGTCCAA	GTTAGTGAT(JTGAAGAATGT	"PATCATCTGC	GGCAATC	: 636
LpMDHh17	:	GATCTCTGAGAGACAC	TTCATGICCAA	GTTAGTGAT(JTGAAGAATGT	"TATCATCTGC	GGTAATC	: 636
LpMDHh18	:	GATCTCTGAGAGÂC'	TTGATGTCCAA	GTTAGTGAT(JTGAAGAATGT	"TATCATCTGC	GGCAATC	: 635
LpMDHh19	:	GATCTCTGAGAGAC'	TIGATGTCCAA	GTTAGTGAT(FIGAAGAATGT	TATCATCTGC	GGTAATC	: 636
LpMDHh20	:	GATCTCTGAGAGAC'	TIGATGTCCAA	GTTAGTGAT(FIGAAGAATGT	TATCATCTGC	GGCAATC	: 636
LpMDHh21	:	GATCTCTGAGAG G C	TIGATGTCCAA	GTTAGTGAT(FIGAAGAATGT	TATCATCTGC	GGTAATC	: 635
LpMDHh22	:	GATCTCTGAGAGAC'	TUCATOTCCAA	GTTAGTGAT(FIGAAGAATGT	TATCATCTGC	GGCAATC	: 636
LpMDHh23	:	GATCTCTGAGAGAC'	TTGATGTCCAA	GTTAGTGAT(FIGAAGAATGT	TATCATCTGC	GGCAATC	: 636
LpMDHh24	:						-	: -
LpMDHh25	:	CATCTCTCTCACACACAC	DECLE MORGON				~	: -
LpMDHh26	:	GATCTCTGAGAGAC'	TTGATGTGCAA	GTTANCGAT(TGAANAATG	TATCATCTGC	GGANATC	: 635
LpMDHh27	:	GATCTCTGAGAGAC'	TTGATGTCCAA	GTTAGTGATO	TGAA <mark>A</mark> AATGT	TATCATCTGG	GGCAATC	: 634
LpMDHh28	•	GATCTCTGAGAGAC	FIGATGICCAA	GTTAGTGATC	STGAAGAATGT	TATCATCTGG	GGTAATC	: 635
LpMDHh29	•	GATCTCTGAGAGAC'	TTGATGTCCAA	GTTAGTGATC	STGAAGAATGT	TATCATCTGG	GGCAATC	: 633
_	:	GATCTCTGAGAGAC	I'TGATGTCCAA	GTTAGTGATO	STGAAGAATGT	TATCATCTGG	GGCAATC	: 633
LpMDHh30	:	GATCTCTGAGAG G C	l'I'GATGTCCAA	GTTAGTGATC	STGAAGAATGT	TATCATCTGG	GGTAATC	: 634
LpMDHh31	:	AATCTTTNANAGAC	PTGNTNTCAAN					: 595
LpMDHh32	:	GATCTCTGAGAGAC	PTGATGTCCAA(GTTAGNGATO	MGAAMAATGT	TATCATCTGG	GGCAATC	: 634
LpMDHh34	:	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGTCCAA(GTTAGTGATC	STGAAGAATGT	TATCATCTGG	GGCAATC	: 633
LpMDHh35	:							: -
LpMDHh36	:	GATCTCTGA N AGAC'	TTGATGTCCAA(GTTA		- -		: 599
LpMDHh37	:	GATCTCTGAGAGAC:	PTGATGTCCAA	GTTAGTGATC				: 606
LpMDHh38	:	GATCTCTGAGAGAC	TTGATGTCCAA	GTTAGTGATC	TGAAGAATGT	TATCATCTGG	GGCAATC	: 631
LpMDHh39	:							: -
LpMDHh40	:							: -
LpMDHh41	:	GA N CTCTGAGAGACI	TGATG C CCAA	GNTNGNGNTG	N			: 605
LpMDHh42	:	GATCTCTGAGAGACT	PTGATGTCCAAG	GTTAGTGATG	TGAAGAATGT	TATCATCTGG	G C AAATC	: 630
LpMDHh43	:	GATCTCTGAGAGACI	TGATGTCCAAC	STTAGTGATG	TGAAGAATGT'	TATCATCTCC	CCCAATC	: 631
LpMDHh44	:	GATCTCTGAGAGACT	TGATGTCCAAC	STTAGTGATG	TGAAGAATGT'	TATCATCTGG	GGCAATC	: 630
LpMDHh45	:	GATCTCTGAGAGACT	TGATGTCCAA(STTAGTGATG	TGAAGAATGT'	PATCATCTCC	CCITIA ATTC	: 629
LpMDHh46	:	GATCTCTGAGAGACT	TGATGTCCAAC	TTAGTGATG	TGAAGAATCT'	PATCATCTC	$CCm \times VmC$: 630
LpMDHh47	:	GATCTNTGANAGACT	TGATGCCCAAC	STTAGNGATG	TGAAMAATGT	PATCATMTCC	CCCAATM	627
LpMDHh48	:	GATCTCTGAGAGACT	TGATGTCCAAC	TTAGTGATG	TGAAGAATGT'	PATCATCTGG	GGCAATC	623
LpMDHh49	:	GATCTCTGAGAGACT	TGATGTCCAAC	TTAGTGATG	TGAAGAATGT'	FATCATCTGG	GGCAATC	626
LpMDHh50	:	GATCTCTGAGAGACI	TGATGTCCAAC	TTAGTGATG	TGAAGAATGT	יים איים איים איים איים איים איים איים	CCC A A TOC	604
LpMDHh51	:	GATCTCTGAGAGACI	TGATGTCCAAG	STTAGTGATG	TGAAGAATGT'	PATC ATCTCC	CCMAATIC	587
LpMDHh52	:	JATCTCTGAGAGAC'I	'TGATGTCCAAG	TTAGTGATG	TGAAGAATGT	$r \Delta m C \Delta m C m C C c$	CCCA AMC	553
LpMDHh53	:	JATCTCTGAGAGACT	TGATGT <u>I</u> CAAC	TTAGTGATG	TGAANAATGN	$\Gamma A T C A T C T C C$	MCMMCTC.	475
LpMDHh54:	:	<i>J</i> ATCTCTGAGAGACT	"TGATGTCCAAC	TTAGTGATG	TGAAGAATGT	PATCATCTCC	CCCAATC	304
LpMDHh55 :	:	<i>J</i> ATCTCTGAGAGACT	TGATGTCCAAG	TTAGTGATG	TGAAGAATGT	PATCATCTCC	CONTA A TOC	
LpMDHh56:	:	<i>JATCTCTGAGAGACT</i>	TGATGTCCAAG	TTAGTGATG	TGAAGAATGT	PATCATCTCC	CCAATC .	206
LpMDHh57 :	:	JATCTCTGAGAGACT	TGATGTCCAAG	STTAGTGATG	TGAAGAATGTT	PATCATCTGG	GCAATC .	
LpMDHh58 :	:						GCAATC .	6
LpMDHh59 :							GCAMIC .	_
LpMDHh60 :						-	:	_
LpMDHh61 :							: :	_
LpMDHh62 :								~
LpMDHh63 :							·	_
LpMDHh64:			- -			·	· ·	_
							:	_

FIGURE 6 (cont.)

The state of the s

		*	700	*	720	0	*	740	
LpMDHh1	:	ACTCTT N CAGTC	AGTACCCTGA	TGTGAAC			TCCAGTGC	CGAGAAG	: 742
LpMDHh2	:								: -
LpMDHh3	:			- 					: -
${ t LpMDHh4}$:								: -
LpMDHh5	:	ACTCTTCCAG			-				: 650
LpMDHh6	:	ACTCTTCCAGTC				-			: 660
LpMDHh7	:	ACCCTTCCAGTC	A A TACCCTGA	TNTGAAC	CAC <mark>C</mark> CC C C	C NNA AA N ACT	TCCAG-GC	CGA	: 693
LpMDHh8	:	ACTCTTCCAGTC.	AGTACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCAC	CGTGAAGAC1	TCCAGTGC	CGAGAAG	: 701
LpMDHh9	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCAC	CGTGAAGACT	TCCACEGG	CGAGAAG	: 701
LpMDHh10	:	ACTCTTCCAGTC.	AGTACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCAC	CGTGAA N ACT			: 684
LpMDHh11	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCAC	CGTGAAGAC1	TCCAGTGC	CGAGAAG	: 700
LpMDHh12	:	ACTCTTCCAGTC.	AGTACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCAC	CGTGAAGACT	'T N CAGTGG	CGAGAAG	: 698
LpMDHh13	:	A COCOORCE A COC							: -
LpMDHh14 LpMDHh15	:	ACTCTTCCAGTC	AATACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCAC	CGTGAAGACT	TCCAGTGG	<u>N</u>	: 692
LpMDHh116	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCACC	CGTGAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG	: 698
LpMDHh17		ACTCTTCCAGTC	AATACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCACC	GTGAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG	: 698
LpMDHh18	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA A AMA COCMON	TGTGAAC	CACGCCACC	CGTGAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG	: 697
LpMDHh19	:	ACTCTTCCAGTC. ACTCTTNCAGTC.	AGTACCCTGA	TGTGAAC'	CACGCCACC		TCCAGTGG	CGAGAAG	: 698
LpMDHh20	:	ACTCTTCCAGTC	ADTOCOMEN ADTOCOMEN	TGTGAAC	CACGCCACC	CTGAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG	: 698
LpMDHh21	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCACC	CTCAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG	: 697
LpMDHh22	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCACC	CTGAAGACT	TNCAGIGG	CCACAAG	: 698 : 698
LpMDHh23	:					CICAMORCI	INCAGIGG	CGAGAAG	: 698
LpMDHh24	:								
LpMDHh25	:	ACTCTT N CAG N C	ATACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCACC	GNGAA ACN	TMCACTCC	CNACAAC	: 696
LpMDHh26	:	ACTCTTCCAGTC							: 646
LpMDHh27	:	ACTCTT N CAGTC	AATACCCTGA	TGTGAAC	CACGCCACC	GTGAANACT	TTCAGTGG	CGAGAAG	: 697
LpMDHh28	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA'	TGTGAAC(CACGCCACC	GTGAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG	: 695
LpMDHh29	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA'	TGTGAAC	CACGCCACC	GTGAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG	: 695
LpMDHh30	:	ACTCTTCCAGTC	AATACCCTGA'	rgtgaac	CACGCCACC	GTGAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG	: 696
LpMDHh31	:			-					-
LpMDHh32	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA'	IGTGAAC	CACGCCACC	GNGAAGACT	TCCAGTGN	CGAGANN	696
LpMDHh34	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA	rgtgaac(CACGCCACC	GTGAAGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG :	: 695
LpMDHh35	:							 ;	: -
LpMDHh36	:							;	-
LpMDHh37 LpMDHh38	:	A CERCEMPAGA CERCA						:	: -
LpMDHh39		ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA'	I'G'I'GAAC(CACGCCACC	GTGAAGACT	TTCAGTGG	:	: 686
LpMDHh40							-		: -
LpMDHh41			- -					:	-
LpMDHh42		ACTCTTCCAGTC	ACTACCCTCA		CACCCCACC	CMC A A CA CM	TGG2 GTGG	:	-
LpMDHh43	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA.	rangaact rangaact	CACGCCACC	GIGAAGACI"	TCCAGTGG		685
LpMDHh44	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGA:	PGTGAACC	CACGCCACC	GTGAAGACT	TCCAGTGG	CCAGAAG :	693
LpMDHh45 :	:	ACTCTTCCAGTC	ATACCCTGA	PGTGAAC	CACGCCACC	GTGAAGACT GTGAAGACT	PNC ACTGG	CACAA	690
LpMDHh46:	:	ACTCTTCCAGTC	ATACCCTGAT	rgtgaaco	CACGCCACC	GTGAAGACT	TNCAGTGG	CAGAAG	692
LpMDHh47 :	:	ACTNTTCCAGTC	AGTNCCCTGAT	rgtgaac(CACNCC C CC	G CA AANACT'	rccag		679
LpMDHh48 :	:	ACTCTTCCAGTC	AGTACCCTGAT	rgtgaac(CACGCCACC	GTGAAGACT'	CCAGN	:	676
LpMDHh49 :	:	ACTCTTCCAGTC#	AGTACCCTGAT	rgtgaac(CACGCCACC	GTGAAGACT'	CCAGTGG	CGAGAAG	688
LpMDHh50 :	:	ACTCTTCCAGTC <i>a</i>	AGTACCCTGAT	rgtgaaco	CACGCCACC	GTGAGGACT	TCCAGTGG	CGAGAAG ·	666
LpMDHh51:	:	ACTCTTCCAGTC	AT ACCCTGA1	rgtgaaco	CACGCCACC	GTGAAGACT'	PCCAGTGG	CAGAAC .	649
LpMDHh52:	:	ACTCTTCCAGTC <i>E</i>	\GTACCCTGA7	rgtgaaco	CACGCCACC	GTGAAGACT'	rccagtgg(CGAGAAG :	615
LpMDHh53:	:	ACTCTTNCANNCN	L'TNCCCTGA'	rg nnan co		- -		 .	513
LpMDHh54:	:	ACTCTTCCAGTCA	AGTACCCTGAT	GTGAACC	CACGCCACC	GTGAAGACT'	FCCAGTGG	CGAGAAG :	366
LpMDHh55:		ACTCTTCCAGTCA	ATACCCTGAT	GTGAACC	CACGCCACC	GTGAAGACT	rccagtgg(CGAGAAG :	288
LpMDHh56 :		ACTCTTCCAGTCA	AGTACCCTGAT	GTGAACC	CACGCCACC	GTGAAGACT'	rccagtgg(GAGAAG :	268
LpMDHh58:		ACTCTTCCAGTCA	GTACCCTGAT	GTGAACC	ACGCCACC	GTGAAGACT'	rccagtgg(GAGAAG :	264
LpMDHh59:		ACTCTTCCAGTCA	CLY CCCLC-V	GTGAAC(ACGCCACC	GTGAAGACT'	rccagtgg(GAGAAG :	67
LpMDHh60:			GTACCCTGAT	G I GAACC	ACGCCACC				49
LpMDHh61:							CNGTGG	** *	14
LpMDHh62:			·				G	CGAGAAG :	8
LpMDHh63:								:	-
LpMDHh64:								· :	
					. –			:	-

		*	760	*	780	*	800	
LpMDHh1	:	CCTGTTCGC	GAACTTGTTAA	AGACGATG				- : 770
LpMDHh2	:			- 				- : -
LpMDHh3	:		-			-		_ : _
LpMDHh4	:							_ : _
LpMDHh5	:							- : -
LpMDHh6	:						-	- : -
LpMDHh7	:							
LpMDHh8	:	CCTGTTCGC	GAACTTGTTAA	AGACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGNTCAT	TGCCACTGTCC	. 763
LpMDHh9	:	CCTGTTCGCC	GAACTTGTTAAA	AGACGATGAA	TGGCTAAATG	CANGGETCAT	TGCCACTGTCCA	: 763
LpMDHh10	:							- : -
LpMDHh11	:	CCTGTTC						- : 707
LpMDHh12	:	CCTGTTCGCC	GAACTTGTTAA	AGACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTGTCCA	760
LpMDHh13	:							-
LpMDHh14	:					-		-: -
LpMDHh15	:	CCTGTTCGCC	GAACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTGTCCA	: 760
LpMDHh16	:	CCTGTTCGCC	SAACTTGTTAAA	AGACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTGTCC	: 760
LpMDHh17	:	CCTGTTCGCC	SAACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTGTCCA	. 759
LpMDHh18	:	CCTGTTCGCC	GAACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTGTCCZ	• 760
LpMDHh19	:	CCTGTTCGCC	SAACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTGTCCZ	. 760
LpMDHh20	:	CCTGTTCGCC	SAACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTGTCCA	: 759
LpMDHh21	:	CCTGTTCGCC	SAACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTNAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTG N CCZ	. 760
LpMDHh22	:	CCTGTTCGCC	SAACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT	TGCCACTGTCC	: 760
LpMDHh23	:							· : -
LpMDHh24	:			·				- : -
LpMDHh25	:					-		- : -
LpMDHh26	:	COMOMMOGGG						- : -
LpMDHh27 LpMDHh28	:	CCTGTTCGCC						: 711
LpMDHh29	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT'	TGCCACTGTCCA	: 757
LpMDHh30	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT'	TGCCACTGTCCA	: 757
LpMDHh31		CCIGIICGCG	JAACTIGNTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG	CAGGGTTCAT'	TGCCACTGTCCA	: 758
LpMDHh32	:							· ; -
LpMDHh34	:	CCTCTTCCCC	'A A COMCOMA A A	G2 GG2 #G2 2	TO C C TO			: -
LpMDHh35	:	CCIGIICGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAA	TGGCTAAATG('AGGGTTCAT'	IGCCACTGTCCA	: 757
LpMDHh36	:					-		· : -
LpMDHh37	:							: -
LpMDHh38	:							: -
LpMDHh39	:							: -
LpMDHh40	:							: -
LpMDHh41	:							• • -
LpMDHh42	:							
LpMDHh43	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAA	rggctaaatgc	ACCCTTC ATT	TGCCACTGTCCA	. 755
LpMDHh44	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAA	rggctaaatg	AGGGTTCAT!	IGCCAC IGICCA IGCCACTGTCCA	: 754
LpMDHh45	:							. /34
LpMDHh46	:	CCTGTTCG						: 700
LpMDHh47	:							. /00
LpMDHh48	:							
LpMDHh49	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAA	rggctaaatgc	CAGGGTTCATT	rgccactgtcca	. 750
LpMDHh50	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAA1	rggctaaatgc	AGGGTTCATT	GCCACTGTCCA	: 728
LpMDHh51	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGAT				: 676
LpMDHh52	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAA	GGCTAAATGC	AGGGTTCATT	GCCACTGTCCA	: 677
LpMDHh53	:			-				·
LpMDHh54	:	CCTGTTCGCG.	AACTTGTTAAA	GACGATGAAT	TGGCTAAATGC	AGGGTTCATT	rGCCACTGTCCA	: 428
LpMDHh55	:	CCTGTTCGCG	AACTTGTTAAA	GACGATGAAT	CGCTAAATGC	'AGGGTTC ATT	CCCACTCTCCA	. 350
LpMDHh56	:	CCTGTTCGCG.	AACTTGTTAAA	GACGATGAAT	CGGCTAAATGC	'AGGGTTC ATT	CCC A CTCTCC A	: 330
LpMDHh57	:	CCTGTTCGCG,	AACTTGTTAAA	GACGATGAA1	GGCTAAATGC	AGGGTTC ATT	CCC ACTGTCC A	: 326
LpMDHh58	:	CCTGTTCGCG.	AACTTGTTAAA(GACGATGAA1	GGCTAAATGC	'AGGGTTC ATT	$CCC\DeltaCTCTCC\Delta$: 129
LpMDHh59 :	:	CCTGTTCGCG.	AACTTGTTAAA	GACGATGAAT	GGCTAAATGC	AGGGTTC ATT	CCCACTCTCCA	: 111
LpMDHh60 :	:	CCTGTTCGCG	-ACTTGTTAAA	GACGATGAA1	GGCTAAATGC	AGGGTTCATT	CCC ACTCTCC A	: 75
-	:	CCTGTTCGCG.	AACTTGTTAAA(GACGATGAAT	GGCTAAATGC	AGGGTTCATI	GCCACTGTCCA	: 70
LpMDHh62 : LpMDHh63 :								: -
LpMDHh64:								: -
-prinii04 :								: -

		020	
${\tt LpMDHh1}$:		
LpMDHh2	:		:
LpMDHh3	•		:
LpMDHh4	•		:
_	:		:
LpMDHh5	•		:
LpMDHh6	:		:
LpMDHh7	:		:
LpMDHh8	:	GCAGCGTGCTGCAATCATCAAAGCGAG	: 79
LpMDHh9	:	GCAGCGTGGNGCTGCAATCATCAAAGNGAGGAAC	: 79
LpMDHh10	:		. / 5
LpMDHh11			:
LpMDHh12	:		:
LpMDHh13	•	GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTNCA	: 80
-	:		:
LpMDHh14	:		:
LpMDHh15	:	GCAG	: 76
LpMDHh16	:	GCAGCGTGG	: 769
LpMDHh17	:	GCANCGTGGTG	: 77
LpMDHh18	:	GCAGCGTGCTGCAATC	: 779
LpMDHh19	:	ACAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCG	
LpMDHh20		GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGC	: 788
LpMDHh21	:	CC CCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	: 794
	•	GCAGCGTGGTGCTGCNATCATCAAAGCGAGGAAGCTT	: 79
LpMDHh22	:	GCAGCGTGGNGCTGC-ATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTTCAGT	: 802
LpMDHh23	:		: -
LpMDHh24	:		
LpMDHh25	:		
LpMDHh26	:		•
LpMDHh27	:		•
LpMDHh28		GCAGCGTGGTC	:
LpMDHh29	:	GCAGCGTGCTGCAATCATCAAAG	: 768
LpMDHh30	•	GCAGCOTGGTGC TGCAATCATCAAAG	: 783
_	•	GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCT N CAGTGC	: 803
LpMDHh31	:		: -
LpMDHh32	:		: -
LpMDHh34	:	GCAGCGTGCTGCAATCATA	: 779
LpMDHh35	:		. ,,,
LpMDHh36	:		
LpMDHh37	:		: -
LpMDHh38			: -
LpMDHh39	:		: -
LpMDHh40	•		: -
_	:		: -
LpMDHh41	:		: -
LpMDHh42	:		: -
LpMDHh43	:	GCAGCGTG	: 763
LpMDHh44	:	GCAGCGTGGTGCTAATCATCAAAGCGAGGAAGCT	. 790
LpMDHh45	:		. , , , , ,
LpMDHh46	:		_
LpMDHh47	:		
LpMDHh48			
LpMDHh49	:	CC1/CCCMCCMCCMCC11/MC1/MC1/MC1/MC1/MC1/M	: -
LpMDHh50	•	GCAGCGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCT	: 786
	:	GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTG	: 772
LpMDHh51	:		: -
LpMDHh52	:	GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTGCTCTCTCT	739
LpMDHh53	:		: -
LpMDHh54	:	$\tt GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCT{\tt T}TCCAGTGCTCT{\tt T}{\tt T}{\tt T}TGCTGCCAGCT$: 490
LpMDHh55	:	GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTGCTCTCTCT	
LpMDHh56	:	GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTGCTCTCTCT	412
LpMDHh57	:	GCAGCGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTGCTCTCTCT	392
LpMDHh58		GCAGGTGGTGCTGCAAAGCAAAAGCAAGAAAGCTCTCCAGTGCTCTCTGCTGCCAGCT	388
LpMDHh59	:	GCAGCGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTGCTCTCTCT	
_		GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTGCTCTCTCT	173
LpMDHh60	:	GCAGCGNGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTGCTCTCTCT	137
LpMDHh61	:	GCAGCGTGGTGCTGCAATCATCAAAGCGAGGAAGCTCTCCAGTGCTCTCTCT	132
LpMDHh62	:		_
LpMDHh63	:		_
LpMDHh64	:		

		*	880	*	900	*	920	*	
LpMDHh1	:			-					• -
LpMDHh2	:			-					
LpMDHh3	:								: _
LpMDHh4	:						-		: _
LpMDHh5	:			- -					: _
LpMDHh6	:								
LpMDHh7	:		-						: -
LpMDHh8	:								-
LpMDHh9	:								: -
LpMDHh10	:			<u>-</u>					: -
LpMDHh11	:								: -
LpMDHh12	:								: -
LpMDHh13									: -
LpMDHh14			-						: -
LpMDHh15									: -
LpMDHh16	:								: -
LpMDHh17	:								: -
LpMDHh18	:								: -
LpMDHh19	:					·			: -
LpMDHh20	:								: -
LpMDHh21	:					·			: -
LpMDHh22	:						~		: -
_	:					~			: -
LpMDHh23	:								: -
LpMDHh24	:								: -
LpMDHh25	:								: -
LpMDHh26	:								: -
LpMDHh27	:								: -
LpMDHh28	:								: -
LpMDHh29	:								: -
LpMDHh30	:							. – – –	: -
LpMDHh31	:			-	~				: -
LpMDHh32	:								: -
LpMDHh34	:				-				
LpMDHh35	:								
LpMDHh36	:								: -
LpMDHh37	:								
LpMDHh38	:								
LpMDHh39	:			·					: _
LpMDHh40	:		-						: _
LpMDHh41	:								: _
LpMDHh42	:								: _
LpMDHh43	:								•
LpMDHh44	:			·					
LpMDHh45	:					-			
LpMDHh46	:		-	-	~				: -
LpMDHh47	:								
LpMDHh48	;								
LpMDHh49	:			- -					: -
LpMDHh50	:								
LpMDHh51	:								: -
LpMDHh52	:	CTGCTTGTC	GACCACATCC	GTGATT					. 763
LpMDHh53	:			-					: 763
LpMDHh54	:	CTGCTTGTC	GACCACATCC	GGGATTGGG	PTCTCGGAAC	CCCTGANGGA		TOODE	: -
LpMDHh55 :	:	CTGCTTGTC	GACCACATCC	GTGATTGGG	PTCTTTCCAAAC	CCCTGA <u>N</u> GGAA CCCTGAGGGAA	ACATTTGTT	TCCATG	: 552
LpMDHh56	:	CTGCTTGTC	SACCACATCC	GTGATTGGG:	PTCTCCCAAC	CCCTGAGGGA/ CCCTGAGGGA/	ACATTTGTT	TCCATG	: 474
LpMDHh57 :	:	CTGCTTGTC	ACCACATCC	GTGATTGGG	PTCTCCCAAC	CCCTGAGGGA!	ACATTTGTT	TCCATG	: 454
LpMDHh58 :	:	CTGCTTGTC	SACCACATCC	GTGATTCCC	PTCTCCCAAC	CCCTGAGGGA/ CCCTGAGGGA/	ACATTTGTT	TCCATG	: 450
LpMDHh59		CTGCTTGTC	BACCACATCC	GTGATTGGGT	PTCTCCCAAC	DUCTGAGGGAZ CCCTGAGGGAZ	ACATTTGTT	TCCATG	: 253
LpMDHh60 :	:	CTGCTTGTC	ACCACATCC	GTGATTGGG	PTCTCCC2 2-CC	CCTGAGGGAA CCCTGAGGGAA	ACATTTGTT	TCCATG	: 235
LpMDHh61 :	:	CTGCTTGTG	ACCACATCC	GTGATTGGGT	PTCTCCCAAAC(JUCTGAGGGAA JUCTGAGGGAA	ACATTTGTT	ICCATG	: 199
LpMDHh62 :				IGGG	TCICGGAAC(CCTGAGGGAA	ACATTTGTT	ICCATG	: 194
LpMDHh63:	:								: -
LpMDHh64:									-
								;	-

		940 *		960	*	980	*	
LpMDHh1	:							: -
LpMDHh2	:							
LpMDHh3	:							
LpMDHh4	:					- -		•
LpMDHh5	:							
LpMDHh6	:				-			
LpMDHh7	:							
LpMDHh8								-
LpMDHh9	Ţ							: -
LpMDHh10	:					-		: -
LpMDHh11	:		-					: -
LpMDHh12	:							: -
LpMDHh13	:							: -
LpMDHh14	:							: -
LpMDHh15	:				-			: -
LpMDHh16	:							: -
LpMDHh17	•							: -
LpMDHh18	:							: -
_	:							: -
LpMDHh19	:							: -
LpMDHh20	:							: -
LpMDHh21	:							: -
LpMDHh22	:							: -
LpMDHh23	:							: -
LpMDHh24	:							: -
LpMDHh25	:		-					: -
LpMDHh26	:							: -
LpMDHh27	:							: -
LpMDHh28	:				·			: -
LpMDHh29	:							: -
LpMDHh30	:							
LpMDHh31	:							
LpMDHh32	:							
LpMDHh34	:							
LpMDHh35	:							
LpMDHh36	:							
LpMDHh37	:					-		
LpMDHh38	:			-	-			
LpMDHh39	:							
LpMDHh40	:							
LpMDHh41	:							. –
LpMDHh42	:							. –
LpMDHh43	:			- -				-
LpMDHh44	:			-				_
LpMDHh45	:							_
LpMDHh46	:						~	-
LpMDHh47								_
LpMDHh48								-
LpMDHh49								-
LpMDHh50								-
LpMDHh51							:	-
LpMDHh52								_
LpMDHh53								-
LpMDHh54		CCTCTCTATTCTCATCC	na Outo 6	magamagaa			:	·
LpMDHh55	•	GGTGTGTATTCTGATGGNT-A	PACNGGC	TGCCTGGTGG	GCTTATCTA	CTCCTTNCCAG	NAAC :	613
_		GGTGTGTATTCTGATGGTTCAT	racgg1(FIGCCTGCTGG	GCTTATCTA	CTCCTTCCCAG	TAAC :	
LpMDHh56		CNTGTGTATTCTGATGGTTCAT	racggT(TGCCTGCTGG	GCTTATCTA	CTCCTTCCCAG	TAAC :	
LpMDHh57		GGTGTGTATTCTGATGGTTCAT	IACGGT(TGCCTGCTGG	GCTTATCTA	CTCCTTCCCAG	TAAC :	
LpMDHh58 :	•	GGTGTGTATTCTGATGGTTCA	IACGGT(TGCCTGCTGG	GCTTATCTA	CTCCTTCCCAG	TAAC :	315
LpMDHh59 :		GGTGTGTATTCTGATGGTTCAT	ACGGTC	TGCCTGCTGG	GCTTATCTA	CTCCTTCCCAG	TAAC :	
LpMDHh60:	:	GGTGTGTATTCTGATGGTTCA	PACGGTO	STGCCTGCTGG	GCTTATCTA	CTCCTTCCCAG	TAAC :	261
LpMDHh61:	:	GGTGTGTATTCTGATGGTTCA	PACGGTO	TGCCTGCTGC	GCTTATCTA	CTCCTTCCCAG	TAAC :	256
LpMDHh62:	:						:	-
LpMDHh63:	:						:	-
LpMDHh64:	:						:	-

		1000	*	1020	*	1040	*	
LpMDHh1	:							: -
LpMDHh2	:							
LpMDHh3	:		-					: _
LpMDHh4	:							· _
LpMDHh5	:		-					: _
LpMDHh6	:							
LpMDHh7	:		- -					
LpMDHh8	:							
LpMDHh9	:		-					-
LpMDHh10	:	-	~					: -
LpMDHh11	:			-				: -
LpMDHh12	i							-
LpMDHh13	÷							: -
LpMDHh14	:							; -
LpMDHh15	:							: -
LpMDHh16	:							: -
LpMDHh17	:		-	- -	-			: -
LpMDHh18	:							: -
LpMDHh119	:							: -
LpMDHh19	:			-				: -
-	:							: -
LpMDHh21 LpMDHh22	:							: -
-	:							: -
LpMDHh23	:							: -
LpMDHh24	:							: -
LpMDHh25	:							: -
LpMDHh26	:							: -
LpMDHh27	:							: -
LpMDHh28	:							: -
LpMDHh29	:				-			: -
LpMDHh30	:					- -		: -
LpMDHh31	:							: -
LpMDHh32	:							: -
LpMDHh34	:							: -
LpMDHh35	:							: -
LpMDHh36	:							
LpMDHh37	:							: -
LpMDHh38	:							
LpMDHh39	:							· _
LpMDHh40	:							
LpMDHh41	:							
LpMDHh42	:							
LpMDHh43	:							
LpMDHh44	:							
LpMDHh45	:			·				· -
LpMDHh46	:							
LpMDHh47	:		-	·	-			
LpMDHh48	:							• -
LpMDHh49	:							: - : -
LpMDHh50	:							: -
LpMDHh51	:							: -
LpMDHh52	:							: -
LpMDHh53	:							
	:	TTGCTG N GG G GG	GAATGGACA	ATTGNTCAAAC	CCTNCCNATC	NACNACEE		
LpMDHh55		TTGCTGCGGTGGT	GAATGGACA	ATTOMICAAAC	CCTCCCCATC	NACNAGIII	COCAACAAAA	: 664
	:	TTGCTGCGGTGGT	GAATGGACA	ATTGTTCAAGG	CCTCCCCATC	CACCACTTI	CICAAGAAAGA	: 598
LpMDHh57	:	TTGCTGCGGTGGT	GAATGCACA	ATTOTICAAGO	CCTCCCGATC	CACCAGT"I	CICAAGAAAGA	: 578
	:	TTGCTGCGGTGGT	CAATGGACA	ATTGITCAAGG	GCTCCCGATC	GACGAGTT	TCAAGAAAGA	: 574
	:	TTGCTGCGGTGGT	CANTOGACA	ATIGITUAAGG	GCTCCCGATC	GACGAGTT	TCAAGAAAGA	: 377
	:	TTGCTGCGGTGGT	CAATCCACA	ATTGTTCAAGC	GCTCCCGGTC	GACGAGTT	TCAAGAAAGA	: 359
LpMDHh61		TTGCTGCGGTGGT TTGCTGCGGTGGT	CAATCCACA	ATTGTTCAAGG	GCTCCCGATC	GACGAGTT	TCAAGAAAGA	: 323
LpMDHh62		TTGCTGCGGTGGT	GAATGGACA	ATIGITCAAGG	GCTCCCGATC	GACGAGTT	TCAAGAAAGA	: 318
LpMDHh63					CTTCCCGAAA	CCCCACTT	CTC-TTTTAG-	: 28
LpMDHh64	:							-
	•						;	

	1060	*	1080	*	1100	*	
LpMDHh1	:						: -
LpMDHh2	:		-				: -
LpMDHh3	:						: -
LpMDHh4	:						: -
LpMDHh5	:						: -
LpMDHh6	:						: -
LpMDHh7	:						: -
LpMDHh8	:						: -
LpMDHh9	:						: -
LpMDHh10	:		- -				: -
LpMDHh11	:		-				: -
LpMDHh12	:						: -
LpMDHh13	:						: -
LpMDHh14	:						: -
LpMDHh15	:						: -
LpMDHh16	:						: -
LpMDHh17	:						: -
LpMDHh18	:						: -
LpMDHh19	:						: -
LpMDHh20	:						: -
LpMDHh21	:						: -
LpMDHh22	:		-				: -
LpMDHh23	:						: -
LpMDHh24	:		-				: -
LpMDHh25	:						: -
LpMDHh26	:						: -
LpMDHh27	:						: -
LpMDHh28	:		-				: -
LpMDHh29	:						: -
LpMDHh30	:						: -
LpMDHh31	:						: -
LpMDHh32	:						: -
LpMDHh34	:						: -
LpMDHh35	:		-				: -
LpMDHh36	:			-			: -
LpMDHh37	:						: -
LpMDHh38	:			-			: -
LpMDHh39	:						: -
LpMDHh40	:						: -
LpMDHh41	:						: -
LpMDHh42	:						: -
LpMDHh43	:						: -
LpMDHh44	:						: -
LpMDHh45	:						: -
LpMDHh46	:						: -
LpMDHh47	:						: -
LpMDHh48	:						: -
LpMDHh49 LpMDHh50	:						: -
-	:						: -
LpMDHh51 LpMDHh52	:						: -
							: -
LpMDHh53			-				: -
LpMDHh54 LpMDHh55	. ACAMOGA	TCCCACACAC	220020000				: -
	: AGATGGA	TGCCACAGCC(LAGGAGCTCT(CGGAGGAGAA(GCTCTCGCC'	PACTCGTGCCTCGAG	: 660
_	: AGATGGA	TGCCACAGCC(LAGGAGCTCT(G N AGGAGAA(GCTCTCGCC	PACTCGTGCCTCGAG	: 640
	: AGATGGA	TGCCACAGCC(LAGGAGCTCT(CGGAGGAGAA(GCTCTCGCC'	PACTCGTGCCTCGAG	: 636
-	: AGATGGA	TGCCACAGCC(LAGGAGCTCT(GGAGGAGAA(GCTCTCGCC'	PACTCGTGCCTCGAG	: 439
	: AGATGGA	TGCCACAGCC	LAGGAGCTCT(CGGAGCAGAA(GCTCTTGCC	FACTCGTGCCTCGAG	: 421
	: AGATGGA' : AGATGGA'	TGCCACAGCC(AGGAGCTCT(.GGAGGAGAA(GCTCTCGCC'	FACTCGTGCCTCGAG	: 385
	: AGATGGA : AGA-GGA	TGCCACAGCCC	CAGGAGCTCT(LGGAGGAGAA(GGTCTCGCC	PACTCGTGCCTCGAG	: 380
LpMDHh63	· AGA-GGA	LGCCACAGCCC	AGGAGCTCT(CGAGGAGAA(edillikucecc.	PACTCGGGCCTCGAG	: 89
LpMDHh64	. === =		COTO	LGGAGGAGAA(-GCTCTCGCC'	PACTCGTGCCTCGAG	: 38
-Frantitio#							: -

		1120	*	1140	*	1160	*	11
LpMDHh1	:				-			: -
LpMDHh2	:	-						· : -
LpMDHh3	:							: -
LpMDHh4	:							: -
LpMDHh5	:							: -
LpMDHh6	:							: -
LpMDHh7	:							· : -
LpMDHh8	:							· : -
LpMDHh9	:		·					: -
LpMDHh10	:							· : -
LpMDHh11	:							· : -
LpMDHh12	:							· : -
LpMDHh13	:							· : -
LpMDHh14	:							: -
LpMDHh15	:							: -
LpMDHh16	:							· : -
LpMDHh17	:							:
LpMDHh18	:							:
LpMDHh19	:						-	: -
LpMDHh20	:							: -
LpMDHh21 LpMDHh22	:							: -
-	:							: -
LpMDHh23	:							: -
LpMDHh24 LpMDHh25	:							: -
LpMDHh26	:							: -
LpMDHh27	:							:
-	:				·			: -
LpMDHh28 LpMDHh29	:							: -
LpMDHh30	:							: -
LpMDHh31	:							: -
LpMDHh32	:			·				: -
LpMDHh34	:			-				: -
LpMDHh35	:							: -
LpMDHh36	:				·			: -
LpMDHh37	:							: -
LpMDHh38	:			·	-			: -
LpMDHh39	:							: -
LpMDHh40	:							: -
LpMDHh41	:							: -
LpMDHh42	:							: -
LpMDHh43								: -
LpMDHh44	:							~-: -
LpMDHh45	:							: -
LpMDHh46	:	-						: -
LpMDHh47	:							: -
LpMDHh48	:							: -
LpMDHh49	:		~					: -
LpMDHh50	:				~			: -
LpMDHh51	:							: -
LpMDHh52	:							: -
LpMDHh53	:							: -
LpMDHh54	:							: -
LpMDHh55	:	TAACTGCAT	ACCAGGGAG	CAGCTGCCGC	TCTGATGTTT	ТСААТААААСС	GAACATTTTGGC	: - TN : 722
_	:	TAACTGCAT	ACCAGGGAG	CAGCTGŤCGC	TCTGATGTTT	TGAATAAAAG	SNACATTTTGGC.	IN : 722 IN : 701
LpMDHh57	:	TAACTGCAT	ACCAGGGAG	CAGCTGCCGC	TCT		IIIGNC.	
LpMDHh58	:	TAACTGCAT	ACCAGGGAG	CAGCTGCCGC	TCTGATGTTT	TGAATAAAAG	GAACATTTTGGC1	: 667 IC : 501
LpMDHh59	:	${ m TAACTGCAT}.$	ACCAGGGAG	CAGCTGCCGC	TCTGATGTTT	TGAATAAAAA	$^{\circ}\Delta$ $^{\circ}\Delta$ $^{\circ}\Delta$ $^{\circ}\Delta$ $^{\circ}\Delta$ $^{\circ}\Delta$ $^{\circ}\Delta$	TC . 193
LpMDHh60	:	Γ AACTGCAT.	ACCAGGGAG	CAGCTGCCGC	TCTGATGTTT	TGAATAAAAG(AACATTTTCCCT	PC • 117
LpMDHh61	:	PAACTGCAT.	ACCAGGGAG	CAGCTGCCGC	TCTGATGTTT	TGAATAAAAGG	SAACATTTTGGCT	TC · 442
LpMDHh62	: [PAACTGCAT:	ACCAGGGAG	CAGCTGCCGC	TCTGATGTTT	TGAATAAAAGG	GAACATTTTGGCT	rc · 151
LpMDHh63	:	TAACTGCAT	ACCAGGGAG	CAGCTGCCGC	TCTGATGTTT	TGAATAAAAG	GAACATTTTGGCT	rc : 100
LpMDHh64 :	: `							: -

	80	*	1200	*	1220	*	1240	
LpMDHh1 :							:	_
LpMDHh2 :						-	:	-
LpMDHh3 :							:	
LpMDHh4 :							:	_
LpMDHh5 :							:	-
LpMDHh6 :							:	_
LpMDHh7 :						-	:	-
LpMDHh8 :							:	-
LpMDHh9 :							:	-
LpMDHh10 : LpMDHh11 :							:	_
LpMDHh11:			~				;	-
LpMDHh13:							:	-
LpMDHh14:							:	-
LpMDHh15:							:	-
LpMDHh16:							:	-
LpMDHh17:							:	_
LpMDHh18:							:	-
LpMDHh19:							:	-
LpMDHh20 :							:	-
LpMDHh21 :							:	-
LpMDHh22:							:	-
LpMDHh23 :							:	-
LpMDHh24:							:	_
LpMDHh25 :								-
LpMDHh26:							:	-
LpMDHh27 :								-
LpMDHh28 :								_
LpMDHh29 :								_
LpMDHh30 :								-
LpMDHh31 :								_
LpMDHh32 :								
LpMDHh34:								-
LpMDHh35:								_
LpMDHh36:								_
LpMDHh37:		-						_
LpMDHh38:							:	_
LpMDHh39 :							:	_
LpMDHh40:	~			-		-	:	~
LpMDHh41 :							:	_
LpMDHh42 :				-				_
LpMDHh43 :				~			:	_
LpMDHh44:								_
LpMDHh45 :							:	_
LpMDHh46 :					- <i></i>		:	_
LpMDHh47 :				-	-		:	_
LpMDHh48 :							:	_
LpMDHh49 :							:	_
LpMDHh50 :							:	_
LpMDHh51:							:	_
LpMDHh52:							:	-
LpMDHh53 :								-
LpMDHh54:								-
LpMDHh55 :		ACTCAT						734
LpMDHh56:	CATG						:	705
LpMDHh57:	07.55						 :	-
LpMDHh58:	CATGAA	AACTCATCTCC	ACTCAGAACA(GTTGCACATO	CGCGGTGCCTTT	'AGCTGGTTT'	TTCCAG :	563
LpMDHh59:	CATGAZ	AACTCATCTCC	ACTCAGAACA	GTTGCACATO	CGCGGTGCCTTT	AGCTGGTTT.	TTCCAG :	545
LpMDHh60:	CATGAA	ACTCATCTCC	ACTCAGAACA	GTTGCACAT(GCGGTGCCTT	AGCTGGTTT	TTCCAG :	509
LpMDHh61:	CATGAA	ACTCATCTCC!	ACTCAGAACA	GTTGCACAT(CGCGGTGCCTTT	'ACCTGGTTT'	TTCCAG :	504
LpMDHh62 : LpMDHh63 :	CATGAA	ACTCATCTCC	ACTCAGAACA	JTTGCACAT(CGCGGTGCCTTT	AGCTGGTTT:	TTCCAG :	213
LpMDHh64:	CATGAA	ACTUATUTUU	CTCAGAACA(JTTGCACAT(CGCGGTGCCTTT	AGCTGGTTT	TTCCAG :	162
							:	_

			*	1260	*	1280	*	1300
LpMDHh1	:							
LpMDHh2	:							:
LpMDHh3	:			-				
LpMDHh4	:							
LpMDHh5						_		
LpMDHh6								
LpMDHh7	:							:
LpMDHh8								:
LpMDHh9	:						-	:
_					- -			:
LpMDHh10	٠							:
LpMDHh11	:							:
LpMDHh12	:			-				:
LpMDHh13	:							:
LpMDHh14	:							:
LpMDHh15	:							:
LpMDHh16	:							:
LpMDHh17	:							:
LpMDHh18	:						-	:
LpMDHh19	:							:
LpMDHh20	:							
LpMDHh21	:							
LpMDHh22	:							
LpMDHh23	:							:
LpMDHh24	•							:
LpMDHh25								:
LpMDHh26	:							:
LpMDHh27	:							:
LpMDHh28	:							:
-	:							:
LpMDHh29	:							·:
LpMDHh30	:							·:
LpMDHh31	:							:
LpMDHh32	:							:
LpMDHh34	:							· :
LpMDHh35	:					-		:
LpMDHh36	:							·:
LpMDHh37	:		- ~		·			
LpMDHh38	:							
LpMDHh39	:					-	-~	
LpMDHh40	:							
LpMDHh41	:				. – – – – –			:
LpMDHh42	:			· -				
LpMDHh43	:							
LpMDHh44	:			·				:
LpMDHh45	:							;
LpMDHh46	:							:
LpMDHh47	:							:
LpMDHh48	:							:
LpMDHh49	:							:
LpMDHh50	:							:
LpMDHh51	•							:
LpMDHh51 LpMDHh52	•							:
	:							:
LpMDHh53	:							
LpMDHh54	:							
LpMDHh55	:							:
LpMDHh56	:							:
LpMDHh57	:					- -		
LpMDHh58	:	TGTGTATGA	ATGAGG	CTTTTGTAGCT	CTATTTTC	GCCTGATGATT	TACAGGACAG	CATATTC . 6
LpMDHh59	:	TGTGTATGA	ATGAGG	CTTTTGTAGCT	СТАТТТТС	GCCTGATGATT	TACAGGACAG	
	:	TGTGTATGA	ATGAGG	CTTTTGTAGCT	СТАТТТТС	GCCTGATGATT	PACACCACAC	GATATTG : 6
	:	TGTGTATGA	ATGAGG	CTTTTGTAGCC	СТАТТТТС	GCCTGATGATT:	PACACCACAC	GATATTG : 5
LpMDHh62	:	TGTGTATGA	NTGAGG	СФФФСФ	CIMIIIIC	GCCTGATGATT GCCTGATGATT	TACAGGACAG	GATATTG : 5
LpMDHh63	:	TGTGTATCA	ATGACC	CTTTTGTAGCT		GCCTGATGAT"!" GCCTGATGATT	racaggacag	GATATTG : 2
LpMDHh64	:		AACNIAC	CTTTTOTAGCT	CMARROR	CCCTGATGATT.	TACAGGACAG	GATATTG : 2
	•			CITITIGTAGCT	CIATITIC	GCCTGNAGATT	PACAGGACAG	GATATTG :

LpMDHh1				*	1320	*	1340	*	1360	
LpMDHh3 LpMDHh5 LpMDHh6 LpMDHh6 LpMDHh6 LpMDHh6 LpMDHh6 LpMDHh6 LpMDHh6 LpMDHh10 LpMDHh10 LpMDHh11 LpMDHh11 LpMDHh11 LpMDHh13 LpMDHh13 LpMDHh14 LpMDHh14 LpMDHh15 LpMDHh16 LpMDHh16 LpMDHh17 LpMDHh16 LpMDHh17 LpMDHh17 LpMDHh17 LpMDHh19 LpMDHh19 LpMDHh19 LpMDHh19 LpMDHh21 LpMDHh21 LpMDHh21 LpMDHh21 LpMDHh21 LpMDHh23 LpMDHh24 LpMDHh24 LpMDHh25 LpMDHh24 LpMDHh25 LpMDHh26 LpMDHh26 LpMDHh27 LpMDHh28 LpMDHh29 LpMDHh29 LpMDHh29 LpMDHh30 LpMDHh31 LpMDHh31 LpMDHh31 LpMDHh31 LpMDHh31 LpMDHh32 LpMDHh34 LpMDHh36 LpMDHh37 LpMDHh44 LpMDHh45 LpMDHh36 LpMDHh36 LpMDHh36 LpMDHh36 LpMDHh36 LpMDHh37 LpMDHh46 LpMDHh47 LpMDHh45 LpMDHh46 LpMDHh47 LpMDHh46 LpMDHh56 CoaGangathiganaantigana	LpMDHh1	:			~					
LPMPHh5 LPMPHh5 LPMPHh7 LPMPHh5 LPMPHh7 LPMPHh7 LPMPHh7 LPMPHh10 LPMPHh10 LPMPHh11 LPMPHh11 LPMPHh11 LPMPHh11 LPMPHh11 LPMPHh11 LPMPHh11 LPMPHh12 LPMPHh14 LPMPHh15 LPMPHh15 LPMPHh16 LPMPHh18 LPMPHh18 LPMPHh19 LPMPHh1	LpMDHh2	:								:
LIAMORINES	LpMDHh3	:						·		:
LIAMORINES	LpMDHh4	:								:
LPMOPHS LPMOPH		:								
LPMDHh8 LPMDHB8 LPMDHB10 LPMDHB10 LPMDHB111 LPMDHB13 LPMDHB13 LPMDHB13 LPMDHB13 LPMDHB15 LPMDHB15 LPMDHB15 LPMDHB16 LPMDHB15 LPMDHB16 LPMDHB17 LPMDHB16 LPMDHB17 LPMDHB18 LPMDHB19 LPMDHB19 LPMDHB19 LPMDHB19 LPMDHB12 LPMDHB12 LPMDHB12 LPMDHB12 LPMDHB12 LPMDHB12 LPMDHB12 LPMDHB13 LPMDHB14 LPMDHB14 LPMDHB15 LPMDHB14 LPMDHB15 LPMDHB14 LPMDHB15 LPMDHB14 LPMDHB15 LPMDHB16 L	_	:								:
LpMDH8 LpM	_									:
LpMDHh10 LpMDHh10 LpMDHh10 LpMDHh11 LpMDHh112 LpMDHh113 LpMDHh114 LpMDHh115 LpMDHh115 LpMDHh115 LpMDHh116 LpMDHh116 LpMDHh117 LpMDHh119 LpMDHh119 LpMDHh12 LpMDHh13 LpMDHh14 LpMDHh15 CacGGAAGATGGAACATTGGAGCATGATAAAACCAACCTCTTATTATTCCGTGTGTT 6 LpMDHh16 CacGGAAGATTGGAACATTTGAGGTCTATTAAAACCAACCTCTTATTATTCCGTGTGTT 6 LpMDHh16 CacGGAAGATTGGAACATTTGAGGTCTATTAAAACCAACCTCTTATTATTCCGTGTGTT 6 LpMDHh16 CacGGAAGATTGGAACATTTGAGGTCTATTAAAACCAACCTCTTATTATTCCGTGTGTT 6 LpMDHh16 CacGGAAGATTGGAACATTTGAGGTCTATTAAAACCAACCTCTTATTTAT	-	:					-			:
LPMPHA10 : LPMPHA11 : LPMPHA13 : LPMPHA14 : LPMPHA16 : LPMPHA16 : LPMPHA17 : LPMPHA18 : LPMPHA18 : LPMPHA19 : LPMPHA20 : LPMPHA21 : LPMPHA21 : LPMPHA21 : LPMPHA21 : LPMPHA22 : LPMPHA23 : LPMPHA24 : LPMPHA24 : LPMPHA25 : LPMPHA25 : LPMPHA26 : LPMPHA27 : LPMPHA28 : LPMPHA28 : LPMPHA29 : LPMPHA29 : LPMPHA30 : LPMPHA31 :		:		<u>-</u>						:
LpMDHh11 : LpMDHh13 : LpMDHh15 : LpMDHh16 : LpMDHh17 : LpMDHh17 : LpMDHh19 : LpMDHh19 : LpMDHh20 : LpMDHh21 : LpMDHh21 : LpMDHh21 : LpMDHh21 : LpMDHh21 : LpMDHh23 : LpMDHh24 : LpMDHh24 : LpMDHh25 : LpMDHh26 : LpMDHh27 : LpMDHh27 : LpMDHh27 : LpMDHh28 : LpMDHh28 : LpMDHh29 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh34 : LpMDHh34 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh32 : LpMDHh33 : LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh43 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh60 : CacGaAaChtrogaAcAttrogaCcroattraAaaccaacctrottatratratroctoriottat 3 3 LpMDHh61 : LpMDHh61 : LpMDHh62 : CacGaAcAttrogaAcAttrogaCcaacctrotatraAaaccaacctrottatratratroctoriottat 3 3 LpMDHh61 : LpMDHh61 : LpMDHh61 : LpMDHh61 : LpMDHh62 : LpMDHh62 : LpMDHh62 : LpMDHh63 : CacGaAcAttrogaAcAttrogaCcaacctrotatraAaaccaacctrotatratratroctoriottat 3 3 LpMDHh61 : LpMDHh61 : LpMDHh62 : LpMDHh62 : LpMDHh63 : LpMDHh63 : LpMDHh64 : LpMDHh64 : LpMDHh65 : LpMDHh65 : LpMDHh66	_	•								:
LpMDHh12 : LpMDHh13 : LpMDHh16 : LpMDHh17 : LpMDHh18 : LpMDHh19 : LpMDHh20 : LpMDHh21 : LpMDHh21 : LpMDHh22 : LpMDHh22 : LpMDHh22 : LpMDHh23 : LpMDHh24 : LpMDHh24 : LpMDHh25 : LpMDHh26 : LpMDHh27 : LpMDHh27 : LpMDHh27 : LpMDHh28 : LpMDHh29 : LpMDHh29 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh30 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh50 :	_	:								:
LpMDHh13 LpMDHh24 LpMDHh25 LpMDHh26 LpMDHh26 LpMDHh26 LpMDHh26 LpMDHh27 LpMDHh28 LpMDHh28 LpMDHh29 LpMDHh29 LpMDHh28 LpMDHh29 LpMDHh29 LpMDHh29 LpMDHh29 LpMDHh29 LpMDHh29 LpMDHh39 Caagaagattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaacaattagaaataaaaaaaa	-	:								:
LpMDHh15	-	:								:
LpMDHh16	-	:								:
LpMDHh16 :	_	:								:
LpMDHh18	-	:								
LpMDHh18 : LpMDHh20 : LpMDHh21 : LpMDHh22 : LpMDHh22 : LpMDHh23 : LpMDHh24 : LpMDHh25 : LpMDHh26 : LpMDHh27 : LpMDHh28 : LpMDHh29 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh32 : LpMDHh34 : LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh32 : LpMDHh33 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh32 : LpMDHh33 : LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh32 : LpMDHh33 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh30 :	-	:								•
LpMDHh19	LpMDHh17	:								•
LpMDHh20 : LpMDHh21 : LpMDHh22 : LpMDHh24 : LpMDHh25 : LpMDHh26 : LpMDHh26 : LpMDHh27 : LpMDHh28 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh32 : LpMDHh34 : LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh32 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh46 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh48 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh40 : LpMDHh50 : LpMDH50 : L	LpMDHh18	:								:
LpMDHh22 : LpMDHh23 : LpMDHh24 : LpMDHh25 : LpMDHh26 : LpMDHh27 : LpMDHh28 : LpMDHh29 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh43 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh48 : LpMDHh48 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh40 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh46 : LpMDHh59 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh57 : LpMDHh58 : CaaGaaGaaTtaGaaCaaAttaGacTattaAaaCCaaCcttataTataTattattattattattattattattattatt	LpMDHh19	:								:
LpMDHh22 : LpMDHh23 : LpMDHh24 : LpMDHh25 : LpMDHh26 : LpMDHh27 : LpMDHh28 : LpMDHh29 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh43 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh48 : LpMDHh48 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh40 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh46 : LpMDHh59 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh56 : LpMDHh57 : LpMDHh58 : CaaGaaGaaTtaGaaCaaAttaGacTattaAaaCCaaCcttataTataTattattattattattattattattattatt	LpMDHh20	:								•
LpMDHh22 : LpMDHh24 : LpMDHh26 : LpMDHh27 : LpMDHh28 : LpMDHh29 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh32 : LpMDHh32 : LpMDHh34 : LpMDHh32 : LpMDHh34 : LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh43 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh48 : LpMDHh48 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh40 : LpMDHh40 : LpMDHh40 : LpMDHh40 : LpMDHh40 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh40 :	_	:		- -						:
LpMDHh23	-	:								:
LpMDHh24 :	-	•								:
LpMDHh25 :	-	:								:
LpMDHh26 : LpMDHh28 : LpMDHh29 : LpMDHh30 : LpMDHh31 : LpMDHh31 : LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh48 : LpMDHh48 : LpMDHh48 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh46 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh48 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh49 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh55 : LpMDHh54 : Caagaagattggaacaatttacagacattacagacatttac	-	:								:
LpMDHh27 LpMDHh28 LpMDHh30 LpMDHh31 LpMDHh32 : LpMDHh34 LpMDHh35 LpMDHh36 : LpMDHh37 LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh43 : LpMDHH44 : LpMDHH45 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh57 : LpMDHh58 : CAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAACCAACC	-	•								:
LpMDHh28	-	:								:
LpMDHh39 : LpMDHh30 : LpMDHh35 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh42 : LpMDHh42 : LpMDHh42 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh5 : LpMDHh6 : Caagaagaattgaacaatttgaacaatttgaacaacaacaacaacaacaacaacaacaacaacaacaac	-	:								:
LpMDHh30 :	_	:								:
LpMDHh31 :	•	:								:
LpMDHh32 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh37 : LpMDHh39 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh44 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh45 : LpMDHh5 : LpMDHh5 : LpMDHh46 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh47 : LpMDHh48 : LpMDHh50 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh54 : LpMDHh56 : LpMDHh57 : LpMDHh56 : LpMDHh59 : CCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	•	:								:
LpMDHh34 : LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh43 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh48 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh57 : LpMDHh58 : LpMDHh59 : LpMDHh59 : LpMDH60 : LpMDH61 : LpMDH62 : LpMDH63 : Caaggaagattggaacaattgacctctgattaaaaccaacc	_	:								:
LpMDHh35 : LpMDHh36 : LpMDHh37 : LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh43 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh48 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh57 : LpMDHh59 : LpMDHh59 : LpMDHh60 : LpMDH61 : LpMDH62 : LpMDH63 : LpMDH61 : LpMDH62 : LpMDH63 : CaAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	_	:								:
LpMDHh36	LpMDHh34	:								•
LpMDHh37 LpMDHh38 LpMDHh39 LpMDHh40 LpMDHh41 LpMDHh42 LpMDHh43 LpMDHh44 LpMDHh45 LpMDHh47 LpMDHh48 LpMDHh50 LpMDHh51 LpMDHh53 LpMDHh54 LpMDHh55 LpMDHh56 LpMDH58 CAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	LpMDHh35	:								:
LpMDHh37 LpMDHh38 LpMDHh39 LpMDHh40 LpMDHh41 LpMDHh42 LpMDHh43 LpMDHh44 LpMDHh45 LpMDHh47 LpMDHh48 LpMDHh50 LpMDHh51 LpMDHh53 LpMDHh54 LpMDHh55 LpMDHh56 LpMDH58 CAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	LpMDHh36	:								
LpMDHh38 : LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh49 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh57 : LpMDHh58 : GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	-	:								
LpMDHh39 : LpMDHh40 : LpMDHh41 : LpMDHh42 : LpMDHh44 : LpMDHh45 : LpMDHh46 : LpMDHh47 : LpMDHh49 : LpMDHh50 : LpMDHh51 : LpMDHh52 : LpMDHh53 : LpMDHh54 : LpMDHh55 : LpMDHh56 : LpMDHh57 : LpMDHh58 : GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	_	:								:
LpMDHh440 :	_	:								:
LpMDHh41:	_	:								:
LpMDHh42: LpMDHh44: LpMDHh45: LpMDHh46: LpMDHh46: LpMDHh47: LpMDHh49: LpMDHh50: LpMDHh51: LpMDHh51: LpMDHh52: LpMDHh53: LpMDHh53: LpMDHh53: LpMDHh54: LpMDHh54: LpMDHh55: LpMDHh56: LpMDHh56: LpMDHh56: LpMDHh56: LpMDHh56: LpMDHh57: LpMDHh57: LpMDHh58: GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	_	:								:
LpMDHh44 :	_									:
LpMDHh44:	-									:
LpMDHh45: LpMDHh47: LpMDHh48: LpMDHh49: LpMDHh50: LpMDHh51: LpMDHh52: LpMDHh53: LpMDHh54: LpMDHh54: LpMDHh55: LpMDHh55: LpMDHh55: LpMDHh56: LpMDHh56: LpMDHh56: LpMDHh57: LpMDHh57: LpMDHh58: LpMDHh58: LpMDHh58: LpMDHh58: LpMDHh58: LpMDHh59: LpMDHh60: CCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	_	:			-					:
LpMDHh46 :	-	:								:
LpMDHh47 :	-	:								:
LpMDHh48:	-	:								:
LpMDHh50 :	_	:								:
LpMDHh50:	-	:								:
LpMDHh51:	-	:								:
LpMDHh52:		:								
LpMDHh52:	LpMDHh51 :	:								
LpMDHh53 :		:								
LpMDHh54:	_	:								
LpMDHh55 :		:								:
LpMDHh56 :	-									:
LpMDHh57: LpMDHh58: GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	_									:
LpMDHh58: GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	-									:
LpMDHh60 : GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCA LpMDHh61 : GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	_		CCACC	Camme						:
LpMDHh60: GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC		:	GCAGGAA	GATTG(JAACAATTTGA	CGTCTGATT	AAAACCAACC	PCTTATTATTC	CCGTGTGTA	: 68
LpMDHh61: GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC		:	GCAGGAA	GATTG	GAACAATTTGA	ACGTCTGATT2	AAACCA			: 64
LpMDHh61: GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	-	:	GCAGGAA	GATTG	JAACAATTTGA	CGTCTGATT	AAAACCAACC	PCTTATTATTC	CTGTGTGTA	: 63
LpMDHh62 : GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC	_	:	GCAGGAA	GATTG:	GAACAATTTGA	ACGTCTGATT	AAAACCAACC	CTTATTA		
LpMDHh63 : GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGACAAAAAAAAA		:	GCAGGAA	GATTG(GAACAATTTGA	CGTCTGATT	AAAACCAACC	CTTATTATTC	CTGTGTGTA	
LpMDHh64 : GCAGGAAGATTGGAACAATTTGACGTCTGATTAAAACCAACC		:	GCAGGAA	GATTG0	GAACAATTTGA	CGTCTGACA	-AAAAAAAA-			
	LpMDHh64:	:	GCAGGAA	GATTG	GAACAATTT <u>G</u> A	CGTCTGATT	AAACCAACC	CTTA-TATTC	CTGTGTGTA	

		*	1380	*	1400	*	1420		
LpMDHh1	:		- 	·				:	
LpMDHh2	:				-			:	-
LpMDHh3	:							:	-
LpMDHh4	:							:	_
LpMDHh5	:						-	:	-
LpMDHh6	:							:	-
LpMDHh7	:							:	-
LpMDHh8	:							:	
LpMDHh9	:							:	-
LpMDHh10	:							:	
LpMDHh11	:				-			:	_
LpMDHh12	:							:	-
	:							:	-
LpMDHh14	:							:	-
LpMDHh15	:							:	-
LpMDHh16	:					- 		:	-
LpMDHh17	:						-	:	-
LpMDHh18	:							:	-
LpMDHh19	:							:	-
LpMDHh20	:							:	_
LpMDHh21	:							:	-
LpMDHh22	:							:	-
LpMDHh23	:							:	-
LpMDHh24	:							:	-
LpMDHh25	:							:	-
LpMDHh26	:							:	-
LpMDHh27	:							:	-
LpMDHh28	:							:	-
LpMDHh29	:							:	-
LpMDHh30	:							:	-
LpMDHh31	:							:	-
LpMDHh32	:							:	-
LpMDHh34	:							:	-
LpMDHh35 :	:					·		:	_
LpMDHh36	:							:	-
LpMDHh37	:							:	-
LpMDHh38:	:							:	-
LpMDHh39 :	:							:	-
LpMDHh40:	:							:	-
LpMDHh41 :	:							:	-
LpMDHh42 : LpMDHh43 :	:							:	-
	:							:	-
LpMDHh44 : LpMDHh45 :	:	-						:	-
_		-						:	_
LpMDHh46 : LpMDHh47 :								:	-
LpMDHh48:								:	-
LpMDHh49:								:	-
LpMDHh50:						~		:	~
LpMDHh51:								:	_
LpMDHh52 :								:	-
LpMDHh53 :								:	_
LpMDHh54:								:	-
LpMDHh55:								:	-
LpMDHh56:								:	
LpMDHh57:								:	-
LpMDHh58:		TGA ATCACCC	TTTTTCTACC					:	
LpMDHh59:			TITIGTAGCT	CIATTITCGC(TGATGATTTA	CAGGCCATGA	ATATTGGCAGG-	:	748
LpMDHh60:		TGAATCACCC	TTTTCTACC					:	-
LpMDHh61:	•		TITIGIAGCI	CTATTTTCGCC	TGATGATTA	CAGGCCATG	ATATTGGCAGGA	:	695
LpMDHh62 :		TGAATGAGGC	ԴԱՎԱՄԵՐԻ ACCA				TATTGGCAGGA	:	-
LpMDHh63:					TGATGATTTA	CAGGACATGA	ATATTGGCAGGA	:	399
LpMDHh64:		TGAATGAGCC	TTTTCTACCT				TATTGGCAGGA	:	-
			TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	$\frac{1}{2}$	JGAIGATTTA	CAGGCCA C GA	TATTGGCAGGA	:	178

		1440	1400	" 1480
LpMDHh1	:			
LpMDHh2	:			:
LpMDHh3	:			
LpMDHh4				
LpMDHh5	:			:
	•			:
LpMDHh6	:			:
LpMDHh7	:			:
LpMDHh8	:			:
LpMDHh9	:			:
LpMDHh10	:			
LpMDHh11	:			
LpMDHh12	:			•
LpMDHh13	:			:
LpMDHh14	:		·	:
_	•			:
LpMDHh15	:		· -	:
LpMDHh16	:	~		:
LpMDHh17	:		.~	:
LpMDHh18	:			:
LpMDHh19	:			
LpMDHh20	:			
LpMDHh21				:
LpMDHh22	:			:
-	•			:
LpMDHh23	:			:
LpMDHh24	:			:
LpMDHh25	:			:
LpMDHh26	:			:
LpMDHh27	:			
LpMDHh28	:			
LpMDHh29	:			
LpMDHh30	:			:
LpMDHh31	:			:
	•			:
LpMDHh32	:			:
LpMDHh34	:			:
LpMDHh35	:			:
LpMDHh36	:			:
LpMDHh37	Ξ			
LpMDHh38	:			
LpMDHh39	:			•
LpMDHh40				:
LpMDHh41	:			:
_	•			:
LpMDHh42	:			:
LpMDHh43	:			:
LpMDHh44	:			:
LpMDHh45	:			:
LpMDHh46	:			
LpMDHh47	:			
LpMDHh48	;			:
LpMDHh49				:
LpMDHh50	:			:
	•			:
LpMDHh51	:			:
LpMDHh52	:			:
LpMDHh53	፡			:
LpMDHh54	:			
LpMDHh55	:			
LpMDHh56	:			
LpMDHh57				:
LpMDHh58				:
_	:			:
LpMDHh59	:	002,000		 :
LpMDHh60	:	GGATTGGAACAATTTGACGCCTGATT	AAAACCAACCTCTTA	TTACTAAAAAAAAA:
LpMDHh61	:			:
LpMDHh62	:	GGATTGGAACAA NNAN A NN		:
LpMDHh63	:			
LpMDHh64		GGATTGGAACAATTTGACCCCTCATT	A A A CCA A CCTCTTA	

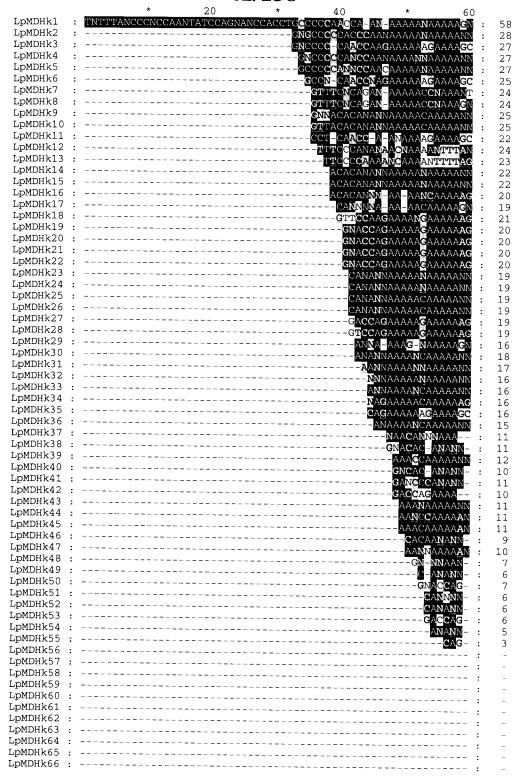


FIGURE 7



FIGURE 7 (cont.)

	*	140	*	160	* 180		
LpMDHk1 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	178
LpMDHk2 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	145
LpMDHk3 :	AAGTTGGA C ATGGO	'ATCAGCTGTTA	CCATCAG T TC	GTCAGCGCGCA	GTCCGCTCTGGT <mark>T</mark>	:	146
LpMDHk4 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GCCCCTTTCGTC	:	144
LpMDHk5 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	.GGCCGCTTTGGT <u>C</u>	:	145
LpMDHk6 : LpMDHk7 :	AAGTTGGACATGGC	'ATCAGCTGTTA	CCATCAGTTCC	GTCAGCGCGCA	GTCCGCTCTGGTT	:	144
LpMDHk8 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	142
LpMDHk9 :	AAGTTGGAGATGGC AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCIGITA ATCACCTCTTA	CCATCAGCTCA CCATCAGCTCA	AGTCAGUGCGCA VOTTO A COCOCOCO	.GGCCGCTTTTGGTC	:	143
LpMDHk10 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCICA CCATCAGCTCA	AG I CAGCGCGCA AGTC A CCCCCCCA	CCCCCCTTTGGTC	:	143 142
LpMDHk11 :	AAGTTGG <mark>N</mark> CATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGÜTC	GTCAGCGCGCA	CTCCCCTCTCCT	•	141
LpMDHk12 :	AAGTTGG GC ATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GCCGCTTTGCTC	:	142
LpMDHk13 :	AAGTTGGÄGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	141
LpMDHk14 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGTTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	140
LpMDHk15 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTAG	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	139
LpMDHk16 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	139
LpMDHk17 :	AAGTTGG <mark>GN</mark> ATGGC	ATCAGCTGTTAG	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	138
LpMDHk18:	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGC C TTGGTC	:	140
LpMDHk19 : LpMDHk20 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA	CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	140
LpMDHk21 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	140
LpMDHk22 :	AAGTTGGAGATGGC AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(ATCACCTCTTA(CCATCAGCTCA	AGTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTTGGTC	:	140
LpMDHk23 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(CCATCAGCTCA CCTCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGC <u>C</u> TTGGTC	:	140 137
LpMDHk24 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	137
LpMDHk25 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	137
LpMDHk26 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGATC	:	139
LpMDHk27 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTAG	CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	138
LpMDHk28 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTAG	CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	139
LpMDHk29 :	AAGTTGG G GATGGC	ATCAGCTGTTAC	CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	134
LpMDHk30 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	138
LpMDHk31 : LpMDHk32 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTA(CATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	GGCCGCTTTGGTC	:	136
LpMDHk33 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTAC ATCACCTCTTA	CATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA:	GGCCGCTTTGGTC	:	135
LpMDHk34 :	AAGTTGGAGATGGC. AAGTTGGAGATGGC.	ATCAGCIGITA(ATCAGCTGTTA(CATCAGCTCA CATCACCTCA	ATCAGUGUGUA CECAGUGUGUA	GGCCGCTTTTGGTC	:	135
LpMDHk35 :	AAGTTGGA C ATGGC.	ATCAGCTGTTAC	CATCAGUTAC OTUBACTAC	CTC AGCGCGCA	CHICCOCTITIGGTO	:	135
LpMDHk36 :	AAGTTGGAGATGGC.	ATCAGCTGTTAC	CATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA	CCCCCTTTTCCTC	:	134 134
LpMDHk37 :	AAGTTGGACATGGC	ATCAGCTGT C AC	CCATCAGTTCA	GTCAGCGCCCA	GCCCCTCTCCTC		127
LpMDHk38 :	AAGTTGGACATGGC.	ATCAGCTGT C AC	CATCAGITCA	GTCAGCGCCCA	GCCCCTCTCCTC	:	130
LpMDHk39 :	AAG'I''I'GGAGATGGC	ATCAGCTGTTAC	CCATCAGCTCA	GTCAGCGCGCAG	GGCCGCTTTGGTC	:	132
LpMDHk40 :	AAGTTGGA C ATGGC	ATCAGCTGT C AC	CATCAGTTCA	GTCAGCGCCCA	GCCCCTCTCCC	:	129
LpMDHk41 :	AAGTTGGACATGGC	ATCAGCTGT C AC	CATCAG <mark>T</mark> TCA	GTCAGCGC C CA	GCCCCT C TGGT G	:	130
LpMDHk42 : LpMDHk43 :	AAGTTGGACATGGC	ATCAGCTGNCAC	CATCAGTTCA	GTCAGCGC C CA	GCCGCTCTGGTC	:	126
LpMDHk44:	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTAC	CATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA(GCCGCTTTGGTC	:	130
LpMDHk45 :	AAGTTGGAGATGGCA AAGTTGGAGATGGCA	ATCAGCIGITAC ATCACCTCTTA	CATCAGCTCA	GTCAGCGCGCA(GCCGCTTTGGTC	:	131
LpMDHk46 :	AAGTTGGACATGGC	ATCAGCTGTTAC ATCAGCTGTTAC	CATCAGCTCA CATCACHTCA	GTCAGCGCGCA(CTCACCCCGCA	GCCGCTTTGGTC	:	130
LpMDHk47 :	AAGTTGGAGATGGC	ATCAGCTGTTAC	ADTEDADTAD: ADTODADTAD	GTCAGCGCCCA(CCCCCTTTGGTG	:	128
LpMDHk48 :	AAGTTGGACATGGC	ATCAGCTGT C AC	CATCAGTTCA	GTCAGCGC C CA(CCCCCTTTCCTC	•	130 126
LpMDHk49 :	AAG'I'TGGACATGGC	ATCAGCTGT C AC	CATCAGTTCA	GTCAGCGC C CAC	GCCGCTCTCCTC	:	125
LpMDHk50 :	AAGTTGGACATGGC	ATCTGCTGTCAC	CATCAGITTCA	GTCAGCGCCCA	CCCCCTCTCCTC	:	127
LpMDHk51 :	AAGTTGGACATGGC	ATCAGCTGT C AC	CATCAGTTCA	GTCAGCGC C CA(GCCCCTCTCCTC	:	126
LpMDHk52 :	AAGTTGGACATGGCA	ATCAGCTGT C AC	CATCAGTTCA	GTCAGCGC C CAC	GCCCCTCTCCTC	:	125
LpMDHk53 : LpMDHk54 :	AAGTTGGACATGGC	ATCAGC C GT C AC	CATCAGTTCA	GTCAGCGC C CAC	GCCCCTCTCCTC	:	126
	AAGTTGGACATGGC	ATCAGCTGTCAC	CATCAGTTCA	GTCAGCGC C CAC	GCCGCT C TGGT G	:	124
LpMDHk56:	AAGTTGGACATGGCA	AT CAGCTGTCAC	CATCAGTTCA	GTCAGCGC C CAC	GCCGCTCTGGTG		123
LpMDHk57 :	AAGTTGGA C ATGGCA AAGTTGGA C ATGGCA	TCAGCTGTCAC	CATCAGTTCA	GTCAGCGCCCAC	GCCGCTCTGGTG		117
LpMDHk58 :	AAGTTGGAGATGGCA	TCAGCTGTGAC	CATCAGETCA CATCACCTCA	GTCAGCGCCCA(CCCCCTUTGGTG		117
LpMDHk59 :	AAGTTGGACATGGC	ATCAGCTGT-AC	CATCAGTT	GT-AGCGCGCAC	GCCCCTTTGGTC		110 100
LpMDHk60 :	AAGTTGGAGATGGCA	VICAGCTGTTAC	CATCAGCTCA	GTCAGCGCGCAC	GCCGCTTTCCTC		100
rbwdhkel:	A INGGAGATGGCA	TCAGCTGTTAC	CATCAGCTCAG	GTCAGCGCGCAC	CCCCCTTTCCTC	:	95
LpMDHk62 :	A-NTTGGACATGGCA	ATCAGCTGT C AC	CATCAGTTCAG	GTCAGCGC Č CAC	CCCCCTCTCCTC	:	90
грирнкез :	-ANTTGGA-ATGGCA	ATCAGCTGT C AC	CATCAGTTCAG	GTCAGCGC C CAC	GCCGCTCTGGTG	:	89
грирнке4 :	AAGTTGGA C ATGGC <i>A</i>	TCAGCTGT C AC	CATCAGTTCAG	GTCAGCGC C CAC	GCCGCT C TGGT G	:	75
LpMDHk65 : LpMDHk66 :						:	
-p.1.D.111COO .	·					:	-

		*	200	*	220	*	240	
LpMDHk1 :	TCGAAACC	AAGGAAT	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTO	GGCC'FAAAGGCA	TCATCATC	STCG	: 238
LpMDHk2 :	TCGAAACC	AAGGAAT	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTO	GCCTAAAGGCA	TCATCATC	STCG	: 205
LpMDHk3 :	TCGAAACC	AAGGAAT	CATGGCAGCAC G A	GCT T C G GTC	GCCTAAAGGCA	TCATC GG C	TCG	: 206
LpMDHk4 :	TCGAAACC	AAGGAAT	CATGGCAGCACÃA	GCTACAGTO	GCCTAAAGGCA	TCATCATC	TCG	: 204
LpMDHk5 :	TCGAAACC	AAGGAAT	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTO	GCCTAAAGGCA	ТСАТСАТС	TCC	: 205
LpMDHk6 :	TCGAAACC	AAGGAAT	CATGGCAGCACGA	GCTTCGGTC	GCCTAAAGGCA	ТСАТС СС СС	TTCC	: 204
LpMDHk7 :	TCGAAACC	AAGGAAT	CATGGCAGCACÃA	GCTACAGTO	GCC'PA A AGGCA	ТСАТСАТСО	rmee	: 202
LpMDHk8 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTC	GCCTA A ACCCA	TCATCATC(TCATCATC)	TOC	: 203
LpMDHk9 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTC	CCCTA A ACCCA	TCATCATC(TTCC	: 203
LpMDHk10 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGT(CCCTA A ACCCA	TCATCATCC	ince :	
LpMDHk11 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCAC G A	CCTTCACTC CCTTCACTC	CCCTAAAGGCA	TCATCATC(ance:	: 202
LpMDHk12 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACÃA	GCTACACTC	CCCTAAAGGCA	TCATC GG CC	TCG :	: 201 : 202
LpMDHk13 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	CCTACACTC	CCCTAAAGGCA	TCATCATC(ander	
LpMDHk14:	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	CCTACACTC	CCCTAAAGGCA	TCATCATC(amoo:	
LpMDHk15 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	CCTACACTC	CCCTA A ACCCA	TCATCATC(ance:	: 200
LpMDHk16 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	CCTACAGTC	CCCTAAAGGCA	JOIAGIAGO MOAMOAMO	TCG :	: 199
LpMDHk17 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	CCTACAGTG	CCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TCG :	: 199
LpMDHk18:	TCGAAACC	A AGGA ATO	CATGGCAGCACAA	CCTACAGTC	CCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TCG :	: 198
LpMDHk19:	TCGAAACC	AAGGAAT(AAGGAAT(CATGGCAGCACAA CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	CCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TCG :	: 200
LpMDHk20:	TCGAAACC	A ACCA ATC	CATGGCAGCACAA	CCTACAGTO	AGCCIAAAGGCA	TCATCATCC	FICE :	: 200
LpMDHk21 :	TCGAAACC	AAGGAAT(AAGGAAT(CATGGCAGCACAA CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TICE :	: 200
LpMDHk22:	TCGA A A CC	AAGGAAT (CATGGCAGCACAA CATGGCAGCACAA	GCTACAGTC	GGCCTAAAGGCA	TCATCATCC	FICE :	: 200
LpMDHk23 :	TCGAAACC	AAGGAAT(AACCAATC	ATGGCAGCACAA	GCTACAGTC	GCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TCG :	
LpMDHk24:	TCGA A ACC	AAGGAAT (AAGGAAT (CATGGCAGCACAA CATGGCAGCACAA	GCTACAGTC	GCCTAAAGGCA	CCATCATCC	TICE :	: 197
LpMDHk25 :	TCGA A ACC	AAGGAAT (AAGGAAT (EATGGCAGCACAA EATGGCAGCACAA	GCTACAGTC	GCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TICG :	: 197
LpMDHk26:	TCGAAACC.	AAGGAAT (AAGGAAT (CTGGCAGCACAA CCTGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TCG :	
LpMDHk27 :	TCGAAACC	AACCAATC	CATGGCAGCACAA	CCTACAGIG CCTACACTC	GCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TCG:	
LpMDHk28:	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG GCTACAGTG	CCCTA A ACCCA	TCATCATCC	TCG :	
LpMDHk29 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTC GCTACAGTC	GCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TCG .	: 199
LpMDHk30 :	TCGAAACC	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTC GCTACAGTC	CCCTAAAGGCA	TCATCATCC	TICC .	: 194
LpMDHk31 :	TCGAAACC.	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTA A AGGCA	TCATCATCC	TIPOC .	: 196
LpMDHk32 :	TCGAAACC.	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA'	TCATCATC	TCG :	
LpMDHk33 :	TCGAAACC.	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA	TCATCATCO	TOC	: 195
LpMDHk34 :	TCGAAACC.	AAGGAATO	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA'	TCATCATCC	TCG :	
LpMDHk35 :	TCGAAACC.	AAGGAATC	CATGGCAGCACGA	GCT T C G GTG	GCCTAAAGGCA'	TCATC GG CC	TCG :	
LpMDHk36 :	TCGAAACC.	AAGGAATC	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA	TCATCATCO	TCG:	194
LpMDHk37 :	TCAAAACC	AAGGA G TC	ATGGCAGCAC G A	GCT T CAGTG	GCCTGAAGGCA	TCATCATCC	TCG:	: 187
LpMDHk38 :	TCAAAACC.	AAGGA G TC	CATGGCAGCACGAG	GCTTCAGTG	GCCTGAAGGCA	TCATCATCG	TCC :	: 190
LpMDHk39:	TCGAAACC.	AAGGAATC	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA'	TCATCATCO	TCG :	: 192
LpMDHk40 :	TCAAAACC.	aagga g to	CATGGCAGCAC G AG	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA'	TCATCATCO	TCG :	: 189
LpMDHk41 :	TCAAAACC.	AAGGA G TO	ATGGCAGCAC G AG	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA'	TCATCATCG	TCG :	: 190
LpMDHk42 :	TCAAAACC.	AAGGA G TC	CATGGCAGCAC G AG	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA	TCATCATCO	TCG :	: 186
LpMDHk43 :	TCGAAACC	AAGGAATC	CATGGCAGCACÃA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA'	TCATCATCO	TCG :	: 190
LpMDHk44 :	TCGAAACC	AAGGAATC	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA'	TCATCATCO	TCG :	: 191
LpMDHk45 :	TCGAAACC	AAGGAATC	CATGGCAGCACAA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA'	TCATCATCO	TCG:	: 190
LpMDHk46:	TCAAAACC.	AAGGA G TC	ATGGCAGCAC G AG	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA	rcatcatco	TCG :	: 188
LpMDHk47:	TCGAAACC	AAGGAATC	ATGGCAGCACÃA	GCTACAGTG	GCCTAAAGGCA'	TCATCATCG	TCG:	
LpMDHk48:	TCAAAACC	AAGGA G TC	ATGGCAGCAC G AG	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA'	TCATCATCG	TCG:	
LpMDHk49 :	TCAAAACC	AAGGAGTC	ATGGCAGCAC G AG	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA'	TCATCATCG	TCG :	
LpMDHk50 : LpMDHk51 :	TCAAAACCA	AAGGA G TC	ATGGCAGCACGA	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA'	TCATCATCC	TCC :	
LpMDHk52 :	TCAAAACC	AAGGA G TC	ATGGCAGCAC G AC	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA'	PCATCATCO	TCG :	: 186
	TCAAAACC	AAGGA G TC	ATGGCAGCAC G AG	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA'	CATCATCO	TCC :	
LpMDHk53 :	TCAAAACC	AAGGAGTC	ATGGCAGCAC G AC	GCTTCAGTG	GCCTGAAGGCA	rcatcatce	TCG :	
LpMDHk55 :	TCMAAACCA	AAGGAGIC	ATGGCAGCACGA	GCTTCAGTG	GCCTGAAGGCA'	PCATCATCG	TCG :	
LpMDHk56 :	TCAAAACC	AAGGAGIC AACCAGTC	ATGGCAGCACGA	GCTTCAGTG	GCCTGAAGGCA'	FCATCATCG	TCG :	
LpMDHk57 :	TCAAAACC	AAGGAGTC	ATGGCAGCACGAG	COTTCAGTG	GCCTGAAGGCA'	TCATCATCG	TCC :	
LpMDHk58 :	TCGAAACC	AAGGAATC	ATGGCAGCAC G A(ATGGCAGCACAA(CTACACTC	CCCTA A CCCA	TCATCATCG	TCG:	
LpMDHk59 :	T-AAAACC	AAGGA G TC	ATGGCAGCACAA(ATGGCAGCAC <mark>G</mark> A(COMMON CACAGO	CCCTAAAGGCA'	PCATCATCG	TCG:	
LpMDHk60 :	TCGAAACC	AAGGAATC	ATGGCAGCACAA(CTACACTC	CCCTA A ACCCA	rearcaree		
LpMDHk61 :	TCGAAACC	AAGGAATC	ATGGCAGCACAA	GCTACAGTC	GCCTA A ACCCA	realeale reameanee	TCG:	
LpMDHk62 :	TCAAAACC	AAGGA G TC	ATGGCAGCACAA	GCTTCAGTC	GCCTĞAAGGCA	PCATCATCC	TCG :	
LpMDHk63 :	TCAAAACCA	AAGGA G TC	ATGGCAGCAC G AG	GCTTCAGTG	GCCT G AAGGCA	PCATCATCC	TCG :	
LpMDHk64 :	TCAAAACCA	AAGGA G TC	ATGGCAGCAC G AC	GCT T CAGTG	GCCT G AAGGCA	ГСАТСАТСС	TCG:	
LpMDHk65 :							:	-
LpMDHk66 :							:	1007

	45/138	
LpMDHk1 :	* 260 * 280 * 300 ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCACCTCTCTTCGGGCGACTATC:	298
LpMDHk2 :		265
LpMDHk3 :	ATCAGCTTTGAATCAGGGACATCGTTCCTGGGCAAGACTGCCTCCCTC	266
LpMDHk4 :		264
LpMDHk5 :		265
LpMDHk6 : LpMDHk7 :		264
LpMDHk8 :		262 263
LpMDHk9 :		263
LpMDHk10 :		262
LpMDHk11 :	ATCAGCTTTGAATCAGGGACATCGTTCCTGGGCAAGACTGNCTCCCTCCGGGCGACTGTT:	261
LpMDHk12 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC:	262
LpMDHk13 :	ATCAGCTTCGAATCAMGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC:	261
LpMDHk14 :		260
LpMDHk15 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC:	259
LpMDHk16 : LpMDHk17 :	: : : : : : : : : : : : : : : : : : :	259
LpMDHk18:	A TO A COMPRESS ASSESSMENT OF THE CONTRACT OF	258 260
LpMDHk19 :	AMON COMPANY AND	260
LpMDHk20 :		260
LpMDHk21 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGGCGACTATC:	260
LpMDHk22:		260
LpMDHk23 :		257
LpMDHk24 : LpMDHk25 :		257
LpMDHk26:	imale and the second of the se	257
LpMDHk27:		259
LpMDHk28 :		258 259
LpMDHk29 :		254
LpMDHk30 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC:	258
LpMDHk31 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC:	256
LpMDHk32:	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC:	255
LpMDHk33 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC:	255
LpMDHk34 : LpMDHk35 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC	255
LpMDHk36:		254
LpMDHk37:		254 247
LpMDHk38 :		250
LpMDHk39 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC	252
LpMDHk40 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	249
LpMDHk41 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	250
LpMDHk42 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	246
LpMDHk43 : LpMDHk44 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC:	250
LpMDHk45 :		251
LpMDHk46 :	A MOA O O O O O O O O O O O O O O O O O	250
LpMDHk47:		248 250
LpMDHk48 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	246
LpMDHk49 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	245
LpMDHk50:	ATCAGCTTCGAATCTGGAGCATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	247
LpMDHk51 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCCTCAGTC	246
LpMDHk52 : LpMDHk53 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGCC	245
LpMDHk54:	A MOCA COMMISSION AS MOST CONTRACT TO THE CONTRACT OF THE CONT	246
LpMDHk55 :		244
LpMDHk56:		243 237
LpMDHk57 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	237 237
LpMDHk58 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGCCATCATTCCTGGACAAGACCGNCTCTCTTCGGGCGACTATC	230
LpMDHk59 :	ATCAGCTTCGAATCTGGAACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	219
LpMDHk60 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC	222
LpMDHk61 :	ATCAGCTTCGAATCAGGGACATCATTCCTGGGCAAGACCGCCTCTCTTCGGGCGACTATC	215
LpMDHk62 : LpMDHk63 :	ATCAGCTTCGAATCTGGÂACATCATTCCTGGGCAAGACTGCCTCTCTTCGGGCGTCAGTC	210
LpMDHk64:	AMON COMMOCA A MOMOCA A CAMOS MACOMOCA CAMOS CAM	209
LpMDHk65 :	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	195
LpMDHk66:		-

	46/138	
	* 320 * 340 * 360	
LpMDHk1 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 358
LpMDHk2 : LpMDHk3 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC ACC C CAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATC G CCTCAGGC A TC T TAC	: 325
LpMDHk4 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 326 : 324
LpMDHk5 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 325
LpMDHk6 :	$\texttt{ACC}_{\mathbf{C}}^{\mathbf{C}}$ CAAGGATTG \mathbf{N} GCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCA \mathbf{N} ATATC \mathbf{G} CCTCAGGC \mathbf{A} TC \mathbf{T} TAC	: 324
LpMDHk7 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 322
LpMDHk8 : LpMDHk9 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAG <mark>C</mark> CTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 323
LpMDHk9 : LpMDHk10 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 323
LpMDHk11:	ACCCCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 322 : 321
LpMDHk12:	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 322
LpMDHk13 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 321
LpMDHk14:	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 320
LpMDHk15 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 319
LpMDHk16 : LpMDHk17 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 319
LpMDHk18:	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 318 : 320
LpMDHk19 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 320
LpMDHk20 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 320
LpMDHk21 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 320
LpMDHk22:	${\tt ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC}$: 320
LpMDHk23 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 317
LpMDHk24 : LpMDHk25 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 317
LpMDHk26:	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 317 : 319
LpMDHk27:	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 319
LpMDHk28 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 319
LpMDHk29 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 314
LpMDHk30 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 318
LpMDHk31 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 316
LpMDHk32 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 315
LpMDHk33 : LpMDHk34 :	$\label{eq:constraint} ACCTCAAGGCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC\\ ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC\\$: 315
LpMDHk35 :	ACCCCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCCTCGTAC	: 315 : 314
LpMDHk36 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 314
LpMDHk37 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 307
LpMDHk38 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 310
LpMDHk39 :	${\tt ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC}$: 312
LpMDHk40 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 309
LpMDHk41 : LpMDHk42 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 310
LpMDHk43 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCATCTTAC ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 306 : 310
LpMDHk44 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 311
LpMDHk45 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 310
LpMDHk46 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 308
LpMDHk47:	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 310
LpMDHk48 : LpMDHk49 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 306
LpMDHk50:	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTCAC	: 305
LpMDHk51:	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTCAC ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 307 : 306
LpMDHk52:	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 305
LpMDHk53 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 306
LpMDHk54:	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCCCCTCAGGCATCTTAC	: 304
LpMDHk55 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 303
LpMDHk56:	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 297
LpMDHk57 : LpMDHk58 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGNCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 297
LpMDHk59 :	ACCICAAGGATIGIGCCAAAGGCAAAG <u>M</u> CIGGGICTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC ACCICGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 290 : 279
LpMDHk60 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCTCAGGCCTCGTAC	: 282
LpMDHk61 :	ACCTCAAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCACCCCAGGCCTCGTAC	: 275
LpMDHk62 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 270
LpMDHk63 :	ACCCCGAGGATTGTGCCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATCGCCTCAGGCATCTTAC	: 269
LpMDHk64 : LpMDHk65 :	$ ext{ACC} extbf{C} extbf{C} extbf{G} ext{AGGCAAAGGCAAAGTCTGGGTCTCAGATATC} extbf{G} ext{CCTCAGGC} extbf{A} ext{T} ext{TAC}$: 255
LpMDHk66:		: -

		47/138		
LpMDHk1	:	* 380 * 400 * 420 AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGACGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		418
LpMDHk2	:		:	385
LpMDHk3	:	$ ext{AAGGTGGCGGTGCTGGTGGTGGCATCGG}$:	386
LpMDHk4	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	384
LpMDHk5	:		:	385
LpMDHk6 LpMDHk7	:		:	384
LpMDHk8	:		:	382 383
LpMDHk9	:		:	383
LpMDHk10	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	382
LpMDHk11	:	${\tt AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG}$:	381
LpMDHk12 LpMDHk13	:		:	382
LpMDHk13	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	381
LpMDHk15	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	380 379
LpMDHk16	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	379
LpMDHk17	:	${\tt AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG}$		378
LpMDHk18	:	${\tt AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG}$:	380
LpMDHk19 LpMDHk20	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	380
LpMDHk21	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	380
LpMDHk22	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	380 380
LpMDHk23	:	${ t AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG}$:	377
LpMDHk24	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	377
LpMDHk25	:	AAGGTGGCGGTGTTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	377
LpMDHk26 LpMDHk27	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	379
LpMDHk28	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGAĞCAAG AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	378
LpMDHk29	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGGTCAAC	:	379 374
LpMDHk30	:	${\tt AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG}$:	378
LpMDHk31	:	${\sf AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAGC}$:	376
LpMDHk32	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	375
LpMDHk33 LpMDHk34	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	375
LpMDHk35	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCTGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	375
LpMDHk36	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	374 374
LpMDHk37	:	${ t AAGGTGGCGGTGCTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAGCAGGGCGCTGCTGATCAAGCAGGGCGGGC$	•	367
LpMDHk38	:	${\sf AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG}$:	370
LpMDHk39 LpMDHk40	:	${ t AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCAGGGCCTGCTGATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGATCAACCACTGGGCCTTGCTGAACCACTGGCTCTGATCAACCACTGGCTCTGATCAACCACTGGCTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGCTCTGATCAACCACTGGCTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGCTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACCACTGGTCTGATCAACACACAC$:	372
LpMDHk41	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		369
LpMDHk42	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG AAGGTGGTGGTGCTTGGTGCTGCTGGTGGATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	370
LpMDHk43	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG	:	366 370
LpMDHk44	:	${\tt AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG}$:	371
LpMDHk45	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATGAAC	:	370
LpMDHk46 LpMDHk47	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		368
LpMDHk48	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGGTGATCAAG AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		370
	:	A ACCUCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC		366 365
LpMDHk50	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAC		367
-	:	${ t AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGATCAACACGGGCCTGATCAACACGGTGGGCCTGATCAACACGGTGGGCATGGGGCATGATCAAGAGGAACACTGGGCCTGATCAACAACACGACTGGGCCTGATCAACAACACGACTGGGCCTGATCAACAACACGACTGGGCCTGATCAACAACACGACTGGGCCTGATCAACAACACGACTGGGCCTGATCAACAACACTGGGCCTGATCAACAACACACTGGGCCTGATCAACAACACTGGGCCTTGATCAACAACAACACTGGGCCTTGATCAACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAACA$		366
LpMDHk52 LpMDHk53	:	${ t AAGGTGGCGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAGCAGGGCCTGCTGATCAAGCAAG$:	365
	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		366
LpMDHk55	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		364
LpMDHk56	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		363 357
LpMDHk57	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		357 357
LpMDHk58	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAC		350
LpMDHk59 LpMDHk60	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAC		339
LpMDHk61	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		342
LpMDHk62	:	A ACCTCCCCCMCCCTCCCTCCTCCTCCTCCCTCCCTCCCCCC		335
	:	AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG		330 329
LpMDHk64	:	${f AAGGTGGCGGTGCTTGGTGCTGCCGGTGGCATCGGTCAACCACTGGGCCTGCTGATCAAG}$		315
LpMDHk65	:	THE CHICAMACAMACAMACAMACA A CONTRACTOR OF THE CO	:	47
LpMDHk66	•		:	-

	48/138	
r MD771-1	* 440 * 460 * 480	
LpMDHk1 LpMDHk2	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGACAATGTCAAGGGAGTCGCT : ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	478
	ATGTCTCCTCTAGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	445 446
•	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	444
-	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	445
LpMDHk6 LpMDHk7	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAN	403
	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	442 443
-	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	443
-	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	442
	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGGCTCGCT : ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	441
) MODOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCOCO	442 441
LpMDHk14	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	440
LpMDHk15	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	439
		439
	A MODEOGRAM COMPANY OF	438 440
	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	440
LpMDHk20	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	440
LpMDHk21 LpMDHk22	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	440
	3 MOMOMOGOMOMOMOS OF COMPANIES	440 437
LpMDHk24	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	437
LpMDHk25	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	437
LpMDHk26 LpMDHk27	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	439
LpMDHk28	A DOMORGO CONTRACTOR OF A CONT	438 439
LpMDHk29	ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAACTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	434
LpMDHk30	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	438
LpMDHk31	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	436
LpMDHk32 : LpMDHk33 :	A DOMONO COMO COMO COMO COMO COMO COMO COMO	435
LpMDHk34		435 435
LpMDHk35	: ATGTCTCCTCTGGTCTCANAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGCGTCGCT :	434
LpMDHk36	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	434
LpMDHk37 : LpMDHk38 :	1 mamagaan a sa	427
LpMDHk39		430 432
LpMDHk40	ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT	429
LpMDHk41	: ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT	430
LpMDHk42 : LpMDHk43 :) TOTOM CONTROL OF THE CONTROL OF TH	426
LpMDHk44		430 431
LpMDHk45	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT :	430
-	: ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT	428
LpMDHk47 : LpMDHk48 :		430
LpMDHk49		426 425
LpMDHk50 :	: ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT	427
LpMDHk51 :	: ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT :	426
LpMDHk52 : LpMDHk53 :	: ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT	425
LpMDHk54	A TOTAL COMPANY OF THE COMPANY OF TH	426 424
LpMDHk55 :	ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT	423
LpMDHk56:	: ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT	417
LpMDHk57 : LpMDHk58 :	ATGTCGCCTCTGGTCTCGGAGCTGCGCCCGGTATGATAATGCGAATGTCAAGGGCGTCGCT	417
LpMDHk59 :	A MODE OF COMPANY COMP	410
LpMDHk60:	ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT	399 402
LpMDHk61 :	: ATGTCTCCTCTGGTCTCAGAGCTGCGCCTGTATGATATTGCCAATGTCAAGGGAGTCGCT: :	395
LpMDHk62:	: ATG:	333
LpMDHk63 : LpMDHk64 :	A DOMORO COMO COMO COMO COMO COMO COMO COMO	389
LpMDHk65:		375 107
LpMDHk66 :		

	49/138	
	* 500 * 520 * 540	
LpMDHk1		: 538
·	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA GCAGATCT <u>T</u> AGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCC C GC A GAA	: 505 : 506
	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 504
LpMDHk5	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 505
LpMDHk6		: -
LpMDHk7 LpMDHk8	GCAGATCTCAGCCACTGGAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTGACTGGCCCAGCAGAA GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 502
	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 503
LpMDHk10	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 503 : 502
LpMDHk11	$\mathtt{GCAGATCT}_{\mathbf{T}}\mathtt{AGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCC}_{\mathbf{GGGAA}}$: 501
LpMDHk12	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 502
LpMDHk13	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 501
LpMDHk14	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 500
LpMDHk15 : LpMDHk16 :		: 499
LpMDHk17	To strong to the choose of the choose	: 499
LpMDHk18 :	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 498 : 500
LpMDHk19 :	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCTGAA	: 500
LpMDHk20:	${\sf GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA}$: 500
LpMDHk21 :		: 500
LpMDHk22 : LpMDHk23 :		: 500
LpMDHk24	- INTERIOR TO CHECK TO CHECK TO THE CHECK TO CHE	: 497
LpMDHk25 :	CCACAMOMOAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	: 497
LpMDHk26 :	CCACATCTCACCAACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	: 497 : 499
LpMDHk27 :	${ t GCAG}{ t GCTCTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGG}{ t TCAGTGCAGCAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG$: 498
LpMDHk28:	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGA	: 499
LpMDHk29 :	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCĞCTGGCCCAGCAGA	: 494
LpMDHk30 : LpMDHk31 :	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 498
LpMDHk32 :	COLO METROLOGICA COLO CALCALLA	: 496
LpMDHk33 :	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 495
LpMDHk34 :	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 495 : 495
LpMDHk35 :	GCAGATCT#AGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCCGGAA	: 494
LpMDHk36 :	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGA	: 494
LpMDHk37 : LpMDHk38 :	GCCGATCTCAGCCACCGCAACACGCCTCCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGCGGAA	: 487
LpMDHk39:	CONCAPORO ACCO ACROCA A CACCO EMPRESA COMO A TORREST CACTO COLOR GARA	: 490
LpMDHk40 :	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 492
LpMDHk41 :	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTCCTGGTCATGGACTTCACTGGCCCCCGCAA	: 489 : 490
LpMDHk42 :	GCAGATCTTPAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGGCGAA	: 496
LpMDHk43:	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGA	: 490
LpMDHk44:	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGA	: 491
LpMDHk45 : LpMDHk46 :	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGGCTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 490
LpMDHk47:	GCGGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCGGGAA GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	: 488
LpMDHk48:	GCCGACCTCCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA GCCGACTCCAGCCACTGCAACACGCCTCCTCAGGTCATGACTTCACTGGCCCCGCGGAA	: 490 : 486
LpMDHk49 :	GCGGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCCGCGGAA	: 485
LpMDHk50 :	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGCGAA	: 487
LpMDHk51 :	GCGGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGGAA	
LpMDHk52 : LpMDHk53 :	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTCCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCCGCGGAA	: 485
LpMDHk54 :	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGGGAA GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGGGAA	
LpMDHk55 :	GCCGATCTCAGCCACCGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGGGAA	: 484 : 483
LpMDHk56 :	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGCGAA	: 483 : 477
LpMDHk57:	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGCAA	477
LpMDHk58 :	GCAAATCTCANNCACTGCAACACGCCTTCTNAGGNCATGGACTTCACTGGNCCANCANAA	
LpMDHk59 : LpMDHk60 :	GCAGATCTTAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGCGGAA	459
LpMDHk61:	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	
LpMDHk62:	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTTCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCAGCAGAA	455
LpMDHk63 :	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGCGGAA	449
LpMDHk64 :	GCCGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTCCTCAGGTCATGGACTTCACTGGCCCCGCAA	
LpMDHk65:	GCAGATCTCAGCCACTGCAACACGCCTGCTCAGGCCATGGACTTCACTGGCCCCCGCGAA	
LpMDHk66:	CATCAGCC: CTGCAACACGCCTGCTCAGGCCATGGACTTCACTGGCCCCGCGGAA:	54

	50/138	
	* 560 * 580 * 600	
LpMDHk1 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGNCATCCCTGCGGGTGTNCCAAGGAAG : 598	8
LpMDHk2 : LpMDHk3 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTUTCCCAAGGAAG : 569	
LpMDHk4 :	CTAGC GACTGCTTGAAAGGTGTGGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 566 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCTCAAGGAAG : 56	
LpMDHk5 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCTCAAGGAAG : 564 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 569	
LpMDHk6 :		_
LpMDHk7 : LpMDHk8 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGCTGATGTTGNCNCCATCCCTGCGCNNGTCNCAAGGAA-: 561	
LpMDHk9 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGTGTCCCAAGGAAG : 563 CTAGCTCGCTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 563	
LpMDHk10 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 562	
LpMDHk11 :	CTAGCGGACTGCTTGAAAGGTGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCCAAGGAAG : 561	
LpMDHk12:	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 562	
LpMDHk13 : LpMDHk14 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCTCAAGGAAG : 561 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 560	
LpMDHk15 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCCAAGGAAG : 560 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCCAAGGAAG : 550	
LpMDHk16 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 550	
LpMDHk17:	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 558	
LpMDHk18 : LpMDHk19 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 560 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 560	
LpMDHk20 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 560 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 560	
LpMDHk21 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 560	
LpMDHk22:	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 560	
LpMDHk23 : LpMDHk24 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 557 CTAGCTGACTGCTTGAĞAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 557	
LpMDHk25 :	CTAGCTGACTGCTTGAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 557 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 557	
LpMDHk26 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 550	
LpMDHk27:	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 558	
LpMDHk28:	CTAGCTGACTGCTTGAAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 559	
LpMDHk29 : LpMDHk30 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTNCCAAGGAAG : 554 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 558	
LpMDHk31 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 558 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 556	
LpMDHk32 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 558	
LpMDHk33 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 555	
LpMDHk34 : LpMDHk35 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 555	
LpMDHk35 : LpMDHk36 :	CTAGC GACTGCTTGAAAGGTGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 554 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 554	
LpMDHk37:	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 554 CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTMCCAAGGAAG : 547	
LpMDHk38:	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGTTGTCG-NATCCCTGCGGGTGTTCCAAGGAAG : 549	
LpMDHk39:	CTAGCTGACTGCTTGAAAGG_GTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 551	
LpMDHk40 : LpMDHk41 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 549 CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGGGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAN : 550	
LpMDHk42 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGTGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAM : 550 CTAGCCGACTGCTTGAAAGGTGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 546	
LpMDHk43 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 550	
LpMDHk44:	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 551	
LpMDHk45 : LpMDHk46 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCCAAGGAAG : 550	
LpMDHk47:	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGGTGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 548 CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 550	
LpMDHk48 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGGGTGGTGGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 546	
LpMDHk49 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTCGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG 545	
LpMDHk50 : LpMDHk51 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 547	
LpMDHk52 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGGGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 546 CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGGGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 545	
LpMDHk53:	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGTGGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 545 CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGTGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 546	
LpMDHk54 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG 544	
LpMDHk55 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG 543	3
LpMDHk56 : LpMDHk57 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 537 CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGCTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 537	
LpMDHk58:	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGTCGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 537	
LpMDHk59:	CTAGCCGACTGCTTGAAANGTGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG 519	
LpMDHk60 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 522	
LpMDHk61 : LpMDHk62 :	CTAGCTGACTGCTTGAAAGGTGTTGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCCAAGGAAG : 515)
LpMDHk63:	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 509	
LpMDHk64 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGCGTGGATGTTGNCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG 495	
LpMDHk65 :	CTAGCAGAGTGCTTGAAAGGTGTGGATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG 227	
LpMDHk66:	CTAGC A GAG TGCTTGAAAGGTGT G GATGTTGTCGTCATCCCTGCGGGTGTCCCAAGGAAG : 114	

	51/138	
	* 620 * 640 * 660	
LpMDHk1 :	CCAC <mark>N</mark> CATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCG NN AAGTCGCTTATT	: 658
LpMDHk2 :		: 625
LpMDHk3 : LpMDHk4 :		: 626
LpMDHk5 :	CCAGGCA <mark>C</mark> GACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT CCAGGCA <mark>C</mark> GACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 624 : 625
LpMDHk6 :	The state of the s	. 025
LpMDHk7 :		: -
LpMDHk8 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 623
LpMDHk9 : LpMDHk10 :	The state of the s	: 623
LpMDHk11 :	acmaca a marana ama a canana a	: 622 : 621
LpMDHk12 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 622
LpMDHk13 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 621
LpMDHk14 :		: 620
LpMDHk15 : LpMDHk16 :		: 619
LpMDHk17:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 619
LpMDHk18 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 618 : 620
LpMDHk19 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGNCAAGTCGCTTATT	: 620
LpMDHk20 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 620
LpMDHk21:	The state of the s	: 620
LpMDHk22 : LpMDHk23 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 620
LpMDHk24:	CCAGGCATGACCCATGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 617 : 617
LpMDHk25 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 617
LpMDHk26 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 619
LpMDHk27 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 618
LpMDHk28 : LpMDHk29 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 619
LpMDHk30 :	${\tt CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT\\ {\tt CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT\\ }$: 614
LpMDHk31 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 618 : 616
LpMDHk32 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT :	: 615
LpMDHk33 :	${\sf CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT}$: 615
LpMDHk34:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 615
LpMDHk35 : LpMDHk36 :	CCT GGCATGACT CGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATCCCCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 614
LpMDHk37:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGG-CATCGTC-AGNNGCTTATC	: 614 : 605
LpMDHk38 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTNTAACATCAATGCGGGCATCGNCAAGNCGCTTATC	: 609
LpMDHk39:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT .	: 611
LpMDHk40 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC	: 609
LpMDHk41 : LpMDHk42 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC	
LpMDHk43 :	CCTGGCATGACTCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC CCAGACAACTGCC <mark>T</mark> TGAGGCTTCATCCATATCATCAGCAACCCGGTCAAGTCCACTGT	
LpMDHk44 :	CCAGGCATGCCGTGATGACCTTCATCATCATCAGCAACCCGGTCAACTCCACTGTG CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	: 610 : 611
LpMDHk45 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT .	610
LpMDHk46:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATG.	608
LpMDHk47:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT	610
LpMDHk48 : LpMDHk49 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATCCCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATCCCCAGGCATGACCTCAAGTCGCTTATCCCAAGGCATGACCTTATCCCAAGGCATGACAAGTCGCTTATCCAAGGCATGAAGTCGCTTATCCAAGGCATGAAGACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAAAGAAGAAAAAAA	606
LpMDHk50 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC	605 607
LpMDHk51 :	${\tt CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC}:$	606
LpMDHk52 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC	605
LpMDHk53 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC	606
LpMDHk54 : LpMDHk55 :	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC	604
LpMDHk56:	$ \begin{array}{l} \texttt{CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTAT} \textbf{C} \\ \texttt{CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTAT} \textbf{C} \end{array} $	603
LpMDHk57:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC	597 597
LpMDHk58 :	:	J J 1
LpMDHk59:	CCTGGCATGACTCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGCTTATCC:	579
LpMDHk60:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT .	582
LpMDHk61 : LpMDHk62 :	${\tt CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT}$	575
LpMDHk63:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC	- E C O
LpMDHk64:	CCAGGCATGACCCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATC :	569 555
LpMDHk65:	CCTGGCATGACTCGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT:	287
LpMDHk66:	$\mathtt{CCT}\mathtt{GGCATGACT}\mathtt{CGTGATGACCTTTTTAACATCAATGCGGGCATCGTCAAGTCGCTTATT}:$	174

			*	680	*	700	*	720	
LpMDHk1	:	GAGGCTGT'	rgcagaca <i>i</i>	ACT CCCTGAG	GCC'TTCAT		CANCNACCC-		711
LpMDHk2	:	GAGGCTGT'	rgcagaca <i>i</i>	ACTGCC					647
LpMDHk3	:	GAGGCTGT'	FGCAGACA <i>i</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCG	JTCAAC	686
LpMDHk4	:	GAGGCTG <u>N</u>	FGCAGACA <i>I</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCG	GTCAAC :	684
LpMDHk5	:	GAGGCTGT'	rgcagaca <i>i</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCG	TCAAC :	685
LpMDHk6	:							:	-
LpMDHk7	:	62.666						:	-
LpMDHk8	:			ACT C CCCTGAG					659
LpMDHk9 LpMDHk10	:	GAGGCTGT.	rgcagaca <i>a</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCG	Frcaac :	683
LpMDHk11	:	GACCCTCT:	I GCAGACAA	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCG	TCAAC :	682
LpMDHk12	:	GAGGCTGT	rgcagacaa rgcagacaa	ACTGCCCTGAG ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT CCCTTCAT	NC AT AT CAT	CAGCAACCCGC	STCAAC :	681
LpMDHk13	:	GAGGCTGN	rgcagaca <i>i</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT;	MCATATCAT(CCATATCAT(CAGCNACCCG(TOTAL :	682 681
LpMDHk14	:	GAGGCTGT	rgcagaca <i>i</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	NCATATCAT(DDDDDAADDAC CCCC	TCAAC :	680
LpMDHk15	:	GAGGCTGT	'GCAGACA	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	ССАТАТСАТ	CAGCAACCCG	TCACK .	679
LpMDHk16	:	GAGGCTGN	rgcagaca <i>i</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCG	TCAAC :	679
LpMDHk17	:	GAGGCTGT"	rgcagaca-					:	634
LpMDHk18	:	GAGGCTGT	rgcagaca <i>i</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCG	STCAAC :	680
LpMDHk19	:	GAGGCTGN.	rgcagaca <i>a</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCG	MCAAC :	680
LpMDHk20	:	GAGGCTGT.	rgcagacaa	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCGC	STCAAC :	680
LpMDHk21	:	GAGGCTGT"	l'GCAGACA <i>A</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCGC	TCAAC :	680
LpMDHk22 LpMDHk23	:			CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT(CAGCAACCCGC	TCAAC :	680
LpMDHk24		GAGGCTGTT GAGGCTGTT		CTCCCC				:	628
LpMDHk25	:			ACTGCCCTGAG	CCCTTCAT	CCADADCAD		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	640
LpMDHk26	:	GAGGCTGÑ	rgcagaca <i>a</i>	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT! GCCTTCAT!	NICATATOATO	LAGCAACCCGC CAGCAACCCCC	TCAAC :	677 679
LpMDHk27	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCGC	TCAAC .	678
LpMDHk28	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCGC	TCAAC .	679
LpMDHk29	:	GAGGCTGTT	rgcagaca <i>a</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCAT	CAGCAACCCGC	TCAAC :	674
LpMDHk30	:	GAGGCTGTT	rgcagaca <i>a</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCGC	STCAAC :	678
LpMDHk31	:	GAGGCTGN	rgcagaca <i>a</i>	ACTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCGC	TCAAC :	676
LpMDHk32	:	GAGGCTGTT						:	637
LpMDHk33	:	GAGGCTGM	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCGC	STCAAC :	675
LpMDHk34	:	GAGGC'I'G'I'I	I'GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCGC	STCAAC :	675
LpMDHk35 : LpMDHk36 :	:	CACCOTOTO	IGCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT(CCATATCATO	CAGCAACCCGC	TCAAC :	674
LpMDHk37	•	GAGGCTGTT	CCAGACAA	ACTGCCCTGAG(ACT <mark>-G</mark> CCTGAG(CCCTTCATC	CCATATCAT(PAGCAACCCGC	TCAAC :	674
LpMDHk38	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GNCTTEAT	CCATATIATO	A-NNACCCGC	GAC :	659 669
LpMDHk39	:	GAGGCTGNI	GCAGACAA	CTGCCCTGAG			ANOMACCCCGC	NCAAC	644
LpMDHk40	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATTATO	CAGCAACCCGC	TCAAC .	669
LpMDHk41	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATTATO	CAGCAACCCGC	TCAAC :	670
LpMDHk42	:	GAGGCTGTT	CGCAGACAA	ACTGCCCTGAG(GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCGC	TCAAC :	666
LpMDHk43	:	CCGATTGCI	GC T GA G AT	CT <mark>A</mark> AACAGAA				· :	637
LpMDHk44	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATCATO	CAGCAACCCGC	STCAAC :	671
LpMDHk45 :	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCAT <u>ATCAT</u> C	CAGCAACCCGC	STCAAC :	670
LpMDHk46 :	:			CTGCCCTGAG				;	647
LpMDHk48	:	GAGGCTGT	CCAGACAA	ACTGCCCTGAG(ACTGCCCTGAG(GCCTTCA'I'(GCCTTCA	CATATCATC	AGCAAC	:	661
LpMDHk49	:			CTGCCCTGAG CTGCCCTGAG		ാല മന്ന് മന്	ACCA ACCCC	TECA AC	640
LpMDHk50 :	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT(CCATATTATO	'AGCAACCCGC	TCAAC :	665 667
LpMDHk51 :	:	GAGGCTGNT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATTATO	'AGCAACCCGC	TCÑA-	665
LpMDHk52 :	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATTATO	CAGCAACCCGC	TCAAC .	665
LpMDHk53 :	:	GAGGCTGTI	'GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCATO	CCATAT T ATC	CAGCAACCCGC	TCAAC :	666
LpMDHk54:	:	GAGGCTGTT	'GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCATO	CCATATTATO	CAGCAACCCGC	TCAAC :	664
LpMDHk55 :	:	GAGGCTGTT	'GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCATO	CCATATTATO	CAGCAACCCGG	TCAAC :	
LpMDHk56:	:	GAGGCTGTT	'GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCAT	CCATATTATO	CAGCAACCCGC	TCAAC :	657
LpMDHk57:	:	GAGGCTGNT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG	GCCTTCATO	CCATAT T ATO	CAGCAACCCGG	TCNAC :	657
LpMDHk58 :		AACCCTCTT	CCACACA	OTTGCCTTC2-				:	
LpMDHk60:		GAGGCTGTT	GCAGACAA	CT C CC T TGAG CTGCCCTGAG	CCCTTCAT(CATATCATC	AGCAACCCGC	TCAAC :	639
LpMDHk61:	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCTGAG(CCTTCAT(CATATCATC	AGCAACCCGG	TCAAC :	642
LpMDHk62 :				.c.occc10AG(ICATO	CATATCATC	AGCAACCCGG	TCAAC :	635
LpMDHk63 :		GAGGCTGTT	'GCAGACAA	CTGCCCTGAGO	GCCTTCATO	ССАТАТТАТС	AGCAACCCC	TCAAC	629
LpMDHk64:	:	GAGGCTGTT	'GCAGACAA	CTGCCCTGAG(GCCTTCAT(CCATATTATC	AGCAACCCGG	TCAAC ·	615
LpMDHk65 :	:	GAGGCTGTT	'GCAGACAA	CTGCCCAGAGG	GCCTTCATO	CCATATCATC	CAGCAACCCGG	TCAAC .	347
LpMDHk66:	:	GAGGCTGTT	GCAGACAA	CTGCCCAGAG	GCCTTCAT(CCATATCATC	AGCAACCCGG	TCAAC :	234

			*	740	*	760	0	*	780	
LpMDHk1 :									:	-
LpMDHk2 :	<u></u>								 :	-
LpMDHk3 :		ELLI	CCGATTC	SCTGCTGAG	SATTCTGA	AACAGAAG	GGCGTCTAC	AACCCCA		46
LpMDHk4 :		CACTGT-								92
LpMDHk5 :	11/2	CACTGTG	A						: 6	95
LpMDHk6 :									:	-
LpMDHk7:									:	
LpMDHk8 : LpMDHk9 :	10.5	C A CONCORC	CCCATTC	CTGCTGA					:	06
LpMDHk10 :				GCTGCTGA GCTGCTGA						06
LpMDHk11 :				3.2		AACAGAAG	GCCTNTAC	AACCCCA		41
LpMDHk12 :		CACTGTG								91
LpMDHk13 :				CTGCTGAG						05
LpMDHk14 :									:	_
LpMDHk15 :	TC	CACTGTG	CCGATTC	GCTGCTGAG	AT				: 7	05
LpMDHk16 :	ΤN	CACTGTG	CCGATTC	GCTGCTGAG	ATA				: 7	06
LpMDHk17 :	<u></u>								:	-
LpMDHk18 :	TC	CACTGTG	CCGATTC	SCTGCTGAG	SATTCTGA.	AACAGAAG	GCCTCTAC	AACCCCA	AGAAG : 7	40
LpMDHk19 :							GCCNNTAC			40
LpMDHk20 :							GCCTCTAC			40
LpMDHk21 : LpMDHk22 :	TC	CACIGIG	CCCATIC	CTGCTGAG	ATTCTGA.	AACAGAAGO	GCGTCTAC	AACCCCAA	AGAAG : 7	40
LpMDHk23:		CACIGIG	CCGAIIC	CIGCIGAG	ALICIGA.	AACAGAAGC	GCCTCTAC	AACCCCAA	AGAAG : /	40
LpMDHk24:									:	-
LpMDHk25 :	TC	CACTGTG	CCGATTO	CTGCT					: 6	98
LpMDHk26 :				CTGCTGAG	ATTCTGA.	AAN				13
LpMDHk27 :	тĈ	CACTGTG	CCGATTO	SCTGCTGAG	ATTCTGA.	AACAGAAGG	GCGTCTAC	AACCCCAA	AGAAG : 7	38
LpMDHk28 :	TC	CACTGTG	CCGATTC	CTGCTGAG	ATTCTGA.	AACAGAAG	GCGTCTAC	AACCCCA	AGAAG : 7	39
LpMDHk29 :	ΤT	CACTGTG	C						: 6	84
LpMDHk30 :		CACTGTG							- : 6	95
LpMDHk31 :	TN	CACTGTG	CCGATTC	CTG					: 6º	95
LpMDHk32 :									:	
LpMDHk33:	50.6	CA CIDOMO	2002 mmc						 : _	-
LpMDHk34 : LpMDHk35 :	TC	CACIGIG	CCCATTC	CTGCTGAG	ATTCTGA.	AACAGAAC	GCGTNT-C	CACCCCA!	AGAAG : 7	34
LpMDHk36 :	TN	CACMGIG	CCGATIC	CTGCTGAG CTGCTGAG	ATTCIGA.	AACAGAAGC	GCGTCTAC	AACCCCAA		34 06
LpMDHk37 :	T C	CACGGTG	СССАТТС СССАТТС	CTGNAAT-	ALICIGA					82
LpMDHk38 :				NTGCAGAG		AACAGAA-C	egcgt			12
LpMDHk39 :									:	-
LpMDHk40 :		CAC G GTG							: 6	83
LpMDHk41 :	TC	CAC G GTG	CCGATTG	CTGCAGAG	A				: 6º	95
LpMDHk42:	TC	CAC G GTG	CCGATTG	CTGCTGAG	ATTCTGA	ACAGAAGO	GCGTCTAC	AACCCCAA	AGAAG : 7	26
LpMDHk43:									:	~
LpMDHk44:		CACTGTG								86
LpMDHk45 : LpMDHk46 :	TIV	CACTGTG	JCGATTG	eneenec -					: 6!	93
LpMDHk47:									:	-
LpMDHk48:						- 			:	-
LpMDHk49 :	TC	CAC G GTG	CCGATTC						:	81
LpMDHk50 :					ATTCTGA	ACAGAAGO	GCGTCTAC	AACCCCAA		27
LpMDHk51 :									:	_
LpMDHk52 :	TN	CAC G GTG	CCGATN-						: 6'	80
LpMDHk53 :							GCGTCTAC	AACCCCA <i>i</i>	AGAAG : 7	26
LpMDHk54:				CTGC A GAG					: 70	02
LpMDHk55 :							GCGTCTAC			23
LpMDHk56:	TIN	CACGGTG	CCGATTC	C'TGCAGAG	ATTCTGA	AACA-AA A C	GCGTCTAC	AAC		07
LpMDHk57 : LpMDHk58 :		ACGGNG	-cGATTG	NTGCA: AN	ATTUTEC				: 6	87
LpMDHk59:	TN						·			42
LpMDHk60:			СССАТТС	CTGCTGAG	ATTCTCA	ACAGAACC	GCGTCTAC	AACCCCA	· : 6	42
LpMDHk61 :	TN	CACTGTG	CCGATTC	CTGCTGAG	ATTCTGA	ACAGAAGO	GCGTCTAC GCGTCTAC	AACCCCAA A G CCCCAA	GAAC : 6	02 95
LpMDHk62 :									·	ر ر
LpMDHk63:	T ~								: 6	30
LpMDHk64:	$T\mathbf{N}$	CAC <mark>G</mark> GTG	CCGATTG	CTGCAGAG	ATTCTGA	ACAGAAGC	GCGTCTAC.	AACCCCA <i>A</i>	: 6'	71
LpMDHk65:	TC	CACTGTG	CCGATTG	CTGCTGAG	ATTCTGA	AACAGAAGC	GTGTCTAC.	AACCCCA	GAAG : 40	07
LpMDHk66:	TC	CACTGTG	CCGATTG	CTGCTGAG	ATTCTGA	AACAGAAGG	GTGTCTAC	AACCCCA	GAAG : 29	94

		^ 800 * 820 * 840	
LpMDHk1	:		: -
LpMDHk2	:		: -
LpMDHk3	:	CTCTTCGGGGTTTNCACCCTGGATGTTGTCAGAGCTAACACATTTGTAGCTCANA	: 801
LpMDHk4	:		: -
LpMDHk5	:		: -
LpMDHk6	:		: -
LpMDHk7	:		: -
LpMDHk8	:		: -
LpMDHk9	:		: -
LpMDHk10	:	VD000000000000000000000000000000000000	: -
LpMDHk11	:	CTC'ITCGGGGTTTCCACCCTGGATG'ITGTCAGAGCTAACACATTTGTAGCTCA <mark>A</mark> AA N AA N	: 801
LpMDHk12	:		: -
LpMDHk13	:		: -
LpMDHk14	:	<u> </u>	: -
LpMDHk15	:		: -
LpMDHk16	:	~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~	: -
LpMDHk17	:	CITIONING COCCOMPRISON CO.	: -
LpMDHk18	:	CTCTTCGGGGTTTCCACC	: 758
LpMDHk19	:	CTCTTMGGGGGNTTMCACCCTG	: 761
LpMDHk20	:	CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAA	: 772
LpMDHk21	:	CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAN	: 772
LpMDHk22 LpMDHk23	:	$\tt CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAGAGCTAACACATTTGTAGCTCA{\color{red}N}{A}AGAAG$: 800
LpMDHk24	:		: -
LpMDHk25	:		: -
LpMDHk26	:	~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~	: -
LpMDHk27	:	CTCTTCCCCCTTTCCA CCCTCCA TCTTCCAAAAAA	:
LpMDHk28	:	CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAGACTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAGAG	: 771
LpMDHk29	:	CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAGAG	: 773
LpMDHk30	:		: -
LpMDHk31	:		: -
LpMDHk32	:		: -
LpMDHk33	:		: -
LpMDHk34	:	CTTTTCNGGGNTTACACCCTGGATGTTGCC	: 764
LpMDHk35	:	CTCTTCGGGGNTTCCACCCTGGATGTTGTCAGAGCTAACACATTTGTAGCT	: 764
LpMDHk36	:	otel reddddir reeneet dda toll o'r da da de ran cae i llo i agel	: 785
LpMDHk37			: -
LpMDHk38	:		-
LpMDHk39	:		: -
LpMDHk40	:		
LpMDHk41	:		
LpMDHk42	:	CTCTTCGGGGTTTNCACCCTGGATGTTGTCAGAGCTAACACATTTGNAGCTCANAANAAG	: 786
LpMDHk43	:		. /60
LpMDHk44	:		
LpMDHk45	:		• -
LpMDHk46	:		• -
LpMDHk47	:		· · _
LpMDHk48	:		· -
LpMDHk49	:		· -
LpMDHk50	:	CTCTTCGGGGTTTC	: 741
LpMDHk51	:		
LpMDHk52	:		
LpMDHk53	:	CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAGGGCTAACACATT	: 770
LpMDHk54	:		: ,,,
LpMDHk55	:	$\texttt{CTCTTCGGGGTTTCC} \textbf{\textbf{C}} \texttt{CCCTGGATGTTGTCAG} \textbf{\textbf{G}} \texttt{GCTAACACATTTGTAGCTCA} \textbf{\textbf{A}}$: 777
LpMDHk56	:		: -
LpMDHk57	:		
LpMDHk58	:		: -
LpMDHk59	:		-
_	:	${\tt CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAGAGCTAACACATTTGTAGCTCAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGA$: 762
LpMDHk61	:	CTCTTA	701
LpMDHk62	:		: -
LpMDHk63	:		: -
LpMDHk64	:		-
LpMDHk65	:	CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAGAGCTAACACATTTGTAGCTCAGAAGAAG	467
LpMDHk66	:	CTCTTCGGGGTTTCCACCCTGGATGTTGTCAGAGCTAACACATTTGTAGCTCAGAAGAAG	3 5 4

	55/138	
LpMDHk1	* 860 * 880 * 900	
LpMDHk2		
LpMDHk3		: -
LpMDHk4	:	: -
LpMDHk5	:	: -
LpMDHk6	;	: -
LpMDHk7		: -
LpMDHk8 LpMDHk9		: -
LpMDHk10		: -
LpMDHk11	:	: 802
LpMDHk12	:	: -
LpMDHk13	:	: -
LpMDHk14	:	: -
LpMDHk15		: -
LpMDHk16		: -
LpMDHk17 LpMDHk18		: -
LpMDHk19		: -
LpMDHk20		
LpMDHk21	:	
LpMDHk22	: AACCTCA	: 807
LpMDHk23		: -
LpMDHk24	:	: -
LpMDHk25		: -
LpMDHk26 LpMDHk27		: -
LpMDHk28		: -
LpMDHk29		: -
LpMDHk30		: -
LpMDHk31	:	
LpMDHk32	:	· -
LpMDHk33		: -
LpMDHk34		: -
LpMDHk35		: -
LpMDHk36 LpMDHk37		: -
LpMDHk38		: -
LpMDHk39		: -
LpMDHk40		: -
LpMDHk41	:	· -
LpMDHk42	: AACCTCAGTCTTATCG	: 802
LpMDHk43		: -
LpMDHk44		: -
LpMDHk45		: -
LpMDHk46 LpMDHk47		: -
LpMDHk48	:	: -
LpMDHk49	:	: -
LpMDHk50		
LpMDHk51	;	
LpMDHk52		: -
LpMDHk53		: -
LpMDHk54		: -
LpMDHk55		: -
LpMDHk56 LpMDHk57		: -
LpMDHk58	:	: -
LpMDHk59		: - · -
	: AACCT	: - : 767
	:	. , , , ,
LpMDHk62		
LpMDHk63		: -
LpMDHk64	3.3.00m(3.3.000m(3.3.mg	: -
-	ACCTCAGCCTCATCGATGTTGATGTCCCAGTTGTCGGTGGCCATGCTGGGATCACGATT	: 527
LpMDHk66	: AACCTCAGCCTCATCGATGTTGATGTCCCAGTTGTCGGTGGCCATGCTGGGATCACGATT	: 414

		56/138	
		* 920 * 940 * 960	
LpMDHk1	:		:
LpMDHk2	:		:
LpMDHk3	:		:
LpMDHk4	:		:
LpMDHk5	:		:
LpMDHk6	:		:
LpMDHk7	:		;
LpMDHk8 LpMDHk9	:		:
LpMDHk10	:		:
LpMDHk11	:		:
LpMDHk12	:		:
LpMDHk13	•		•
LpMDHk14	:		:
LpMDHk15	:		•
LpMDHk16	:		:
LpMDHk17	:		:
LpMDHk18	:		:
LpMDHk19	:		:
LpMDHk20	:		:
LpMDHk21	:		:
LpMDHk22	:		:
LpMDHk23	:		:
LpMDHk24	:		:
LpMDHk25	:		:
LpMDHk26	:		:
LpMDHk27	:		:
LpMDHk28	:		:
LpMDHk29	:		:
LpMDHk30	:		:
LpMDHk31	:		:
LpMDHk32 LpMDHk33	:		:
LpMDHk34	:		:
LpMDHk35	:		:
LpMDHk36	:		:
pMDHk37	•		:
LpMDHk38	:		:
LpMDHk39	:		:
LpMDHk40	:		:
LpMDHk41	:		:
LpMDHk42	:		:
pMDHk43	:		:
LpMDHk44	:		:
LpMDHk45	:		:
LpMDHk46	:		;
LpMDHk47	:		:
LpMDHk48	:		:
LpMDHk49	:		:
LpMDHk50	:		:
LpMDHk51	:		:
pMDHk52	:		:
pMDHk53	:		:
pMDHk54	:		:
pMDHk55	:		:
pMDHk56	:		:
pMDHk57	:		:
pMDHk58 pMDHk59	:		:
pMDHk60	:		:
LpMDHk60 LpMDHk61	:		:
LpMDHk61 LpMDHk62	:		:
LpMDHk63			:
	•		:
LoMDHk64			:
LpMDHk64 LpMDHk65	:	CTGCCTCTGTTGTCCAAGACTAGGCCTTCTGTCAGCTTCACGGACGAGGAAACTGAACAG	:

			*	980	*	1000	*	1020
LpMDHk1	:							
LpMDHk2	:							
LpMDHk3	:							
LpMDHk4	:						- 	
LpMDHk5	:							
LpMDHk6	:		. .					
LpMDHk7					. .			
LpMDHk8								
LpMDHk9	:							
LpMDHk10	٠.							
_								
LpMDHk11								
LpMDHk12								
LpMDHk13								
LpMDHk14								
LpMDHk15								
LpMDHk16	:							
LpMDHk17	' :							
LpMDHk18	3 :			·				
LpMDHk19								
LpMDHk20								
LpMDHk21								
LpMDHk22								
LpMDHk23								
LpMDHk24								
-								
LpMDHk25							-	
LpMDHk26								
LpMDHk27							- 	
LpMDHk28								
LpMDHk29	:							
LpMDHk30	:							·
LpMDHk31	:							
LpMDHk32	:							
LpMDHk33								
LpMDHk34								
LpMDHk35								
LpMDHk36								
_								
LpMDHk37								
LpMDHk38								
LpMDHk39								
LpMDHk40								
LpMDHk41	:							
LpMDHk42	:							
LpMDHk43	:							
LpMDHk44								
LpMDHk45								
LpMDHk46								
LpMDHk47								
LpMDHk48								
	•							
LpMDHk49	:						·	
pMDHk50	:							
pMDHk51	:							
pMDHk52	:							
pMDHk53	:							
pMDHk54	:							
pMDHk55	:							
pMDHk56	:							
pMDHk57	•							
pMDHk58	:							
-	:							
pMDHk59	:							
DMDHk60	:							
LpMDHk61	:						-	
LpMDHk62	:							
	:							
LpMDHk63								
LpMDHk64	:						-	
	:	CTGACAAA	GAGGATA	CAGAACGCTG	GGACAGAGO	TGGTGGAGGCG CGGTGGAGGCG	AA	

		*	1040	*	1060	* 1080	
LpMDHk1	:						:
LpMDHk2	:						:
LpMDHk3	:						
LpMDHk4	:						
LpMDHk5							:
_	:						•
LpMDHk6	:						:
LpMDHk7	:						:
LpMDHk8	:						:
LpMDHk9	:						:
LpMDHk10	:						:
LpMDHk11	:						
LpMDHk12	:						-
LpMDHk13	:						:
LpMDHk14	Ċ						•
-	:						:
LpMDHk15	:						:
LpMDHk16	:						:
LpMDHk17	:						:
LpMDHk18	:						:
LpMDHk19	:						
LpMDHk20	:						
LpMDHk21							:
LpMDHk22	:						•
-	•						:
LpMDHk23	:						:
LpMDHk24	:						:
LpMDHk25	:						:
LpMDHk26	:						:
LpMDHk27	:			- 			:
LpMDHk28	:						•
LpMDHk29	:						÷
pMDHk30							:
pMDHk31	:						:
	-						:
LpMDHk32	:						:
LpMDHk33	:						:
LpMDHk34	:						:
LpMDHk35	:						:
LpMDHk36	:						:
LpMDHk37	:			- 			•
LpMDHk38	:						•
LpMDHk39	:						
LpMDHk40	:	_					=
_	٠						:
LpMDHk41	:						:
LpMDHk42	:			- 			:
LpMDHk43	:				·		:
LpMDHk44	:						:
LpMDHk45	:						•
LpMDHk46	:						:
LpMDHk47							•
LpMDHk48	:		_ _				:
	•						:
pMDHk49	:						:
pMDHk50	:						:
pMDHk51	:				·		:
pMDHk52	:						:
pMDHk53	:			· 			
pMDHk54	:						:
pMDHk55							:
_	:						:
pMDHk56	•						:
pMDHk57	:						:
pMDHk58	:						:
pMDHk59	:			·			:
pMDHk60	:			. 	·		•
LpMDHk61	:			- 			:
LpMDHk62	:						•
LpMDHk63	:						:
-	:						:
	:						:
LpMDHk64							
LpMDHk65	:				·	PCATCGCTCCGCGCA	:

			*	1100	*	1120	*	1140
LpMDHk1	:							:
LpMDHk2	:							:
LpMDHk3	:							:
LpMDHk4	:							:
LpMDHk5	:							
LpMDHk6	:							
LpMDHk7								:
LpMDHk8	:							
LpMDHk9	:							:
_	:							:
LpMDHk10	•							:
LpMDHk11	:							:
LpMDHk12	:							:
LpMDHk13	:							:
LpMDHk14	:							:
LpMDHk15	:							:
LpMDHk16	:							:
LpMDHk17	:							:
LpMDHk18	:							:
LpMDHk19	:							:
LpMDHk20	:							:
LpMDHk21	:							
LpMDHk22	:							
LpMDHk23	:							:
LpMDHk24	:							:
LpMDHk25	:							:
LpMDHk26	:							:
LpMDHk27	:							:
_	•							:
LpMDHk28	:							:
LpMDHk29	:							:
LpMDHk30	:							:
LpMDHk31	:							:
LpMDHk32	:							:
LpMDHk33	:							:
LpMDHk34	:							:
LpMDHk35	:							:
LpMDHk36	:							
LpMDHk37	:							:
LpMDHk38	:							:
LpMDHk39	:							
LpMDHk40	:				. =			
LpMDHk41	:							:
LpMDHk42	:							:
LpMDHk43	:							:
LpMDHk44	•							:
LpMDHk45	•							:
-	:							:
LpMDHk46	:							:
LpMDHk47	:					·		:
LpMDHk48	:							:
LpMDHk49	:							:
LpMDHk50	:		 -					:
LpMDHk51	:							:
LpMDHk52	:							:
LpMDHk53	:							:
LpMDHk54	:							
LpMDHk55	:				 _			:
LpMDHk56	:							
LpMDHk57	:							•
LpMDHk58	:		-					•
LpMDHk59								•
LpMDHk60	:							•
LpMDHk61	:					·		•
LpMDHk61	•							•
-	:							•
LpMDHk63	:							•
LpMDHk64	:					·		
LpMDHk65	:							
LpMDHk66	:	ATGGCTGG'	FGATCCA	GATGTTTACG	AGTGCACGT	'ATGTTCAGTC'	FGAGTTAACA	CACCUUT : 6

		60/138	
		* 1160 * 1180 * 1200	
LpMDHk1	:	1200	:
LpMDHk2	:		:
LpMDHk3	:		:
LpMDHk4	:		:
LpMDHk5	:		:
LpMDHk6	:		:
LpMDHk7	:		: .
LpMDHk8	:		:
LpMDHk9	:		:
LpMDHk10	:		:
LpMDHk11	:		:
LpMDHk12	:		:
LpMDHk13	:		:
LpMDHk14	:		:
LpMDHk15	:		:
LpMDHk16	:		:
LpMDHk17	:		: -
LpMDHk18	:		:
LpMDHk19	:		:
LpMDHk20 LpMDHk21	:		: -
LpMDHk21	:		: -
LpMDHk23	:		: -
-	:		: -
LpMDHk24 LpMDHk25	:		: -
LpMDHk26	:		: -
LpMDHk27	:		: -
LpMDHk28	:		: -
LpMDHk29	:		: -
LpMDHk30	:		: -
LpMDHk31	:		: -
LpMDHk32	:		: -
LpMDHk33	:		:
LpMDHk34	:		: -
LpMDHk35	:		: -
LpMDHk36	:		: -
LpMDHk37	:		: -
LpMDHk38	:		: -
LpMDHk39	:		: -
LpMDHk40	:		
LpMDHk41	:		
LpMDHk42	:		: -
LpMDHk43	:		
LpMDHk44	:	*	
LpMDHk45	:		
LpMDHk46	:		
LpMDHk47	:		
LpMDHk48	:		: -
LpMDHk49	:		: -
LpMDHk50	:		: -
LpMDHk51	:		: -
LpMDHk52	:		: -
-	:		: -
	:		: -
LpMDHk55	:		: -
_	:		: -
LpMDHk57	:		: -
LpMDHk58	:		: -
LpMDHk59	:		: -
	:		: -
LpMDHk61	:		: -
LpMDHk62	:		: -
LpMDHk63	:		: -
LpMDHk64	:		: -
LpMDHk65	•		: -

61/138* 1240

		*	1220	*	1240	*	1260
LpMDHk1	:	 					
LpMDHk2	:	 					
LpMDHk3	:	 					
LpMDHk4		 					
LpMDHk5		 					
LpMDHk6	:						
-	•	 					
LpMDHk7	•	 					
LpMDHk8	٠	 					
LpMDHk9	:	 					
LpMDHk10	:	 					
LpMDHk11	:	 					
LpMDHk12	:	 					
LpMDHk13	:	 					
LpMDHk14	:	 					
LpMDHk15	:	 					
LpMDHk16	:	 					
LpMDHk17	:	 					
LpMDHk18	:	 					
LpMDHk19	:	 					
LpMDHk20	:	 					
LpMDHk21	:	 					
LpMDHk21	:	 					
-	:	 					
LpMDHk23	:	 					:
LpMDHk24	:	 					;
LpMDHk25	:	 					:
LpMDHk26	:	 					
LpMDHk27	:	 					:
LpMDHk28	:	 					
LpMDHk29	:	 					
LpMDHk30	:	 					
LpMDHk31	:	 					:
LpMDHk32	:	 					
LpMDHk33	:	 					
LpMDHk34	:	 					:
LpMDHk35	:						
	•	 					
LpMDHk36	:	 					·:
LpMDHk37	:	 					· :
LpMDHk38	:	 					
LpMDHk39	:	 					:
LpMDHk40	:	 					:
LpMDHk41	:	 					
LpMDHk42	:	 					·
LpMDHk43	:	 					
LpMDHk44	:	 	· 				:
LpMDHk45	:	 					
LpMDHk46	:	 					:
LpMDHk47	•	 	- -				:
LpMDHk48	:	 					
LpMDHk49	:	 					
-		 					:
LpMDHk50	:	 					:
_	:	 					:
LpMDHk52	:	 					:
-	:	 	·				:
LpMDHk54	:	 					:
LpMDHk55	:	 -					
LpMDHk56	:	 					:
LpMDHk57	:	 					
LpMDHk58	:	 					•
LpMDHk59	:	 					
LpMDHk60	:	 					•
LpMDHk61	:	 					•
PPINUY0T	:	 					•
InMDINGER	:	 					
LpMDHk62		 					
LpMDHk63	:						-
LpMDHk63 LpMDHk64	:	 			- 		
LpMDHk63	:	 					:

LpMDHk1			
	:	 :	_
_			
LpMDHk2	:	 :	_
LpMDHk3	:	 :	
LpMDHk4	:	 :	_
LpMDHk5	:	 :	_
-			
LpMDHk6	:	 :	-
LpMDHk7	:	 :	-
LpMDHk8	:	 :	_
LpMDHk9	:	 :	_
LpMDHk10	:	 :	-
LpMDHk11	:	 :	
LpMDHk12	:	 :	_
LpMDHk13			
	:	:	_
LpMDHk14	:	 :	_
LpMDHk15	:	 :	-
LpMDHk16	:	 :	- -
LpMDHk17	:		
		:	_
LpMDHk18	:	 :	-
LpMDHk19	:	 :	-
LpMDHk20	:	 :	_
LpMDHk21	:	:	-
LpMDHk22	:	 :	-
LpMDHk23	:	 :	-
LpMDHk24	:		
_		:	_
LpMDHk25	:	 :	-
LpMDHk26	:	 :	-
LpMDHk27	:	 :	_
LpMDHk28			
_	:	:	_
LpMDHk29	:	 :	-
LpMDHk30	ï	 :	_
LpMDHk31	:	 :	_
LpMDHk32	:	:	-
LpMDHk33	:	 :	-
LpMDHk34	:	 :	-
LpMDHk35	:	 :	_
LpMDHk36			
	:	:	_
LpMDHk37	:	 :	_
LpMDHk38	:	 :	_
	:	 z	
LpMDHk39			_
LpMDHk39			-
LpMDHk40	:	 :	-
_			-
LpMDHk40	:	 :	- - -
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42	:	 :	- - -
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43	: : :	 : : :	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43 LpMDHk44	: : : :	 : : : :	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43	: : :	 : : :	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43 LpMDHk44	: : : :	 : : : : :	- - - - -
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46	: : : : : :	 : : : : : :	- - - - - -
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk46	: : : : : : :	 : : : : : : :	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48	: : : : : : : :	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk48	: : : : : : :	: : : : : : :	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk48	: : : : : : : :	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk49 LpMDHk49 LpMDHk49	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	 :::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk50	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk48 LpMDHk49 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	 :::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk50		 :::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk45 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk49 LpMDHk50 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk52 LpMDHk53		 :::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk49 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk53 LpMDHk54		:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	-
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk49 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk54			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk42 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk52 LpMDHk52 LpMDHk53 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk49 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk54			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk49 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk57 LpMDHk57 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk50 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk56 LpMDHk57 LpMDHk57 LpMDHk57 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk60 LpMDHk60 LpMDHk61			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk43 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk50 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk56 LpMDHk57 LpMDHk57 LpMDHk57 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk60 LpMDHk60 LpMDHk61			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk52 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk58 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk61 LpMDHk61			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk60 LpMDHk60 LpMDHk60 LpMDHk61			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk45 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk52 LpMDHk52 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk61 LpMDHk60 LpMDHk61 LpMDHk61 LpMDHk61 LpMDHk61 LpMDHk64			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk46 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk53 LpMDHk53 LpMDHk54 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk55 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk60 LpMDHk60 LpMDHk60 LpMDHk61			
LpMDHk40 LpMDHk41 LpMDHk44 LpMDHk44 LpMDHk45 LpMDHk45 LpMDHk47 LpMDHk48 LpMDHk50 LpMDHk51 LpMDHk51 LpMDHk52 LpMDHk52 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk54 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk56 LpMDHk61 LpMDHk60 LpMDHk61 LpMDHk61 LpMDHk61 LpMDHk61 LpMDHk64			

		*	20	*	40	*	60	
LpPEPCb1 :	GAAGAAG'	TTGCTGA	TGTTTTAAGNA	ACATTTNTGT	CCTTGCAGAG	CTCCCAGCAG	ATTGTT	: 60
LpPEPCb2 :								
LpPEPCb3 :								•
								: -
LpPEPCb4 :								: -
LpPEPCb5 :							:	
LpPEPCb6 :								
								• -
		*	80	*	100	*	120	
LpPEPCb1 :	TTGGTGC'	TTACATCA	ATCTCAATGG	CAACTGCCCC	CATCTGATGTG	CTTGCTTGTTG	ACCTTT	: 120
LpPEPCb2 :						0110010110	nociii.	. 120
LpPEPCb3 :							:	-
							:	-
LpPEPCb4:								: -
LpPEPCb5 :								-
LpPEPCb6 :								_
-							•	
			1.40					
		*	140	*	160	*	180	
LpPEPCb1 :	TGCAGCG	GGAGTGCC	CATATAAAA <u>A</u> A	AGCCATTGAG	SAGTTGTTCCA	CTATTTGAAA	AGCTTG :	: 180
LpPEPCb2 :								
LpPEPCb3 :			- 					
LpPEPCb4:							:	-
							:	-
LpPEPCb5 :							:	: -
LpPEPCb6 :							:	-
							•	
		*	200		222			
I = DEDOL 1	GR GR MOM	707777			220	*	240	
LpPEPCb1:	CAGATCT.	rgaancac	GCTCCAGCATC	TGTTGCACC	ACTATTTTCA	ATAGACTGGT	ACATGA :	240
LpPEPCb2 :							:	_
LpPEPCb3:							:	_
LpPEPCb4:							•	_
LpPEPCb5 :							:	-
							:	_
LpPEPCb6:							:	_
		*	260	*	280	*	300	
LpPEPCb1 :	ΔΤΑGΑΑΤΟ	TA ATTCCC A	AGCAGGAGGT		ATACTCAGAC	TOTOGO A A CO		200
LpPEPCb2:	TITIOTHIC	JAMIOOCA	TOCHO DACOL	CAIGALIGG	MIACICAGAC	TC TGGGAAGG	ACGCTG:	300
							:	_
LpPEPCb3:							:	-
LpPEPCb4:							;	
LpPEPCb5:								
LpPEPCb6:						_		_
							:	_
		*	320	*	340	*	360	
LpPEPCb1 :	GGCGTCTC	CTCTGCAC	CCTCCCAAAT	GTATAAAGC	ACAAGAAGAT	СТСАТАААСС		360
LpPEPCb2 :			7001000.1.11		ACAAGAAGAT			
				GIATAAGC	ACAAGAAGAT	CTCATAAAGG	rggcaa :	35
LpPEPCb3 :							:	-
LpPEPCb4 :							:	_
LpPEPCb5 :								_
LpPEPCb6:								
							:	_
		*	380	*	400	*	420	
LpPEPCb1 :	AGCAATA1	TGGAGTAA	AGTTAACAAT	GTTTCATGG	AAGAGGTGGA	ACGGTTGGCA	GAGGAG	420
LpPEPCb2 :	AGCAATAT	ГGGAGTAA	Αζτταδοδα	CTTTCATCC	AAGAGGTGGA	ACCCTTCCC	CACCAC	95
LpPEPCb3 :				CDDD MESS	A D D COMOCA	ACGGIIGGCA	SACOAC :	
-			<u>AVAMI</u>	GTTT-NTGG	AAGAGGTGGA			37
LpPEPCb4 :						GCA	NAGGAG :	9
LpPEPCb5:			·				:	***
LpPEPCb6 :								

FIGURE 8 64/138

		*	440	*	460	*	480	
LpPEPCb1 :	GTGGTCC	CAGTCATO	CTTGCTATATTA	TCTCAACC.	ACCAGACACG.	ATACAAGGAT	CACTTC :	480
LpPEPCb2 :			CTTGCTATATTA					155
LpPEPCb3 :			CTTGCTATATTA					97
LpPEPCb4:	GTGGTCC	CAGTCATC	CTTGCTATATTA	TCTCAACC.	ACCAGACACG.	ATACAAGGAT	CACTTC :	69
LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :								-
LPFEFCDO .							:	_
		*	500	*	520	*	540	
LpPEPCb1 :	GTGTAAC	AGTTCAAC	GCGAGGTCATA	GAGCACTC.	ATTTGGAGAG	GAACACTTGT	GCTTCA:	540
LpPEPCb2 :	GTGTAAC	AGTTCAAC	GCGAGGTCATA	GAGCACTC.	ATTTGGAG G G	GAACACTTGT	GCTTCA :	215
LpPEPCb3 :			GCGAGGTCATA					157
LpPEPCb4 :	GTGTAAC	AGTTCAAC	GCGAGGTCATA	GAGCACTC.	ATTTGGAGAG	GAACACTTGT	GCTTCA:	129
LpPEPCb5 :								_
LpPEPCb6 :								_
		*	560	*	580	*	600	
LpPEPCb1 :	NAACTCT	GCAACGTI	TCACTGCAGCT	ACTCTTGA	GCATGGAATG(CATCCTCCAA	TTTC C C	600
LpPEPCb2 :			TTCACTGCAGCT					275
LpPEPCb3 :			FTCACTGCAGCT					217
LpPEPCb4:	GAACTCT	'GCAACGT'I	TCACTGCAGCT	ACTCTTGA	GCATGGAATG	CATCCTCCAA	TTTCAC	189
LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :							;	_
nprnrcho.							:	
		*	620	*	640	*	660	
LpPEPCb1 :	CCAAACC	AGAATGG	NTGCTATAATG	GATGANAT	GGCTGTAGNG	GCA C CAAAAG	AA A ATC	660
LpPEPCb2 :			CGTGCTATAATG					335
LpPEPCb3 :			CGTGCTATAATG					277
LpPEPCb4:	CCAAGCC	AGAATGGC	CGTGCTATAATG	GATGAGAT	GGCTGTAGTG	GCAACAAAAG	AATATC	249
LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :								: -
nprercoo.							:	_
		*	680	*	700	*	720	
LpPEPCb1 :			CAAGAACC C C N T				;	697
LpPEPCb2 :			CAAGAACCACGT					395
LpPEPCb3 :	GATCAAT	TGTCTTCC	CAAGAACCACGT	TTTGTCGA	ATACTTCCGC'	TCGGCAACAC	CTGAGA :	337
LpPEPCb4 : LpPEPCb5 :	GATCAAT	"TGTCTTCC	CAAGAACCACGT	TTTGTCGA	ATACTTCCGC'	TCGGCAACAC	CTGAGA:	309
LpPEPCb6 :								_
EPILICEO.				_				_
		*	740	*	760	*	780	
LpPEPCb1 :	<u></u>						:	-
LpPEPCb2 :			ATGAATATTGGT					455
LpPEPCb3 :			ATGAATATTGGT					397
LpPEPCb4 : LpPEPCb5 :	CIGAATA	ADD <u>ITDDI</u>	ATGAATATTGGT	AGCCGGCC.	ATCAAAGAGA.	AAGCCTAGTG	GAGGCA:	369
LpPEPCb6:					-			_
F								_
		*	800	*	820	*	840	
LpPEPCb1 :							:	-
LpPEPCb2:			GCAATTCCATGG					515
LpPEPCb3 : LpPEPCb4 :			GCAATTCCATGG					457
LpPEPCb4 :			CAATTCCATGG	AICTTTGC	T TGGACACAG	ACAAGGT"I"I"C	AVICTIC :	429
LpPEPCb6:								_
								_

FIGURE 8 (cont.) 65/138

		*	860	*	880	*	900		
LpPEPCb1	:			- -				•	_
LpPEPCb2	:	CTGTATGGCTTGGA	ATTTGGTGCAGO	CGTTCAAACA	TATCATGCAG	AAGGACATCA	GGAATA	:	575
LpPEPCb3		CTGTATGGCTTGGA							517

LpPEPCb4 : LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :	CTGTATGGCTTGGA	TTTGGTGCAGC	GTTC AAAC	ATATCATGCAGA	AAGGACATC	AGGAATA 	: 489 : -
LpPEPCb1: LpPEPCb2: LpPEPCb3: LpPEPCb4: LpPEPCb5: LpPEPCb6:	* TCCATACTCTGAAA TCCATACTCTGAAA TCCATACTCTGAAA	GAAATGTACAA1	GAGTGGC	CATTCTTTAGG	STCACCCTT	GACTTGC	: - : 635 : 577 : 549 : -
LpPEPCb1 : LpPEPCb2 : LpPEPCb3 : LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :	* TTGAGATGGTTTTT TTGAGATGGTTTTTT TTGAGATGGTTTTTT	GCCAAGGGAGA1	CCAGGAA1 CCAGGAA1	TGCTGCTTTA1 TGCTGCTTTA1	TATGACAAA TATGACAAA	TTGCTTG TTGCTTG	: - : 695 : 637 : 609 : 50
LpPEPCb1 : LpPEPCb2 : LpPEPCb3 : LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :	* TGTCTGAAGATCTG TGTCTGAAGATCTG TGTCTGAAGATCTG TGTCTGAAGATCTG	CAGCCCTTTGGG CAGCCCTTTGGG	GAGCAGC1 GAGCAGC1	'GAGAAACAAC'I 'GAGAAACAAC'I	TTGAAGAG. TTGAAGAG.	ACGAAAC ACGAAAC	: - : 755 : 697 : 669 : 110
LpPEPCb1 : LpPEPCb2 : LpPEPCb3 : LpPEPCb4 : LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :	* AGNTACTCTTTAAG AGTTACTCCTTCAG AGTTACTCCTTCAG AGTTACTCCTTCAG	GTTGCTGGCCAC GTTGCTGGCCAC	AAGGACGT AAGGACGT AAGGACGT	TCTTGAAGGGC TCTTGA G GGGC	ATCCTTAC(ATCCTTAC(CTGAAGC CTGAAGC	: - : 785 : 757 : 729 : 170 : 32
LpPEPCb1 : LpPEPCb2 : LpPEPCb3 : LpPEPCb4 : LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :	* AGCGTCTGCGGGTGG AGCGTCTGCGGTTGG AGCGTCTGCGGTTGG	CGTGAGTCATAC CGTGAGTCATAC	ATCACAAC ATCACAAC	ATTGAATGTTT	* GCCAAGCG	1200	: - : 783 : 764 : 230 : 92
LpPEPCb1 : LpPEPCb2 : LpPEPCb3 : LpPEPCb4 : LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :	* TGAAGCGGATAAGA(TGAAGCGGATAAGA(1220 GACCCTAGCTTC GACCCTAGCTTC	* GAGGTGAC	1240	* CACCTCTG	1260	: - : - : - : 290 : 152

		*	1280	*	1300	*	1320	
LpPEPCb1 :							:	
LpPEPCb2 :								-
LpPEPCb3 : LpPEPCb4 :						·	-	: -
LpPEPCb5 :	AGTTCGC	TGATGAG	AAGGAGCCAGCT	'GAGCTGG'	TGCAACTGAACC	GTGGGAGC	GAGTACG	350
LpPEPCb6 :	AGTTCGC	CTGATGAG	AAGGAGCCAGCT	'GAGCTGG'	rgcaactgaacc	CGTGGGAGC	GAGTACG	212
		*	1340	*	1360	*	1380	
LpPEPCb1 :							:	
LpPEPCb2 :								-
LpPEPCb3 : LpPEPCb4 :							:	-
LpPEPCb5 :	CCCCAGG	CCTGGAG	GACACCCTCATC				: ΔΦCCΔΔΔ	: - : 409
LpPEPCb6 :	CCCCAGG	CCTGGAG	GACACCCTCATC	CTTACCA'	rgaagggtattt	GCTGTGGA CGCTGTGGA	ATGCAAA	272
		-						
		*	1400	*	1420		1 4 4 0	
LpPEPCb1 :					1420		1440	
LpPEPCb2 :	-							-
LpPEPCb3 :						-		-
LpPEPCb4 : LpPEPCb5 :		CTACCCC	AGTTTGCCTA-T			TOTAL A TOCK	:	4.00
LpPEPCb6:	ACACAGO	CTAGGCC.	AGTTTGCCTATT AGTTTGCCTATT	TGGAATA?	ACTGTCAT _I CCC	TCAGATGG TCAGAT-G	GGCGTGA :	: 468 : 331
_			· = -					. 551
			1460					
LpPEPCb1 :			1460		1480 	*	1500	
LpPEPCb2 :							: :	· –
LpPEPCb3 :								_
LpPEPCb4 : LpPEPCb5 :	A MA DODO	memmeee					 :	: <u>-</u>
LpPEPCb5 :	ATATGTG	TGTTCCC TGTTCCCC	CAAATGCTAGTG CAAATGCTAGTG	AACCCTG(AGGCATTTTGG	CCACTTAC.	ATGCCTT:	: 528 : 390
•			0011.010		indeca [111de	CCACTIAC.	AIOCCII .	. 390
			1500					
LpPEPCb1 :			1520	*	1540	*	1560	
LpPEPCb2 :							:	_
LpPEPCb3 :							:	-
LpPEPCb4 : LpPEPCb5 :		TCM TON					 :	-
LpPEPCb5 :	TTGGTTA	TGMATGN	AC <mark>-</mark> TTGATCTTA ACTTTGATCTTA	ATGNCAA(ATG TI CAAN	GGTTGTTGAAG	CCTGATCT	AAATAAA	587
F				HIOTOWN	OAADITUTTOO	CCIGAICI	HAAINAA :	450
			1500					
LpPEPCb1 :		*	1580	*	1600	*	1620	
LpPEPCb2:							:	-
LpPEPCb3 :							:	_
LpPEPCb4:	2 M 2 M C C 2						 :	-
LpPEPCb5 : LpPEPCb6 :	ATATGGA	ACAATGA'. ACAATGA'	TATTCTGG <mark>-</mark> NGG. PATTCTGGT T G T	ATCTAATA	ATTTGCTTGGC	TCTGGCAT	CGNAATA :	646
		LICIMION.					:	482
InDEDCh1 .		*	1640					
LpPEPCb1 : LpPEPCb2 :			: -					
LpPEPCb3 :			 : -					
LpPEPCb4 :			 : -					
LpPEPCb5:	GNGATTT	GGAGTNG:	TTTAAC : 666					
LpPEPCb6 :			: -					

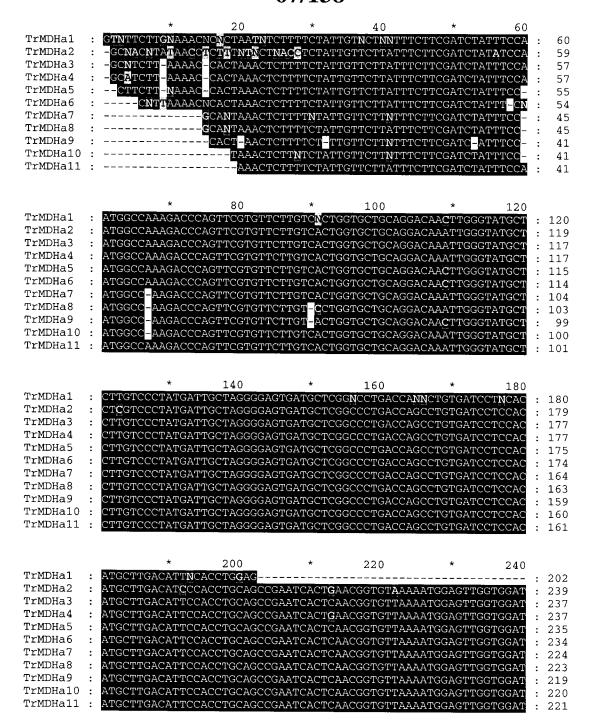


FIGURE 9

	*	260	*	280	*	300	
TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : TrMDHa9 : TrMDHa10 :	GCTGCATTCCCT GCTGCATTCCCT GCTGCATTCCCT GCTGCATTCCCT GCTGCATTCCCT GCTGCATTCCCT GCTGCATTCCCT GCTGCATTCCCT	CTTCTTAAAGGAG CTTCTTAAAGGAG CTTCTTAAAGGAG CTTCTTAAAGGAG CTTCTTAAAGGAG CTTCTTAAAGGAG CTTCTTAAAGGAG CTTCTTAAAGGAG CTTCTTAAAGGAG	TTGTTGCTA TTGTTGCTA TTGTTGCTA TTGTTGCTA TTGTTGCTA TTGTTGCTA TTGTTGCTA TTGTTGCTA	CAACTGATGTC CAACTGATGTC CAACTGATGTC CAACTGATGTC CAACTGATGTC CAACTGATGTC CAACTGATGTC CAACTGATGTC CAACTGATGTC	GTTGAGGCA	TGCACT: TGCACT: TGCACT: TGCACT: TGCACT: TGCACT: TGCACT: TGCACT: TGCACT:	299 297 297 295 294 284 283 279 280 281
	*	320	*	340	*	360	
TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : TrMDHa9 : TrMDHa10 :	GGTGTCAATATT GGTGTCAATATT GGTGTNAATATT GGTGTCAATATT GGTGTCAATATT GGTGTCAATATT GGTGTCAATATT GGTGTCAATATT GGTGTCAATATT	GCCGTTATGGTTG GCCGTTATGGTTG GCCGTTATGGTTG GACGNTATGGTTG GCCGTTATGGTTG GCCGTTATGGTTG GCCGTTATGGTTG GCCGTTATGGTTG GCCGTTATGGTTG GCCGTTATGGTTG	GTGGGTTCC GTGGGTTCC GTGGGTTCC GNGGGTTNC GTGGGTTCC GTGGGTTCC GTGGGTTCC GTGGGTTCC	CTAGAAAAGAA CTAGAAAAGAA CTAGAAAAGAA NTA <mark>C</mark> NANACAA CTAGAAAAGAA CTAGAAAAGAA CTAGAAAAGAA CTAGAAAAGAA	AGGTATGGAG AGGTATGGAG AGGTATGGAG AGGTATGGAG AGGTATGGAG AGGTATGGAG AGGTATGGAG AGGTATGGAG	AGGAAA: AGGAAA: AGGAAA: AGGAAA: AGGAAA: AGGAAA: AGGAAA: AGGAAA:	359 357 357 355 344 344 343 339 340 341
MacMOII o 1	*	380	*	400	*	420	
TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : TrMDHa9 : TrMDHa10 :	GATGTGATGACA GATGTGATGACA GATGTGATGACA GATGTGATGACA GATGTGATGACA GATGTGATGACA GATGTGATGACA GATGTGATGACA	AAAAATGTCTCTA AAAAATGTCTCTA AAAAATGTCTCTA AAAAATGTCTCTA AAAAATGTCTCTA AAAAATGTCTCTA AAAAATGTCTCTA AAAAATGTCTCTA AAAAATGTCTCTA	TTTACAAGT TTTACAAGT TTTACAAGT TTTACAAGT TTTACAAGT TTTACAAGT TTTACAAGT	CTCAGGCTTC' CTCAGGCTTC' CTCAGGCTTC' CTCAGGCTTC' CTCAGGCTTC' CTCAGGCTTC' CTCAGGCTTC'	rgocottgaa rgocottgaa rgocottgaa rgocottgaa rgocottgaa rgocottgaa rgocottgaa	AAACAT :	419 417 417 415 - 404 403 399 400 400
TrMDHa1 :	*	440	*	460	*	480	
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : TrMDHa6 :	GCTGCTGCAAAC GCTGCTGCAAAC GCTGCTGCAAAC	TGCAAGGTTCTTG TGCAAGGTTCTTG TGCAAGGTTCTTG TGCAAGGTTCTTG	TTGTTGCCA TTGTTGCCA TTGTTGCCA	ACCCAGCAAA(ACCCAGCAAA(ACCCAGCAAA(CACCAATGCA CACCAATGCA CACCAATGCA	TTGATC: TTGATC: TTGATC:	479 477 477 475
TrMDHa8 : TrMDHa9 : TrMDHa10 :	GCTGCTGCAAAC GCTGCTGCAAAC GCTGCTGCAAAC	TGCAAGGTTCTTG TGCAAGGTTCTTG TGCAAGGTTCTTG TGCAAGGTTCTTG TGCAAGGTTCTTG	TTGTTGCCA TTGTTGCCA TTGTTGCCA	ACCCAGCAAA(ACCCAGCAAA(ACCCAGCAAA(CACCAATGCA CACCAATGCA CACCAATGCA	TTGATC: TTGATC: TTGATC:	464 463 459 460 460

*	500	*	520	*	540	
TrMDHa1 :						: -
TrMDHa2 : TTGAAGGAATATGC						: 539
TrMDHa3 : TTGAAGGAATATGC						: 537
TrMDHa4 : TTGAAGGAATATGC TrMDHa5 : TTGAAGGAATATGC						: 537
TrMDHa6 :		TGAGAAAA	CATTICIGC	TTTGACTAGA	ATTGGAC	: 535
TrMDHa7 : TTGAAGGAATATGC	TCCATCCATTCC	TGAGAAAA	САТТТСТСС	тттсастаса	ATTGGAC	: 524
TrMDHa8 : TTGAAGGAATATGC						: 523
TrMDHa9 : TTGAAGGAATATGC						: 519
TrMDHa10 : TTGAAGGAATATGC	TCCATCCATTCC	TGAGAAAA	CATTTCTGC	TTTGACTAGA	ATTGGAC	: 520
TrMDHa11 : TTGAAGGAATATGC	TCCAT N CATTCC	tga n aaaaa	CATTT N TGC	TTTGACTAGA	ATTGGAC	: 520
*	560	*	580	+	600	
TrMDHa1 :			360		600	
TrMDHa2 : CATAACAGGGCACT	TGGTCA				·	: 559
TrMDHa3 : CATAACAGGGCACT		TGAA				: 567
TrMDHa4 : CATAACAGGGCACT			AAA			: 575
TrMDHa5 : CATAACAGGGCACT				AGTTTCTGAT	GTGAAA	: 595
TrMDHa6 :						: -
TrMDHa7 : CATAACAGGGCACT						: 558
TrMDHa8 : CATAACAGGGCACT TrMDHa9 : CATAACAGGGCACT						: 583
TrMDHa9 : CATAACAGGGCACT TrMDHa10 : CATAACAGGGCACT	AGGTCAAATTTC	TGAAAGACT TGAAAGACT	AAACGTTGA	AGTTTCTGAT	GTGG	: 577
TrMDHa11 : CATAACAGGGCACT						: 580 : 580
		TOTHUMNICT	THE ICCITOR	AGI I I I I I GAI	CIOAAA	. 500
*	620	*	640	*	660	
* TrMDHa1 :	620	* 	6 4 0	*	660 	: -
TrMDHa2 :	620 	* 	6 4 0	* 	660 	: - : -
TrMDHa2 : TrMDHa3 :	620	*	640	*	660	: - : -
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 :	620	*	640	*	660	: -
TrMDHa2 : TrMDHa3 :	620	*	640	*	660	: - : - : - : 606
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : AATGTTAT-A-AT-	620	*	640	*	660	: - : - : - : 606 : -
TrMDHa2 :		*	640	*	660	: - : - : - : 606 : - : 599
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : AATGTTAT-A-AT- TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : AATGTTATAATCTG TrMDHa9 :		*	640	*	660	: - : 599 : -
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : AATGTTAT-A-AT- TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : AATGTTATAATCTG TrMDHa9 : TrMDHa10 : AATGTTATAATCTG	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : AATGTTAT-A-AT- TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : AATGTTATAATCTG TrMDHa9 :	3G	*		*		: - : 599 : -
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : AATGTTAT-A-AT- TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : AATGTTATAATCTG TrMDHa9 : TrMDHa10 : AATGTTATAATCTG	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : AATGTTAT-A-AT- TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : AATGTTATAATCTG TrMDHa9 : TrMDHa10 : AATGTTATAATCTG	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : AATGTTAT-A-AT- TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : AATGTTATAATCTG TrMDHa9 : TrMDHa10 : AATGTTATAATCTG TrMDHa11 : AATGTTAT	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 : TrMDHa3 : TrMDHa4 : TrMDHa5 : AATGTTAT-A-AT- TrMDHa6 : TrMDHa7 : TrMDHa8 : AATGTTATAATCTG TrMDHa9 : TrMDHa10 : AATGTTATAATCTG TrMDHa11 : AATGTTAT	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 :	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 :	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 :	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 :	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 :	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 :	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 :	3G	*		*		: - : 599 : - : 594
TrMDHa2 :	3G	*		*		: - : 599 : - : 594

		* 20	^	40	*	60		
TrMDHb1	:	TTCTCCCNNAATCNNGAAANC-NCGC-A	ACA-CA	-ACA-C-TAA-A	CTACT-A-	-C-T-C	:	47
TrMDHb2	:	TTCTCNCANAATCNNGAAANC-CCGC-A	A-AA	-ACA-C-TAA-A	CTACT-A-	-C-T-C	:	45
TrMDHb3	:	GNNACCACAA-CACA-		-NCA-C-TAA-C		-CTC	:	37
TrMDHb4	:			-ACA-C-TCAC-		-C-T-C	:	32
TrMDHb5	:	GCNCAN	ACATAA	CACAACA CT A A A	CCT-NA-CT	NCTC	:	35
TrMDHb6	:	GCAA-/	ACA-CA	-ACA-C-TAA-C	CT-NACT-N-	-CTC	:	27
TrMDHb7	:	T T T -/	ACG-TA	-ACC-C-TAN-A	CTCCACT - N	-C-TTC	:	28
TrMDHb8	:		C-NA	-CCACC-TAAC-		-C-TNC	:	25
TrMDHb9	:				CACT-A	-C-T N C	:	16
TrMDHb10	:			CA <mark>N</mark> CA CT A A A	CCTA-CT	-C NC AC	:	21
TrMDHb11	:			CAAACA-CA	CCT-AACCT	AC - TNC	:	21
TrMDHb12	:		-	05 V V 77 T	1TD-AT-DDD		:	22
TrMDHb13	:				CCTNACTCN	-C-T-C	:	18
TrMDHb14	:			<u>G-</u> TCA-1		3.46	:	14
TrMDHb15	:				TTO-MN-TTO		:	20
TrMDHb16	:				ACNTAAAACTI		:	20
TrMDHb17	:				CNTAACCCT		:	18
TrMDHb18	:				C <mark>N</mark> T-AACCTI	0.3	:	16
TrMDHb19	:				GTANCCT	-CACTC	:	12
TrMDHb20	:				G CA-1 1-	-CTC	:	7
TrMDHb21	:		-		· 	TCAC	:	4
TrMDHb22	:		-			TC	:	2
TrMDHb23	:						:	-
TrMDHb24	:						:	-
TrMDHb25	:						:	-
TrMDHb26	:						:	-
TrMDHb27	:						:	-
TrMDHb28	:					-	:	-
TrMDHb29	:						:	_
TrMDHb30	:			-		-	:	-
TrMDHb31	:						:	-
TrMDHb32	:			- 				_

FIGURE 10

71/138

		*	80	*	100	*	120		
TrMDHb1	:	TCTAA AC	AAACTGTTCTTCCT	CTCTTAATCT'	TCCCTGTT T GA	ATTCCTTCC	AGTTCT	:	104
TrMDHb2	:	TCTAAAC	AAACTGTTCTTCCT	CTCTTAATCT	TCCCTGTT T GA	ATTCCTTCC	AGTTCT	:	102
TrMDHb3	:	TNAAACA	AAACTGTTCTTCC <mark>A</mark>	CTCTTAATCT'	TCCCTGTTCG <i>i</i>	ATTCCTTC T	ATTTCT	:	94
TrMDHb4	:		ANGCTATTCTTCAT				TTTCT	:	91
TrMDHb5	:	TCT-N-AA-N	AAACTGTTCTTCCT	CTCTTAATCT'	TCCCTGTT T GA	ATTCCTTCC-	GTTCT	:	91
TrMDHb6	:	TCTNAAC	AAACTATTCTTCAT	CTCTTAATCT'	TC G C G GTTCG <i>I</i>	ATTCCTTCC	GGTCT	:	84
TrMDHb7	:	TNNAACA	AAACT A TTCTT NA T	CTCTTAATCT'	TC G C G GTTCG <i>I</i>	ATTCCTTCC	TTTCT	:	85
TrMDHb8	:	TCT-NNAACA	AAACTATTCTTCAT	CTCTTAATCT	TC G C G GTTCG <i>I</i>	ATTCCTTCC	TTTTCT	:	84
TrMDHb9	:	TCNAACA	AAACTGTTCTTCC-(CTCTTAATCT	TCCCTGTTCG	ATTCCTTC T	ATTTCT	:	72
TrMDHb10	:	TCTCA-AAC-A	AAACTGNTCTTCCT	CTCTTAA <mark>-</mark> CT'	TCCCTGTTCG	ATTCCTTCC	TTCT	:	78
TrMDHb11	:		AAACTGTTCTTCCT(:	80
TrMDHb12	:	TCTCT-NAAC	AAACTGTTCTTCCT	CTCTTNATCT	TCCCTGTTCGA	ATTCCTTCC	TTCT	:	81
TrMDHb13	:	TCT-N-AAAN	AAACTATTCTT-AT	CTCTTÄATCT'	TC G C G GTTCG <i>I</i>	ATTCCTTCC	TTTCT	:	75
TrMDHb14	:	TNCAANAA	AAACTGTTCTTCC <mark>A</mark>	CTCTTAATCT	TCCCTGTTCG <i>I</i>	ATTCCTTC T	TTTCT	:	71
TrMDHb15	:	TCTCT-AA AC A	AAACTGTTCTTCCT	CTCTTAATCT	TCCCTGTTCGA	ATTCCTTCC.	TTCT	:	79
TrMDHb16	:	TCTCTNAAC-A	AAACTGTTCTTCCT	CTCTTNATCT	TCCCTGTT T GA	ATTCCTTCC-	GTTCT	:	78
TrMDHb17	:	TCT-CAAACAA	AAACTGTTCTTC <mark>-</mark> C	CTCTTÄATCT	TCCCTGTTCG <i>F</i>	ATTCCTTCT.	TTTCT	:	76
TrMDHb18	:	TCTCTCAAC-A	AAACTGTTCTTCCT	CTCTTAATCT'	TCCCTGTT T GA	TTCCTTCC-	-GTTCT	:	74
TrMDHb19	:	TCT-NNAACA	AAACTGTTCTTC <mark>-</mark> C	CTCTTAATCT'	TCCCTGTTCG <i>I</i>	ATTCCTTCT.	TTTCT	:	70
TrMDHb20	:	TNAAACA	AAACTGTTCTT <mark>-</mark> C <mark>N</mark> (CTCTTAATCT	TCCCTGTTCGA	ATTCCTTCT?	ATTTCT	:	63
TrMDHb21	:	CCTCTNAACAA	AAACTGTTCTTCCT	CCTTNATCT	TCCCTGTT T GA	TTCCTTCC-	GTTCT	:	63
TrMDHb22	:		AAACTGTTCTTC <mark>-C</mark>					:	59
TrMDHb23	:	CAZ	AAACTG <mark>C</mark> TCTTCCT(CTCTTNATCT	TCCCTGTTCGA	TTCCTTCC-	CTTCT	:	51
TrMDHb24	:		AAACTGTTCTTCCT(:	49
TrMDHb25	:		GNNTTCTTCCT					:	46
TrMDHb26	:		·GTTCTTC-C					:	44
TrMDHb27	:				TCCCTGTT T GA			:	39
TrMDHb28	:		·					:	_
TrMDHb29	:		·	- 	- 	- 	-	:	_
TrMDHb30	:							:	_
TrMDHb31	:		·					:	_
TrMDHb32			·						

FIGURE 10 (cont.) 72/138

		* 140 * 160 * 180		
TrMDHb1	:	${\tt TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	164
TrMDHb2	:	${\tt TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	162
TrMDHb3	:	$\verb TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGG \textbf{C} CAAATTGGT $:	154
TrMDHb4	:	$ exttt{TCA}$ CAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTCCTCGTTACTGGTGCTGCAGGCCAAATTGGT	:	151
TrMDHb5	:	${\tt TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	151
TrMDHb6	:	$ exttt{TCA}$ CAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTCCTCGT $ exttt{T}$ ACTGGTGCTGCAGGCCAAATTGGT	:	144
TrMDHb7	:	$\texttt{TCA} \textcolor{red}{\textbf{GC}} \texttt{AATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTCCTCGTT} \texttt{ACTGGTGCTGCAGGCCAAATTGGT}$:	145
TrMDHb8	:	$\mathtt{TCA}_{\mathbf{GC}}$ AATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGT $_{\mathbf{C}}$ CTCGT $_{\mathbf{T}}$ ACTGGTGCTGCAGG $_{\mathbf{C}}$ CAAATTGGT	:	144
TrMDHb9	:	$ exttt{TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGCCAAATTGGT}$:	132
TrMDHb10	:	TCAAAAATGGCCNAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCNGGGCAAATTGGT	:	138
TrMDHb11	:	${\tt TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	140
TrMDHb12	:	${\tt TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	141
TrMDHb13	:	$ exttt{TCA} oldsymbol{G} oldsymbol{G} exttt{C} exttt{ACT} oldsymbol{G} exttt{GCT} oldsymbol{G} exttt{CCT} oldsy$:	135
TrMDHb14	:	$ exttt{TCAAAAATGGCCAAAN}$ ACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGG $ exttt{C}$ CAAATTGGT	:	131
TrMDHb15	:	${\tt TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	139
TrMDHb16	:	${\tt TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	138
TrMDHb17	:	$ exttt{TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGG}$:	136
TrMDHb18	:	${\tt TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	134
TrMDHb19	:	$ exttt{TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGG} \hat{ exttt{C}} exttt{CAAAATTGGT}$:	130
TrMDHb20	:	$ exttt{TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGG}{ exttt{CCAAATTGGT}}$:	123
TrMDHb21	:	${ t TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	123
TrMDHb22	:	$ exttt{TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGG}{ exttt{C}CAAATTGGT}$:	119
TrMDHb23	:	${f T-NAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	110
TrMDHb24	:	${ t TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	109
TrMDHb25	:	${ t TCAAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT}$:	106
TrMDHb26	:	${ t T-NAAAATGGCCAAAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGCCAAATTGGT}$:	103
TrMDHb27	:	TC-AAAATGGCC-AAGACCCAGTTCGTGTTCTCGTCACTGGTGCTGCAGGGCAAATTGGT	:	97
TrMDHb28	:		:	_
TrMDHb29	:		:	_
TrMDHb30	:		:	-
TrMDHb31	:		:	-
TrMDHb32				_

200 220 TrMDHb1 TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC 224 TrMDHb2 TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC 222 TrMDHb3 TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC TrMDHb4 : 211 TrMDHb5 ${ t TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC}$ · 211 TrMDHb6 TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC ${ t TATGCACTTGTCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC}$ TrMDHb7 : 205 TrMDHb8 TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC TrMDHb9 TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC TrMDHb10 : 198 TrMDHb11: ${ t TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC}$ 200 TrMDHb12: TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC 201 TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC TrMDHb13: 195 TrMDHb14: ${ t TATGCAC}{ t TTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCT}{ t GATCAACCTGTGATC}$ TrMDHb15 : 199 TrMDHb16 ${ t TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC}$: 198 TrMDHb17: TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC 196 $\mathtt{TATGCACTTGT}$ CCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC TrMDHb18: : 194 TrMDHb19: : 190 TrMDHb20: TrMDHb21 TrMDHb22: TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC : 179 TrMDHb23: 170 TrMDHb24 : TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC 169 TrMDHb25 : ${ t TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC}$: 166 $\mathtt{TAT} \overset{\bullet}{\mathsf{A}} \mathtt{CACTTGTCCCT} \mathtt{ATGATTGCTAGGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC}$ TrMDHb26: : 163 TrMDHb27: TATGCACTTGTCCCTATGATTGCTAGGGGAGTGATGCTTGGTCCTGATCAACCTGTGATC : 157 GGGGAGTGATGCTTGGTCCTGAT-NACCTGTGATC TrMDHb28 · -TrMDHb29 : -TrMDHb30 : -TrMDHb31 : -

FIGURE 10 (cont.) 74/138

			*	260	*	280	*	300		
TrMDHb1	:	CTACACAT	GCTTGATA'	TTCC A CC C GCAGC	CAGAGTCAT	TTGAATGGAGTT	AAGATGGA	GATG	:	284
TrMDHb2	:	CTACACAT(GCTTGATA'	TTCC <u>A</u> CC <u>C</u> GCAGC	AGAGTCAT	TTGAATGGAGTT	AAGATGGA	GTTG	:	282
TrMDHb3	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	TCCCTCCAGCAGC	CAGAGTCAT	TGAATGGAGTT	AA A ATGGA	GTTG	:	274
TrMDHb4	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	TCCCTCCAGCAGC	CAGAGTCAT	TGAATGGAGTT	AA A ATGGA	GTTG	:	271
TrMDHb5	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	TTCCTCCAGCAGC	CAGAGTCAT	TTGAATGGAGTT	AAGATGGA	GTTG	:	271
TrMDHb6	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	T C CCTCCAGCAGC	AGAGNCAT	TGAATGGAGTT	aa a atgga	GTTG	:	264
TrMDHb7	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	TCCCTCCAGCAGC	CAGAGTCAT	TTGAATGGAGTT	AA A ATGGA	GTTG	:	265
TrMDHb8	:			TCCCTCCAGCAGC					:	264
TrMDHb9	:	CTTGACAT(GCTTGATA'	TT G CT <mark>G</mark> CAG N AGN	agagt n at	TTGAATGGAG C T	AA A ATGGA	GCTG	:	252
TrMDHb10	:	CTACACAT	GCTTGATA'	TTCCACC C GCAGC	CAGAGTCAT	TTGAATGGAGTT	AAGATGGA	GTTG	:	258
TrMDHb11	:			TTCCTCCAGCAGC					:	260
TrMDHb12	:	CTACACAT(GCTTGATA'	TTCCACC C GCAGC	CAGAGTCAT	TGAATGGAGTT	AAGATGGA	GTTG	:	261
TrMDHb13	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	TCCCTCCAGCAGC	AGAGTCAT	TTGAATGGAGTT	AA A ATGGA	GTTG	:	255
TrMDHb14	:			TTCCTCCAGCAGC			B 15		:	251
TrMDHb15	:			TTCC A CC C GCAGC					-	259
TrMDHb16	:	\$6.49		TTCCACC C GCAGC						258
TrMDHb17	:			TTCCTCCAGCAGC			600-0		:	256
TrMDHb18	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	TTCCTCCAGCAGC	AGAGTCAT	TTGAATGGAGTT	AAGATGGA	GTTG	:	254
TrMDHb19	:			TTCCTCCAGCAGC					:	250
TrMDHb20	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	TTCCTCCAGCAGC	AGAGTCAT	TGAATGGAGTT	AA A ATGGA	GTTG	:	243
TrMDHb21	:	CTTCACAT	GCTTGATA'	TTCCTCCAGCAGC	AGAGTCAT	TGAATGGAGTT	AAGATGGA	GTTG	:	243
TrMDHb22	:			TTCCTCCAGCAGC					:	239
TrMDHb23	:			TTCC A CC C GCAGC					:	230
TrMDHb24	:			TTCCACC C GCAGC					:	229
TrMDHb25	:			TTCCTACAGCAGC					:	226
TrMDHb26	:			TTCCTCCAGCAGC					:	223
TrMDHb27	:	CTTCACAT(GCTTGATA'	TTCTTCCAGCAGC	AGAGTCAT	TGAATGGAGTT	AAGATGGA	GTTG	:	217
TrMDHb28	:	CTT-NCAT	GCTTGATA'	TCCTCCAGCAGC	AGAGTCAT	TGAATGGAGTT	AA A ATGGA	GTTG	:	93
TrMDHb29	:			TTCCT <mark>N</mark> C <mark>N</mark> GCAGC	NGAGT-NT	TGAATGGAG-T	AAGATGGA	GTTG	:	45
TrMDHb30	:		TA	TTCCT-C C GCAGC	AGAGT- N T	TGAATGGAG-T	AAGATGGA	GTTG	:	43
TrMDHb31	:								:	-
TrMDHb32	:		- 			. 			•	_

FIGURE 10 (cont.) 75/138

320 340 360 TrMDHb1 : 323 TrMDHb2 GTCGATGCTGCATTTCCACTTGTTAAAGGTG<mark>N</mark>TG<mark>A</mark>TGNTACAACTGATG<mark>A</mark>TG<mark>G</mark>NGA<mark>C</mark>GNA : 342 TrMDHb3 GT**G**GATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA : 334 TrMDHb4 $\mathtt{GT}_{oldsymbol{G}}^{oldsymbol{G}}\mathtt{GATGCTGCATTTTCTTGAAGGCA}$: 331 TrMDHb5 ${ t GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA<math>{ t G}$ GCA : 331 TrMDHb6 $\mathtt{GT}oldsymbol{G}\mathtt{GATGCTGCACTTCTTAAAGG}oldsymbol{G}\mathtt{GTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA}$: 324 TrMDHb7 $\mathtt{G}^{\mathbf{C}\mathbf{G}}$ GATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGG \mathbf{C} GTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA : 325 TrMDHb8 $\mathtt{GT} extbf{G}\mathtt{GATGCTGCATTTCTTAAAGG} extbf{C}\mathtt{GTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA}$: 324 TrMDHb9 **CCG**GATGCTGNATTNNAACTTCTTACAGGCG<mark>CC</mark>GCCGCTACCACTGATG<mark>C</mark>TG**C**CAACCA : 312 TrMDHb10: GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA**G**GCA : 318 TrMDHb11 : GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA**G**GC 320 TrMDHb12 : GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA<mark>G</mark>GCA 321 TrMDHb13 : GTĞGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGCGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA : 315 TrMDHb14 : GT**G**GATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA TrMDHb15 : 319 TrMDHb16 GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA**G**GCA : 318 TrMDHb17 : $\mathtt{GT}^{oldsymbol{G}}_{oldsymbol{G}}\mathtt{GATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA$ 316 TrMDHb18 : GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA<mark>G</mark>GCA 314 TrMDHb19 : GTĞGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA : 310 TrMDHb20 : $\mathtt{GT}_{\mathbf{G}}^{\mathbf{G}}\mathtt{GATGCTATTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA$: 303 TrMDHb21 : GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA**G**GCA 303 TrMDHb22: GTĞGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA 299 TrMDHb23: GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA**G**GCA 290 TrMDHb24: GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA**G**GCA 289 TrMDHb25 : 286 TrMDHb26: GT@GATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA 283 TrMDHb27 : GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA<mark>G</mark>GCA : 277 $\mathtt{GT}_{\mathbf{G}}^{\mathbf{G}}\mathtt{GTGCATTTCCACTTCTTAAAGG}^{\mathbf{CA}}\mathtt{TTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGAAGCA}$ TrMDHb28: : 153 TrMDHb29 : GTCGATGCTGCATTTCCACTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA $oldsymbol{ ilde{G}}$ GCA : 105 $\mathtt{GTCGATGCTGCATTTCC}$ $\mathtt{CTTCTTAAAGGTGTTGTTGCTACAACTGATGTTGTTGA}$ \mathtt{G} \mathtt{GCA} TrMDHb30 : : 102 TrMDHb31 :

* 400 380 TrMDHb1 : --TrMDHb2 : TNNNCTGG---TrmDhb3 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 394 TrMDHb4 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 391
TrMDHb5 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 391
TrMDHb6 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 384 TrmdHb7 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 385 TrmDHb8 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAAGAAGGTATGGAG TrmDHb9 : TGCCCTGCA-CCCATATNCCNN------: 333 TrmDHb10: TGCACTGGAGTCAATATCGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGATATGGAN : 378 TrMDHb11: TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 380 TrmDHb12: TGCACTGGAGTCAATATCGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG . 381 TrMDHb13: TGCACTGGAGTCATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG TrmDHb14 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG TrMDHb15 : TGCACTGGAGTCAATATCGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG
TrMDHb16 : TGCACTGGAGTCAATATCGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 378 TrmDHb17 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 376 TrmDhb18: TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 374 TYMDHb19: TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGATATGGAG TYMDHb21: TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 363 TYMDHb22: TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGATATGGAG 359 TrmDHb23 : TGCACTGGAGTCAATATGGCAGTCATGGTTGGTTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 350 TrmDHb25 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 346 TrmDHb26: TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 343 TrmDHb27 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 337 TrmDHb28 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 213 TrmDHb29 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAGAAGGTATGGAG : 165 TrmDHb30 : TGCACTGGAGTCAATATTGCAGTCATGGTTGGTGGATTCCCAAGAAAAAGAAGGTATGGAG : 162 TrMDHb31 : -----TrMDHb32 : -----

FIGURE 10 (cont.) 77/138

440 460 480 TrMDHb1 TrMDHb2 TrMDHb3 Δ GGAAGGATGTGATG $oldsymbol{A}$ CTAAGAA $oldsymbol{T}$ GTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA TrMDHb4 $\mathtt{AGGAAGGATGTGATGACTAAGAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA}$ TrMDHb5 AGGAAGGATGTGATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA TrMDHb6 $\mathtt{AGGAAGGATGTGATGACTAAGAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA}$ TrMDHb7 $\mathtt{AGGAAGGATGTGATGACTAAGAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCAGCCCTTGAA}$ 445 TrMDHb8 $\mathtt{AGGAAGGATGTGATGACTAAGAA}$ 444 TrMDHb9 ${f GGAAGGATGT}$ ATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCA ${f A}$ GCTTCTGC TrMDHb10 : 438 TrMDHb11 : ${f AGGAAGGATGTGATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA}$ TrMDHb12: $\mathtt{AGGAAGGATGTT}$ ATGTCT AAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAAGCTTCTGCCCTTGAA 441 TrMDHb13 : AGGAAGGATGTGATGACTAAGAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA 435 TrMDHb14 : AGGAAGGATGTGATGACTAANAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA : 431 TrMDHb15 : ${ t AGGAAGGATGT}$ TATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCA ${ t AGCT}$ TCTGCCCTTGAA : 439 AGGAAGGATGTTATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAAGCTTCTGCCCTTGAA TrMDHb16: : 438 TrMDHb17 : AGGAAGGATGTGATGACTAAGAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA TrmDHb18 : AGGAAGGATGTGATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA : 434 TrMDHb19 : AGGAAGGATGTGATGACTAAGAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA : 430 TrMDHb20: AGGAAGGATGTGATGACTAAGANTGTCTCTATTTACAANANNNAGNCTTNTGNCCTTGAA ${ t AGGAAGGATGTGATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA}$ TrMDHb21 : : 423 TrMDHb22 : AGGAAGGATGTGATGACTAAGAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA . 419 AGGAAGGATGTTATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCA<mark>A</mark>GCTTCTGCCCTTGAA TrMDHb23 : 410 TrMDHb24 : AGGAAGGATGTTATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAAGCTTCTGCCCTTGAA 409 TrMDHb25 : AGGAAGGATGTGATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA : 406 TrMDHb26: AGGAAGGATGTGATG<mark>Ã</mark>CTAAGAA<mark>ÍÍ</mark>GTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA : 403 TrMDHb27: AGGAAGGATGTGATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA : 397 TrMDHb28 : AGGAAGGATGTGATGACTAAGAATGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA 273 TrMDHb29: 225 TrMDHb30 : AGGAAGGATGTGATGTCTAAGAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA 222 TrMDHb31 : NNGNANGNNGTGATGTCTAANAACGTCTCTATTTACAAGTCCCAGGCTTCTGCCCTTGAA TrMDHb32 :

FIGURE 10 (cont.) 78/138

FIGURE 10 (cont.) 79/138

560 * 580 TrMDHb1 : -----TrMDHb2 : TrMDHb3 : $\verb|TTGATCTTGAAGGAG| TTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTC| \textbf{AGC}| TTTGACTAGA|$ TrmDHb4 : TTGATCTTGAAGGAGTTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCAGCTTTGACTAGA TrMDHb5 : TTGATCTTGNAGGAATCNGCT-----TrmDHb6 : TTGATCTTGAAGGAGTTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCAGCTTTGACTAGA TrMDHb7 : TTGATCTTGAAGGAGTTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAACATTTCAGCTTTGACTAGA : 565
TrMDHb8 : TTGATCTTGAAGGAGTTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAACATTTCAGCTTTGACTAGA : 564
TrMDHb9 : ${ t TGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTT{ t M}{ t GACTAGA}$ TrMDHb10 : ${\tt TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA}$ TrMDHb11 : : 559 TrmDHb12 : TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA 561 555 TrMDHb14 : $\mathtt{TTGATCTT}_{\mathtt{GAAGGA}\mathtt{ATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGAC}$ TrMDHb15 : TrMDHb16 : $\mathtt{TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA$ TrmDHb17 : TTGATCTTGAAGGAGTTTGCTCCATCTATTCCAGANAAAAACATTTCANCTTTG TrMDHb18: TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA 553 TrmDHb19 : TTGATCTTGAAGGAGTTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCAGCTTTGACTAGA 550 TrMDHb20: TrmDHb21 : TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGAC : 543 ${\tt TrMDHb22} \ : \ {\tt TTGATCTTGAAGGAGTTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTC \hbox{\bf AGC} {\tt TTGACTAGA} \\$ 539 TrmDHb23 : TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA 530 ${\tt TrMDHb24} : {\tt TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA}$ 529 TrmDHb25 : TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA : 526 TrmDHb26: TTGATCTTGAAGGAGTTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTCAGCTTTGACTAGA : 523 ${\tt TrMDHb27} : {\tt TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA}$: 517 TrmDHb28 : TTGATCTTGAAGGAĞTTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCAGĞTTTGACTAGA TrmDHb29 : TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA : 345 TrMDHb30 : TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA : 342 TrMDHb31 : TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA : 184 TrMDHb32 : TTGATCTTGAAGGAATTTGCTCCATCTATTCCAGAGAAAACATTTCTTGTTTGACTAGA : 184

FIGURE 10 (cont.) 80/138

			*	620	*	640	* (660	
TrMDHb1	:							:	-
TrMDHb2	:				- 			:	-
TrMDHb3	:	CTTGATC	ACAA					:	585
TrMDHb4	:	CTTGATC	ACAACAGG(GCATTGG				:	593
TrMDHb5	:							:	_
TrMDHb6	:	CTTGATC	AC					:	573
TrMDHb7	:	CTTGATC	ACAACAGGG	GCATTGGGCCAAA'	TTTCTGAA	AG		:	603
TrMDHb8	:	CTTGATC	ACAACAGGG	GCATTGGGCCAAA'	TTTCT			:	597
TrMDHb9	:							:	_
TrMDHb10	:	CTTGATC	AC 	- 	- 		-	:	567
TrMDHb11	:	CTTGATC.	AC C					:	569
TrMDHb12	:	CTTGATC.	ACAACAGGG	GCATTGGGCCAAA	PTT			:	592
TrMDHb13	:	CTTGATC.	ACAACAGGG	GCATTGGGCCAAA'	rt	 -		:	585
TrMDHb14	:			- 		-		:	_
TrMDHb15	:	CTTGATC.	ACAACAG					:	573
TrMDHb16	:	CTTGATC.	ACAACAGGG	GCATTGGGCCAAA'	PTTCTGAA!	AGATTGAAT		:	603
TrMDHb17	:							:	-
TrMDHb18	:	CTTGATC.	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAA'	rttctgaa <i>i</i>	AG		:	591
TrMDHb19	:	CTTGATC.	ACAACAGGG	CATTG		-		:	571
TrMDHb20	:							:	_
TrMDHb21	:	CTTGATC.	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAA	PTTCTGAAZ	AGATTG		:	585
TrMDHb22	:	CTTGATC	ACAACAGGG	SCATTGGGCCAAA1	TTTCTGAA#	AGATTGAATATT	CAAGTTTCTO	AT :	599
TrMDHb23	:	CTTGATC	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAAT	PTTCTGAA#	(G		:	568
TrMDHb24	:	CTTGATC	ACAACAGGG	GCATTGGGCCAAAT	f	-		:	558
TrMDHb25	:	CCTGATC.	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAAT	TTCTGAAA	GATTGAATGTT	CAAGTTTCTC	AT :	586
TrMDHb26	:	CTTGATC	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAA1	TTCTGAAA	GATTGAATATT	CAAGTTTCTG	AT :	583
TrMDHb27	:	CTTGATC	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAA1	TTTCTGAAA	GATTGAATGTT	CAAGTTTC	· :	573
TrMDHb28	:	CTTGATC	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAAT	TTCTGAAA	GATTGAATATT	CAAGTTTCTC	ТА:	453
TrMDHb29	:	CTTGATC	ACAACAGGG	CATTG N GCCAAA1	TTTCTGAAA	GATTGAATGT C	CAAGTTTCTC	ΑТ .	405
TrMDHb30	:	CTTGATC	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAA1	TTCTGAAA	GATTGAATGTC	CAAGTTTCTC	ТА:	402
TrMDHb31	:	CTTGATC	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAA1	TTTCTGAAA	GATTGAATGTT	CAAGTTTCTC	· TA	244
TrMDHb32	:	CTTGATC	ACAACAGGG	CATTGGGCCAAAT	TTCTGAAA	GATTGAATGTT	CAAGTTTCTG	AT :	244

FIGURE 10 (cont.) 81/138

		* 680	*	700	*	720	
TrMDHb1	:				 -		
TrMDHb2	:						: -
TrMDHb3	:						•
$\mathtt{TrMDHb4}$:						
TrMDHb5	:						•
TrMDHb6	:						•
TrMDHb7	:						
TrMDHb8	:						
TrMDHb9	:						
TrMDHb10	:						• -
TrMDHb11	:					·	
TrMDHb12	:					 -	
TrMDHb13	:					·	
TrMDHb14	:						• -
TrMDHb15	:					-	
TrMDHb16	:					 - :	
TrMDHb17	:					 - :	
TrMDHb18	:					- :	
TrMDHb19	:						
TrMDHb20	:						_
TrMDHb21	:					:	_
TrMDHb22	:	GTAAAGAATGT					: 610
TrMDHb23	:					·	. 010
TrMDHb24	:					:	
TrMDHb25	:	GTAAAGAATGTCATTATCTGGGGT.	AATCATTCAT	CAACTCAGTAT	CCTGATGTCA	ACCAT .	646
TrMDHb26	:						
TrMDHb27	:					- :	
TrMDHb28	:	GTAAAGAATGTCATTATCTGGGGT.	AATCATTCATC	CAACTCAGTAT	CCTGATCTCA	ACCAT .	513
TrMDHb29	:	GTAAAGAATGTCATTATCTGG N GT.	AATCATTCAT	CAACTCAGCAT	CCTGATGTCA	ACCAT :	465
TrMDHb30	:	GTAAAGAATGTCATTATCTGGGGT.	AATCATTCATC	CAACTCAGTA1	CCTGATGICA	ACCAT :	462
TrMDHb31	:	GTAAAGAATGTCATTATCTGGGGT.	AATCATTCAT(CAACTCAGTAI	CCTGATGTCA	ACCAT :	304
TrMDHb32	:	GTAAAGAATGTCATTATCTGGGGT	A A T C A T T C A T C	TA ACTCAGIAT	CCTGATGICA	ACCAD :	304
			TIP CITI I CAI	STERCT CAGIAL	AJIBIRDIO	ACCAL:	J ↓ 4

FIGURE 10 (cont.) 82/138

		^ /40 ^ /60 * /80	
TrMDHb1	:		: -
TrMDHb2	:		: -
TrMDHb3	:		: -
TrMDHb4	:		: -
TrMDHb5	:		: -
TrMDHb6	:		: -
TrMDHb7	:		: -
TrMDHb8	:		: -
TrMDHb9	:		: -
TrMDHb10	:		: -
TrMDHb11	:		: -
TrMDHb12	:		: -
TrMDHb13	:		: -
TrMDHb14	:		: -
TrMDHb15	:		: -
TrMDHb16	:		: -
TrMDHb17	:		: -
TrMDHb18	:		: -
TrMDHb19	:		: -
TrMDHb20	:		: -
TrMDHb21	:		: -
TrMDHb22	:		
TrMDHb23	:		
TrMDHb24	:		
TrMDHb25	:	GCAACTGTTAACACCCCCGCTGGGGAGAAGCCTGTCCGTGAGCTTGTTTCTGATGACGCC	: 706
TrMDHb26	:		
TrMDHb27	:		• _
TrMDHb28	:	GCAACTGTTAACACCCCCGCGGGGAGAAGCCTGTCCGTGA A CTTGTTT	· : 562
TrMDHb29	:	GCAACTGTTAACACCCNCGCTGNNGAGAAGCCTGNCCGTGAGCTNGTTTC	: 515
TrMDHb30	:	GCAACTGTTAACACCCCCGCTGGGGAGAAGCCTGTCCGTGAGCTTGTTTCTGATGACGCC	· 522
TrMDHb31	:	GCAACTGTTAACACCCCCGCTGGGGAGAAGCCTGTCCGTGAGCTTGTTTCTGATGACGCC	. 322 : 364
TrMDHb32	:	GCAACTGTTAACACCCCCGCTGGGGAGAAGCCTGTCCGTGAGCTTGTTTCTGATGACGCC	. 364 : 364

FIGURE 10 (cont.) 83/138

		* 800		*	820	*	840	
TrMDHb1	:		·		· 	- 		: -
TrMDHb2	:					-		
TrMDHb3	:							
TrMDHb4	:			·	·	. -		
TrMDHb5	:					·		
TrMDHb6	:							
TrMDHb7	:				·			· · -
TrMDHb8	:						_	•
TrMDHb9	:							
TrMDHb10	:				·			· · –
TrMDHb11	:							
TrMDHb12	:							· · -
TrMDHb13	:							· · -
TrMDHb14	:							
TrMDHb15	:							
TrMDHb16	:							• _
TrMDHb17	:							
TrMDHb18	:							
TrMDHb19	:						-	
TrMDHb20	:						:	_
TrMDHb21	:						:	
TrMDHb22	:							_
TrMDHb23	:						. .	
TrMDHb24	:						- :	· · _
TrMDHb25	:	TGGTTGAATGGAGAATTCATA	TCTACCGT	TCAACAAC	GTGGTGCTG		:	· 752
TrMDHb26	:							, /52
TrMDHb27	:							. –
TrMDHb28	:							_
TrMDHb29	:						:	_
TrMDHb30	:	TGGTTGAATGGAGAATTCATA	TCTACCGT	TCAACAAC	GTGGTGCTGCAA	ጥጥ እ ጥጥ እ እርረ	COT	582
TrMDHb31	:	TGGTTGAATGGAGAATTCATA	TCTACCGT'	TCAACAAC	GTGGTGCTGCAA GTGGTGCTGCAA	TTATTAAG(3C1 :	424
TrMDHb32	:	TGGTTGAATGGAGAATTCATA'	TCTACCGT'	TCAACAAC	GTGGTGCTG CAA GTGGTGCTGCAA	TTATTAAG(TTATTAAG(:Ст :	424

FIGURE 10 (cont.) 84/138

		^ 860 ^ 880 *	900		
TrMDHb1	:			:	_
TrMDHb2	:			:	-
TrMDHb3	:			:	_
TrMDHb4	:		-	:	_
TrMDHb5	:			:	_
TrMDHb6	:			:	_
TrMDHb7	:			:	_
TrMDHb8	:			•	_
TrMDHb9	:			:	_
TrMDHb10	:			:	_
TrMDHb11	:			:	_
TrMDHb12	:			:	_
TrMDHb13	:			:	_
TrMDHb14	:			•	_
TrMDHb15	:			:	_
TrMDHb16	:			÷	_
TrMDHb17	:				_
TrMDHb18	:				_
TrMDHb19	:				_
TrMDHb20	:				_
TrMDHb21	:			÷	_
TrMDHb22	:			÷	_
TrMDHb23	:		-	Ċ	_
TrMDHb24	:				_
TrMDHb25	:			:	_
TrMDHb26	:			:	_
TrMDHb27	:			:	_
TrMDHb28	:			:	_
TrMDHb29	:			:	_
TrMDHb30	:	AGAAAGCTTTCAAGTG		:	598
TrMDHb31	:	AGAAAGCTTTCAAGCGCACTATCCGCTGCTAGCGCTGCTTGCGACCACATTCG	CATTCC	:	484
TrMDHb32	:	AGAAAGCTTTCAAGCGCACTATCCGCTGCTAGCGCTGCTTGCGACCACATTCGC	CGATTGG	:	484

FIGURE 10 (cont.) 85/138

		* 92	0	*	940	*	960	
TrMDHb1	:					- 		: -
TrMDHb2	:					·		: -
TrMDHb3	:							: -
TrMDHb4	:							: -
TrMDHb5	:			-				: -
TrMDHb6	:			-				: -
TrMDHb7	:					·	- 	: -
TrMDHb8	:							: -
TrMDHb9	:						-	: -
TrMDHb10	:							: -
TrMDHb11	:			- 				: -
TrMDHb12	:			-				: -
TrMDHb13	:							: -
TrMDHb14	:							: -
TrMDHb15	:							: -
TrMDHb16	:						:	: -
TrMDHb17	:						:	: -
TrMDHb18	:						:	: -
TrMDHb19	:		-	-	- 		;	: -
TrMDHb20	:						:	: -
TrMDHb21	:						;	: -
TrMDHb22	:						:	: -
TrMDHb23	:						:	: -
TrMDHb24	:			-			:	: -
TrMDHb25	:						 ;	: -
TrMDHb26	:				- 		:	: -
TrMDHb27	:			-		-	:	: -
TrMDHb28	:			-	-		:	
TrMDHb29	:			-	- 			-
TrMDHb30	:						;	
TrMDHb31	:	GTTCTTGGAACTCCCCAGG	GCACCTTCGTT	TTCAATGG	GAGTGTATTCTG	ATGGTTCT	rac :	544
TrMDHb32	:	GTTCTTGGAACTCCCCAGG	GCACCTTCGTT	TCAATGG	GAGTGTATTCTG	ATGGTTCT:	ГАС	544

FIGURE 10 (cont.) 86/138

		* 980	*	1000	*	1020
TrMDHb1	:					:
TrMDHb2	:					:
TrMDHb3	:		- 			- :
$\mathtt{TrMDHb4}$:					:
TrMDHb5	:				- 	:
TrMDHb6	:		- 			:
TrMDHb7	:		-			:
TrMDHb8	:					:
TrMDHb9	:					:
TrMDHb10	:					:
TrMDHb11	:					:
TrMDHb12	:		-			:
TrMDHb13	:					
TrMDHb14	:		-			
TrMDHb15	:					
TrMDHb16	:		- 			:
TrMDHb17	:		-			- - :
TrMDHb18	:					:
TrMDHb19	:					
TrMDHb20	:					:
TrMDHb21	:		- -		-	:
TrMDHb22	:		-			- :
TrMDHb23	:					:
TrMDHb24	:		-			:
TrMDHb25	:		 -			:
TrMDHb26	:		-			:
TrMDHb27	:					
TrMDHb28	:					_
TrMDHb29	:					:
TrMDHb30	:					:
TrMDHb31	:	AACGTACCAGCTGGACTCATCT?	ATT ATT CO	TTGTCACCACTGCTA	ATCCCCAA	: IGGAA- : 60
TrMDHb32	:	AACGTACCAGCTGGACTCATCT	ATTCATTCC	TTGTCACCACTGCTA	ATGGGGAA	TGGAAA : 60

FIGURE 10 (cont.) 87/138

		* 1	040	*	1060	*	1080		
TrMDHb1	:				·	- 		:	_
TrMDHb2	:			- 		- 		:	
TrMDHb3	:			-				:	_
$\mathtt{TrMDHb4}$:				·			:	_
TrMDHb5	:				·			:	-
TrMDHb6	:				·	- -		:	_
TrMDHb7	:				·			:	-
TrMDHb8	:					- -		:	_
TrMDHb9	:				· 		-	:	_
TrMDHb10	:				·			:	-
TrMDHb11	:					- 		:	_
TrMDHb12	:		-		·		-	:	_
TrMDHb13	:					 -	·	:	_
TrMDHb14	:					- -		:	_
TrMDHb15	:							:	_
TrMDHb16	:					- -		:	_
TrMDHb17	:						-	:	_
TrMDHb18	:			-				:	_
TrMDHb19	:						- -	:	-
TrMDHb20	:		-					:	_
TrMDHb21	:							:	_
TrMDHb22	:							:	_
TrMDHb23	:					- 		:	_
TrMDHb24	:							:	_
TrMDHb25	:					- 	-	:	_
TrMDHb26	:			- 		- 		:	_
TrMDHb27	:					- 		:	_
TrMDHb28	:			-		- 		:	_
TrMDHb29	:		- 					:	_
TrMDHb30	:							:	_
TrMDHb31	:							:	_
TrMDHb32	:	ATTGTTCAAGGACTTTC	AATTGACGAGTT	CTCAAGG	AAGAAGTTGGACT	TGACAGO	TGAA	:	664

FIGURE 10 (cont.) 88/138

1100 TrMDHb1 : ----- : TrMDHb2 : ----- : TrMDHb3 : ----- :
TrMDHb4 : ----- :
TrMDHb5 : ---- : TrMDHb6 : -----:: TrMDHb7 : ---- : TrMDHb8 : ----- : TrMDHb9 TrMDHb10 : -----TrMDHb11 : ---- : TrMDHb12 : ---- : TrMDHb13 : ----- : TrMDHb14 : ----- : TrMDHb15 : ----- : TrMDHb16 : ---- : TrMDHb17 : ----- : TrMDHb18 : ---- : TrMDHb19 : ---- : TrMDHb20 : ---- : TrMDHb21 : ---- : TrMDHb22 : ---- : TrMDHb23 : ----- : TrMDHb24 : ----- : TrMDHb25 : ----- : TrMDHb26 : ---- : TrMDHb27 : ---- : TrMDHb28 : ----- : TrMDHb29 : ----- : TrMDHb30 : ----- : TrMDHb31 : ----- : TrMDHb32 : GAGTTATCCGAGGAAAAGAGTTTGGCATACT : 695

FIGURE 10 (cont.) 89/138

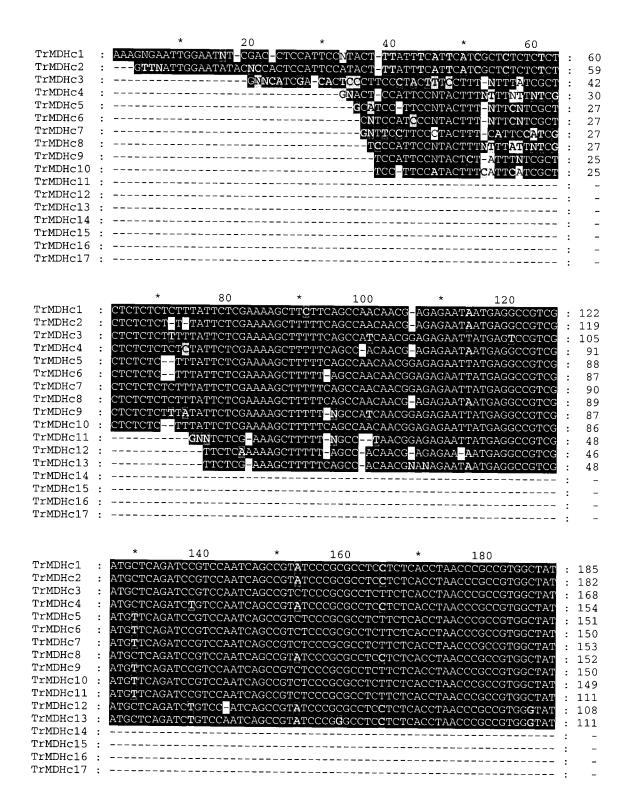


FIGURE 11 90/138

200 * 220 * 240

```
TrMDHc1
TrMDHc2
           {	t GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGT}{	t GCTGCCGGCGGGGATCGGACAG}
                                                                           . 245
TrMDHc3
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGCGCTGCCGGCGGGATCGGCCAG
                                                                           : 231
TrMDHc4
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGTGCTGCCGGCGGGATCGGACAG
                                                                             217
TrMDHc5
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGCGCTGCCGGCGGGATCGGCCAG
                                                                            214
TrMDHc6
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGCGCTGCCGGCGGGATCGGCCAG
                                                                           · 213
TrMDHc7
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGCGCTGCCGGCGGGATCGGCCAG
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCA<mark>G</mark>GGTGGCCATTCTCGGTGCTGCTGGCGGGATCGG<u>A</u>CAG
TrMDHc8
                                                                           : 215
TrMDHc9
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGCGCTGCCGGCGGGATCGGCCAG
                                                                           : 213
TrMDHc10 :
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGNGGCCATTCTCGGCGCTGCCGGCGGGATCGGCCAG
                                                                             212
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGCGCTGCCGGCGGGATCGGCCAG
TrMDHc11:
                                                                            174
TrMDHc12 :
           GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGTGGCCATTCTCGGCGCTGCTGGCGGGATCGGCCAG
                                                                           : 171
TrMDHc13 :
           {	t GCTACCGAACCAGTTCCAGAACGCAAGGN} {	t GGCCATTCTCGGTGCTGCCGGCGGGATCGGACAG}
TrMDHc14:
TrMDHc15 :
TrMDHc16 :
TrMDHc17 · -----
                260
                                    280
                                                        300
TrMDHc1
            CTCTCTCTCTCTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT
                                                                            311
TrMDHc2 :
            <u>CTC</u>TCTCTCTTCTCATGAAGC<u>T</u>CAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT
                                                                            308
TrMDHc3
           {\tt CCTCTCTCTCTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT}
                                                                            294
TrMDHc4
           {\tt CCTCTCTCTCTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT}
                                                                           : 280
           \mathtt{CCTCTCTCT}
TrMDHc5
                                                                           : 277
TrMDHc6
           CCTCTCTCTCTCTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT
                                                                           . 276
TrMDHc7
           CCTCTCTCTCTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT
TrMDHc8
           {\tt CCTCTCTCTCTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT}
                                                                           : 278
TrMDHc9
           CCTCTCTCTCTCTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT
                                                                           : 276
TrMDHc10 :
            CTCTCTCTCTTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT
                                                                           : 275
TrMDHc11:
            CTCTCTCTCTCTCATGAAGCTCAACCCTCTCGTTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT
                                                                           : 237
           {\tt CCTCTCTCTCTCATG}{\tt AAGCTCAATCCTCTCG}{\tt TTTCAACCCTATCTCTTTATGATATTGCT}
TrMDHc12 :
                                                                           : 234
TrMDHc13 :
          {\tt CCTCTCTCT}
TrMDHc14 :
TrMDHc15
TrMDHc16 :
             320
                                340
TrMDHc1
           GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAC
                                                                          : 374
TrMDHc2
          {\tt GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT}
                                                                           : 371
TrMDHc3
          {\tt GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT}
                                                                           : 357
          GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT
TrMDHc4
                                                                           : 343
TrMDHc5
          GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT
                                                                           : 340
TrMDHc6
           {\sf GGAACCCCT}_{\sf GGTGTCGCCGCTG} {\sf ATGTCA}_{\sf GCCACATCAACTC} {\sf CAGATCTGAGGTAACTGGGTAT}
                                                                           : 339
           GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT
TrMDHc7
                                                                           : 342
TrMDHc8
          : 341
           TrMDHc9
                                                                          : 339
TrMDHc10 :
          GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT
                                                                           : 338
TrMDHc11:
          {\tt GGAACCCCT}_{\tt GGTGTCGCCGCT}_{\tt GATGTCA}_{\tt GCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT}
                                                                          : 300
           GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT
TrMDHc12 :
                                                                          : 297
TrMDHc13 :
          GGAACCCCTGGTGTCGCCGCTGATGTCAGCCACATCAACTCCAGATCTGAGGTAACTGGGTAT
                                                                           . 300
              GNGTGTCGCCGCTGNNGTCAGCCACATCAACTCCANANCTGA GTAACTGGGTAT
TrMDHc14 :
                                                                             54
TrMDHc15 :
                      -----GNTGATGT-NGCC-CAT-AACTCC-GATCTGAGGTAACTGGGTAT
                                                                             41
TrMDHc16 : --
TrMDHc17:
```

FIGURE 11 (cont.) 91/138

	80 *	400	ı	400		
TrMDHc1 :	GCAGGTGAAGAAG	400 ACCTTCGAAAACC	* 'ምጥጥርር እርርርጥር	420	* 440	T: 437
TrMDHc2	GCAGGTGAAGAAGA	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTGG	CTCATCTTCTTA	TAATTCCTGCTGG TAATTCCTCCTGC	T : 434
TrMDHc3	GCAGGTGAAGAAGA	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTG	TGATGTTGTTA	TAATTCCTGCTGG TAATTCCTGC C GG	T : 420
TrMDHc4 :	GCAGGTGAAGAAGA	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTG	TGATGTTGTTA	TAATTCCTGCTGG TAATTCCTGCTGG	T: 406
TrMDHc5 :	GCAGGTGAAGAAG	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTGG	TGATGTTGTTA	TAATTCCTGC C GG	T: 403
TrMDHc6:	GCAGGTGAAGAAG	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTGC	ТСАТСТТСТТА	TAATTCCTGC C GG	T: 402
TrMDHc7:	GCAGGTGAAGAAGA	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTG	TGATGTTGTTA	TAATTCCTGC C GG	T: 405
TrMDHc8 :	GCAGGTGAAGAAG	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTG	TGATGTTGTTA	TAATTCCTGCTGG	1 : 404
TrMDHc9 :	GCAGGTGAAGAAG	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTG	CTGATGTTGTTA	TAATTCCTGC C GG	T : 402
TrMDHc10 :	GCAGGTGAAGAAGA	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTG	CTGATGTTGTTA	TAATTCCTGC C GG	T : 401
TrMDHc11 :		AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTGC	CTGATGTTGTTA	TAATTCCTGC C GG	r : 363
TrMDHc12 :	GCAGGTGAAGAAG	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTGC	CTGATGTTGTTA	TAATTCCTGCTGG	T : 360
TrMDHc13 :	GCAGGTGAAGAAGA	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTGC	TGATGTTGTTA	TAATTCCTGCTGG	T: 363
TrMDHc14 :	GCAGGTGAAGAAGA	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTGC	TGATGTTGTTA	PAATTCCTGCTGG	1 : 117
TrMDHc15 :	GCAGGTGAAGAAGA	AGCTTGGAAAAGC	TTTGGAGGGTG	TGATGTTGTTA	FAATTCCTGCTGG	1 : 104
TrMDHc16 :				-		- : -
TrMDHc17 :						- : -
	*	460	* 48		500	_
TrMDHc1 :	GTGCCCAGAAAGCC	CTGGAATGACTCG	TGATGATCTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	s : 500
TrMDHc2 :	GTGCCCAGAAAGCC	CTGGAATGACTCG	TGATGATCTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	: 4 97
TrMDHc3 :	GTGCCCAGAAAGCC	CTGGAATGACTCG	TGATGATCTTT	TAATATTAA T G	CTGGCATTGTCAA	G: 483
TrMDHc4 :	GTGCCCAGAAAGCC	CTGGAATGACTCG	TGATGATCTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	G: 469
TrMDHc5 :	GTGCCCAGAAAGCC	TGGAATGACTCG	TGATGATCTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	G : 466
TrMDHc6:	GTGCCCAGAAAGCC	TGGAATGACTCG	TGATGATCTTTI	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	G: 465
TrMDHc7:	GTGCCCAGAAAGCC	TGGAATGACTCG	TGATGATCTTTI	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	G: 468
TrMDHc8 :	GTGCCCAGAAAGCC	TGGAATGACTCG	TGATGATCTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	G: 467
TrMDHc10:	GTGCCCAGAAAGCC	TGGAATGACTCG	TGATGATCTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGT T AA	: 465
TrMDHc10 :	GTGCCCAGAAAGCC	TGGAATGACTCG	TGATGATCTTT	'CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	6 : 464
TrMDHc11:	GTGCCCAGAAAGCC		TGATGATCTTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	: 426
TrMDHc13:	GTGCCCAGAAAGCC		TGATGATCTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	: 423
TrMDHc14:	GTGCCCAGAAAGCC GTGCCCAGAAAGCC	TIGGAATGACTCG	TGATGATCTTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	3 : 426
TrMDHc15 :	GTGCCCAGAAAGCC	TIGGAATGACTCG	TGATGATCTTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	G: 180
TrMDHc16:	O TOCCCAGAAAGCC	JUNEAU TONCTO	TGATGATCTTT	CAATATTAACG	CTGGCATTGTCAA	: 167
TrMDHc17:				·		- : -
						-: -
		ž20 *	540	*	560	
TrMDHc1 :	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATG			- : 537
TrMDHc2 :	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	GATAAGCAACCC	: 560
TrMDHc3 :	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	GATAAGCAACCC	: 546
TrMDHc4:	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	rgataagcaaccc	• 532
TrMDHc5 :	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	GATAAGCAACCC'	. 529
TrMDHc6:	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	"GATAAGCAACCC"	. 528
TrMDHc7:	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	GATAAGCAACCC'	: 531
TrMDHc8 :	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	GATAAGCAACCC'	: 530
TrMDHc9 :	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	GATAAGCAACCC	: 528
TrMDHc10 :	TCACTTGCCACTG	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACA	GATAAGCAACCC	: 527
TrMDHc11:		TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACAT	GATAAGCAACCC:	: 489
TrMDHc12:	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACAT	GATAAGCAACCC	: 486
TrMDHc13:	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACAT	GATAAGCAACCC	. 489
TrMDHc14:	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCATGC	CCTTGTTAACAT	GATAAGCAACCC	: 243
TrMDHc15 :	TCACTTGCCACTGC	TATTTCTAAGTA	CTGCCCCCATGC	CCTTGTTAACAT	GATAAGCAACCC	: 230
TrMDHc16:					TTG	: 3
TrMDHc17 :						

FIGURE 11 (cont.) 92/138

	*	580	*	600	*	620	*	
TrMDHc1	:							: -
TrMDHc2		CCACCGTTCC			AAGAAGGC	AGGG		: 608
TrMDHc3		rccaccgttcc(: 575
TrMDHc4		PCCACCGTTCC(: 563
TrMDHc5	: GTGAACT	PCCACCGTTCCC	CATTGCTGCA	GAGGTTTTC	AAGAAGGC	AGGGACATAT-		: 583
TrMDHc6	: GTGAACT	PCCACCGTTCCC	CATTGCTGCA	GAGGTTTTC	AAGAAGGC	AGGGACATATO	GACGAGAAG	: 591
TrMDHc7		CCACCGTTCC		GAGGTTTTC	AAGAAGGC	AGGGACATATO	GACGAGAAG	: 594
TrMDHc8 TrMDHc9		CCACCGTTCCC						: 556
TrMDHc10	: GTGAACT	CCACCGTTCC	CATTGCTGCA	GAGGTTTTC	AAGAAGGC	AGGGACATATO	GACGAGAAG	: 591
TrMDHc10	: GTGAACI	CCACCGTTCC(CCACCGTTCC(ATTGCTGNA	GAGGTTTTC.	AAGAAGGCI	NGGGACATAT(BACNAGAAN	: 590
TrMDHc12	· GTGAACT	CCACCGTTCCC	ATTGCTGCA TATTGCTGCA	GAGGIIIIC. GACCTTTTTC	AAGAAGGC	AGGGACATATC	BACGAGAAG	: 552 : 549
TrMDHc13	: GTGAACT	CCACCGTTCC	'ATTGCTGCA	NAGGTTTTC.	AAGAAGGCA AAGAAGGCA	AGGGACATATO AGGGACATATO	CACNACAAC	: 552
TrMDHc14	: GTGAACT	CCACCGTTCC	CATTGCTGCA	GAGGTTTTC	AAGAAGGC	AGGGACATATO AGGGACATATO	BACNAGAAG	: 306
TrMDHc15	: GTGAACT	CCACCGTTCCC	CATTGCTGCA	GAGGTTTTC.	AAGAAGGC	AGGGACATATO	GACGAGAAG	: 293
TrMDHc16	:							: -
TrMDHc17	:							: -
		640	*	C C O		600		
TrMDHc1		040		660	*	680	*	
TrMDHc2								: -
TrMDHc3	:	·						: -
TrMDHc4	: 		·					: -
TrMDHc5	:						-	: -
TrMDHc6	: AGATTGT							: 598
TrMDHc7	: AGATTGT	TTGGGGTTACA	ACCCTTGAT	GTAGTCAGG	GC G AAAACT	TTTATGCCC	GGAAAGCT	: 657
TrMDHc8	:							: -
TrMDHc9	: AGATTGT	TTGGGGTTACA	ACCCTTGAT	GTAGTCAGG	GC G AAAACT	TTCTATGCCG	GGAAAGCT	: 654
TrMDHc10	: AAATTGT	'TTGGGGTT-CA	ACCCTTGATO	GTAGTCAGG(G G AAAACT	TTTTTTGCCC	GGAAAGCT	: 652
TrMDHc11		TTGGGGTTACA				·		: 577
TrMDHc12	: AGATTGT	TTGGGGTTACA	ACCCTTGAT	GTAGTCAGG	GCAAAAACT			: 594
TrMDHc13	: AGATTGT	TTGGGGTTACA	ACCCTTGAT(GTAG <u>N</u> CAGG(GCAAAAACT	TT T TATGC T G	GGAAAGCT	: 615
TrMDHc14	AGATTGT	TTGGGGTTACA	ACCCTTGATO	TAGTCAGG	GCAAAAACI	TTCTATGC T G	GGAAAGCT	: 369
TrMDHc15	AGATTGT	'TTGGGGTTACA	ACCCTTGATO	GTAGTCAGG(GCAAAAACT	TTCTATGC T G	GGAAAGCT	: 356
TrMDHc17	·							: -
TITIDITET /								: -
	700	*	720	1	* 7	40	*	
TrMDHc1 :	:							: -
TrMDHc2 :	:							: -
	:							: -
TrMDHc4 :								: -
TrMDHc6 :	·							: -
TrMDHc7	AAAGTTC	CAGTTGCCGAG	CTCAATCTAC	COCOODO	2020002	00200200		: -
TrMDHc8		CAGTTGCCGAG			JGAGGCCA'I	GCAGGAGTTA	CTATTNTT	: 720
TrMDHc9	AAAGTTC	CAGTTGCCGAG	GTCA ATCTAC					: -
TrMDHc10	AAAGTTC	CAGTTGCCGNG	GENAATGNNO	СТСТТЙТТ	GAGGCC-T	GC-NGAG-TIM	CTATT-NT	: 682 : 711
TrMDHc11 :								. / 1 1
TrMDHc12:	 -							
TrMDHc13:	AAAGTTC	CAGTTGCCGAG	G N CAATG C AC	CTGTTATAC	GAGGCCAT	GCAGGAGTTA	CTATTCTN	: 678
TrMDHc14:	AAAGTTC	CAGTTGCCGAG	GTCAATGT <u>A</u> C	CTGTTATAC	GAGGCCAT	GCAGGAGTTA	СТАТТСТС	: 432
TrMDHc15 :	AAAGTTC	CAGTTGCCGAG	GTCAATGT <mark>A</mark> C	CTGTTATAC	GAGGCCAT	GCAGGAGTTA	СТАТТСТС	: 419
TrMDHc16 :	: 							: -
TrMDHc17 :								: -

FIGURE 11 (cont.) 93/138

	760	*	700			.		0.0
TrMDHc1 :			780	•	800)	*	82
TrMDHc2	·						- 	: -
TrMDHc3	·				·	 -	·	: -
TrMDHc4	 _				·	·		: -
TrMDHc5	· ·					· 	· 	: -
TrMDHc6 :	·					· 	- 	: -
TrMDHc7	ССАТТАТТ	TTNTAAGG-A	ACACCTNIA	ACCCA ATA	TGGNTGATGA	A A CCCTON	IACCNIMOM?	AACG : 782
TrMDHc8			MCACCINA	MUCCAMI	IIGGKIGAIGA	MACCCIII	AGGNIIIA	: ACG : /62
TrMDHc9	· ·							: -
TrMDHc10	CC C TT T TT	TTTTAGG-C	ANNCCT-N	ANCCANT-	TNGGNGATNA	AA CCTTA	ACCCMMM	-ACG : 769
TrMDHc11 :					INCONCATA	AA CCIIA	ACCELLI-	-ACG : 769
TrMDHc12								-
TrMDHc13 :	CCATTATT'	TTNTNAGGCA	ACACCTNA	AGCCAATA	TGGGTGA N GA	TNCCCTTZ	ACCMTTT	AACG : 741
TrMDHc14 :	CCATTATT	TTCTCAGGCA	ACACCTCA	AGCCAATC	TGGATGATGA	TPOOPIATE	AGGCTCT	AACG : 495
TrMDHc15 :	CCATTATT	TT C TCAGGCA	ACACCTCA	AGCCAATC	TGGATGATGA	TACCATT?	AGGCTCT	AACG: 482
TrMDHc16:								:
TrMDHc17 :				- 			. 	· · -
								•
	0	*	840	*	860	*	88	30
TrMDHc1 :								: -
TrMDHc2 :								: -
TrMDHc3 :								- : -
TrMDHc4 :								: -
TrMDHc5 :								: -
TrMDHc6 :				<u></u> -				: -
TrMDHc7 :	GNANGG G CI	VCAAGATGG G	ggaac n ga	A-TTGNGA	.CCGCCAAGG C	W		: 827
TrMDHc8 :								: -
TrMDHc9 :								: -
TrMDHc10 :	GG-NNGGCI	NCAA A ANG-G	GGAACA A A	A-NTINGA	G			: 801
TrMDHc11:					-			: -
TrMDHc12 :								<u></u> : -
TrMDHc13 :	GNANGGAC	CAANANGGA	GGAACANA	A NTTN NGA	CC C CCA N GG	TGG-AAGG	GTTNT-NN	NACT : 801
TrMDHc14 :	GCAAGGACA	ACAAGATGGA	GGAACAGA	AGTTG T GA	CCGCCAAGGC	TGGAAAGG	GTTCTGCA	AACT : 558
TrMDHc15 : TrMDHc16 :	GCAAGGACA	ACAAGATGGA	GGAACAGA	AGTTG T GA	CCGCCAAGGC	TGGAAAGG	GTTCTGCA	ACT : 545
TrMDHc16:								· : -
IIMDhCI/:								: -
	*	900		*	920	*	940	
TrMDHc1 :							J#U	
TrMDHc2 :								
TrMDHc3 :			- 					
TrMDHc4 :								
TrMDHc5 :								
TrMDHc6 :								
TrMDHc7 :								
TrMDHc8 :								
TrMDHc9 :								: _
TrMDHc10 :		·						
TrMDHc11 :				-				
TrMDHc12 :								•
TrMDHc13 :	TT-NNAATO	GN		--				: 811
TrMDHc14:			GGAGCCAT	ATTTGCTG	ATGCT T GCCT	CAAACCTC	тса атсса	GTT : 621
TrMDHc15 :		GCT						: 557
TrMDHc16:			- 	СТС	NTGCTNGCCT	MANGGNO	ТСА АТССА	GTT : 34
TrMDHc17 :							GNGN	
								• /

FIGURE 11 (cont.) 94/138

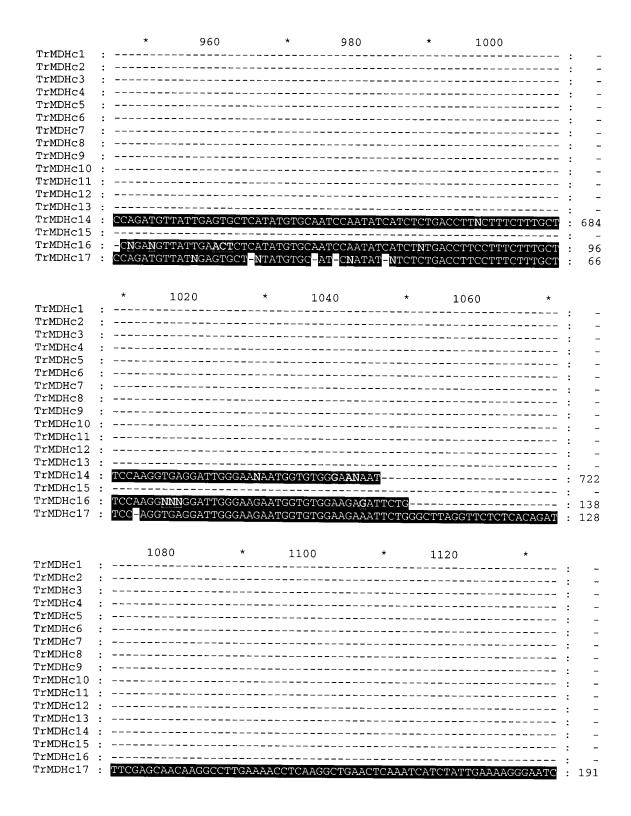


FIGURE 11 (cont.) 95/138

	1140	*	1160	*	1180		* 1	
TrMDHc1 :								: -
TrMDHc2 :								: -
TrMDHc3 :								: -
TrMDHc4 :			· 					: -
TrMDHc5 :			· 					: -
$\mathtt{TrMDHc6}$:			·					: -
TrMDHc7 :			·					: -
TrMDHc8 :								: -
TrMDHc9 :					-			: -
TrMDHc10 :			-					: -
TrMDHc11 :								: -
TrMDHc12 :								: -
TrMDHc13 :								: -
TrMDHc14 :								: -
TrMDHc15 :			· -					: -
TrMDHc16:	7 7 7 DDDDCCC	00001001100		3 6 3 6 3 6 6 6 6				: -
TrMDHc17 :	AAATTTGCC.	CCCAGTAATC	GAACATGTC	ATACATTA	CTGGATTTTT	CCAT"I"FAG	AACCAGAT	: 254
	200	* 1	.220	*	1240	*	1260	
TrMDHc1 :								: -
TrMDHc2 :								: -
TrMDHc3 :						-		: -
$\mathtt{TrMDHc4}$:								: -
TrMDHc5 :								: -
TrMDHc6 :								: -
TrMDHc7 :		·						: -
TrMDHc8 :								: -
TrMDHc9 :								: -
TrMDHc10 :								: -
TrMDHc11 :								: -
TrMDHc12:								: -
TrMDHc13 :		· 						: -
TrMDHc14:								: -
TrMDHc15 :								: -
TrMDHc16:								: -
TrMDHc17 :	CAAAT TTTGC	CAAATTCAGAA	CAATTGTTT	GTAATGTT(GCCGGTAGGT	ATACCCCT	AGATTTAA	: 317
	*	1280	1	* 13	300	*	1320	
TrMDHc1 :								: -
TrMDHc2 :		· -			-			: -
TrMDHc3 :					-	 -		: -
TrMDHc4 :		· 			- 			: -
TrMDHc5 :				-				: -
TrMDHc6 :								: -
TrMDHc7:								: -
TrMDHc8 :								: -
TrMDHc9 :								: -
TrMDHc10:								
TrMDHc11 :				-				: -
TrMDHc12 :		· 						
TrMDHc13 :								: -
TrMDHc14:								: -
TrMDHc15:		·						: -
TrMDHc16:					<u></u>			: -
TrMDHc17:	TAAGTAAATO	TGCGAGAGCA	GTTTATTGC'	TGCAGGGA	CTGAAATTAA	AACCAGTT'	TTAGGTTG	: 380

FIGURE 11 (cont.) 96/138

		*	1340	*	1360	*	1380	
TrMDHc1	:							- :
TrMDHc2	:							- :
TrMDHc3	:		. 					- :
TrMDHc4	:	-	. 					- :
TrMDHc5	:		- 					· :
TrMDHc6	:							· :
TrMDHc7	:		· 	- -				· :
TrMDHc8	:		. 	- -				- :
TrMDHc9	:						- 	. :
TrMDHc10	:							. <u>:</u>
TrMDHc11	:			 -		. .	- 	. :
TrMDHc12	:			- -				. :
TrMDHc13	:				- 			. :
TrMDHc14	:			. -			- 	. :
TrMDHc15	:		· 					. •
TrMDHc16	:				- 		- 	
TrMDHc17	:	GCCTTTCCAT	TCGTAATGGCCC	TTCATTGT	TGCATGNTTTC	ATATAATGC	AATTGAAGGGTGN	. 44
			1400					
TrMDHc1	:		1400	-: -	•			
TrMDHc1 TrMDHc2	:		1400	· : -				
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3	: : :		1400	· : -				
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4	: : : :		1400	· ; - · · · · · · · · · · · · · · · · ·				
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		1400	· : - · : - · : - · : -				
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6	: : : : : :		1400	- :				
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		1400	· :				
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		1400					
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8 TrMDHc9	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		1400					
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8 TrMDHc9 TrMDHc10	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		1400					
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8 TrMDHc9 TrMDHc10 TrMDHc11	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		1400					
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8 TrMDHc9 TrMDHc10 TrMDHc11	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		1400					
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8 TrMDHc9 TrMDHc10 TrMDHc11 TrMDHc11 TrMDHc12 TrMDHc13	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		1400					
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8 TrMDHc9 TrMDHc10 TrMDHc11 TrMDHc11 TrMDHc12 TrMDHc13 TrMDHc14			1400					
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8 TrMDHc9 TrMDHc10 TrMDHc11 TrMDHc11 TrMDHc12 TrMDHc13 TrMDHc14 TrMDHc14			1400					
TrMDHc1 TrMDHc2 TrMDHc3 TrMDHc4 TrMDHc5 TrMDHc6 TrMDHc7 TrMDHc8 TrMDHc9 TrMDHc10 TrMDHc11 TrMDHc11 TrMDHc12 TrMDHc13 TrMDHc13		*	1400	- :				

FIGURE 11 (cont.) 97/138

		*	20	*	40	*	60		
TrMDHd1 TrMDHd2 TrMDHd3		GCGGAGATT	NNAACCCATTT	CCTCTTAA	ATCTCTCTNAAC ATCTCTCTC <mark>-</mark> AC ATCTCTC-CCAC	TTCTCTTT	CCATT	:	60 58 52
		*	80	*	100	*	120		
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	CCCATTA	ACCATTCAT	TCCCAGAGGTCG	AGATGGCA	GCATCAGCAGCA GCATCAGCAGCA GCATCAGCAGCA	GCTACTTT	ГАСТА	:	120 118 112
		*	140	*	160	*	180		
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	TTGGAA	CTGCCCAAA	.CAGGGAGGCCAC	TTCCTCAA	TCAAACCCTTTT TCAAACCCTTTT TCAAACCCTTTT	GGTTTGAA	AGTCA	: :	180 178 172
		*	200	*	220	*	240		
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	ATTCCC	AGGTTAATT	TTAAGACCTTCT	CTGGTCTC	AAGGCCATGTCA AAGGCCATGTCA AAGGCCATGTC G	TCTCTAAGA	ATGCG		240 238 232
		*	260	*	280	*	300		
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	AGTCTGA	AATCATCTT	TCTTTGGCAACG	AAACTAGT	GCTGCTCTGCGT GCTGCTCTGCGT GCTGCTCTGCGT	GCAACTTTT	rgcac		300 298 292
		*	320	*	340	*	360		
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	CCAAAGC	CTCAAAAGG	AAAACCAAAACA	TCAACCGC	AATTTGCATCCT AATTTGCATCCT AATTTGCA G CCT	CAGGCATCO	CTACA	:	360 358 352
		*	380	*	400	*	420		
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	AAGTGGC	CGGTTCTTG	GTGCTGCAGGAG	GAATTGGT	CAGCCACTGGCA CAGCCACTGGCA CAGCCACT T GCA	CTTCTCATI	'AAGA	:	420 418 412
		*	440	*	460	*	480		
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	TGTCGCC	TTTGGTTT	CCGACCTGCATC	TTTATGAT	ATCGCGAATGTT. ATCGCGAATGTT. AT T GCGAATGTT.	AAGGGAGTT	GCTG GCTG	:	480 478 472
		*	500	*	520	*	540		
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	CTGATAT	CAGTCATT	GCAACACTCCTT GCAACACTCCTT	CAAAGGTT'	TTGGATTTCACA TTGGATTTCACA TTGGATTTCACA	GTGCTTCT	GAGT GAGT	:	540 538 532
		*	560	*	580	*			
TrMDHd1 : TrMDHd2 : TrMDHd3 :	TGGCAAA	TTGTTTG- TTGTTTGA	AAGGTGTGGATG	TAGTTGTT.	ATACCTGCTGGT	TTCCCAG	:	55 59	3
rrmina);	THOCHAN	TIGITIGA	AAGG IGIGGAIG	ragriigiii.	ATACCTGCTGGT	otticc <u>t</u> aga	AA :	59	U

FIGURE 12

98/138

		* 20 * 40 * 60	
TrMDHe1	:	TTNTNTTTATTTTATGTTTTTTNCCTCCTACATATAACTCTTNACTTNGCATACACTCTG	: 60
TrMDHe2	:	GNG	: 3
TrMDHe3	:		3
TrMDHe4	:		
TrMDHe5	:		
TrMDHe6	:		
TrMDHe7	:		
TrMDHe8	:		
TrMDHe9	:		
TrMDHe10	÷		_
TITELICIO	٠		_
		* 80 * 100 * 120	
TrMDHe1	:	TCTCT-AATTATTAGTCCTTCGAAATGGAAGCACATGCAGCTGCTACCAATCAGAGG	119
TrMDHe2	•	TCTCTCAATTATTAGTCCTTAGAAATGGAAGCACATGCAGCTGGTGCCAATCAGAGG	
TrMDHe3	:	TCTCTCAATTATTATTAGTCCTTAGAAATGGAAGCCCATGCAGCTGGAGCCAATCAGAGG	63
TrMDHe4	:		63
TrMDHe5	:	GNAGTCCTTANAAATGGAAGCACATGCAGCTGGAGCCAATCAGAGG	44
	:	GAGAAATGGAAGCACATGCAGCTGGAGCCAATCAGAGG:	38
TrMDHe6	:	CCANTGCAGCTGCCANTNNGAGG:	26
TrMDHe7	:		-
TrMDHe8	:	:	-
TrMDHe9	:		_
TrMDHe10	:		_
m>m1		* 140 * 160 * 180	
TrMDHe1	:	${\tt ATTGCAAGAATCTCTGCTCATCTTCA} {\tt GCCTCCAAATTTCCAGGAAGGAGGTGATGTTGCA}:$	179
TrMDHe2	:	ATTGCAAGAATCTCTGCTCATCTTCAACCTCCAAATTTCCAGGAAGGA	123
TrMDHe3	:	ATTGCAAGAATCTCTGCTCATCTTCAACCTCCAAATTTCCAGGAAGGA	123
TrMDHe4	:	$\mathtt{ATTGCAAGAATCTCTGCTCATCTTC}$	103
TrMDHe5	:	ATTGCAAGAATCTCTGCTCATCTTCAACCTCCAAATTTCCAGGAAGGA	98
TrMDHe6	:	ATTGC-AGAATCTCTGCTCATCTT-NACCTCC-AATTTCCAGGAAGGAGGTGATGTTGCA:	83
TrMDHe7	:	:	_
TrMDHe8	:		~
TrMDHe9	:		_
TrMDHe10	:		_
		·	
		* 200 * 220 * 240	
TrMDHe1	:	ATTAGCAAAGCTAACTGCAGAGCAAAAGGTGGGGGCGCGGGATTCAAAGTAGCAATCTTG:	239
TrMDHe2	:	ATTAGCAAAGCTAACTGCAGAGCAAAAGGTGGGGGCGCCGGGATTCAAAGTAGCAATCTTG:	183
TrMDHe3	:	ATTAGCAAAGCTAACTGCAGAGCGAAAAGCTGGGGCGCCGGGATTCAAAGTAGCAATCTTG:	183
TrMDHe4	:	ATTAGCAAAGCTAACTGCAGAGCAAAAGGTGGGGCGCCGGGATTCAAAGTAGCAATCTTG:	163
TrMDHe5	:	ATTAGCAAAGCTAACTGCAGAGCAAAAGGTGGGGCGCCGGGATTCAAAGTAGCAATCTTG:	158
TrMDHe6	;	ATTAGCAAAGCTAACTGCAGAGCAAAAGGTGGGGCGCCGGGATTCAAAGTAGCAATCTTG:	
TrMDHe7	:	: TIMOCITICO TAMO TOCAGACAAAGO TOGGGCGCCGGGATTCAAAGTAGCAATCTTG	143
TrMDHe8	:		-
TrMDHe9	:		_
TrMDHe9	•		-
TIMDUGIO	:		_

FIGURE 13 99/138

			*	260	*	280	*	300	
TrMDHe1	:	GGGGCTGC	TGGTGGA	ATTGGTCAAT	CCCTTTCTT	TGCTGTTGAAG	GATCAATCCAT	TGCTT	: 299
TrMDHe2	:						GATCAATCCAT		: 243
TrMDHe3	:						SATCAATCCAT:		: 243
TrMDHe4	:						CATCAATCCAT		: 223
TrMDHe5	:						ATCAATCCAT		: 218
TrMDHe6	:						GATCAATCCATT		203
TrMDHe7	:								: -
TrMDHe8	:								-
TrMDHe9	:							;	_
TrMDHe10	:								
			*	320	*	340	*	36	50
TrMDHe1	:	TCAGTTCT	TCATCTT	TATGATGTTG	TCAACACTC	CTGGTGTCACT	GCTGATGTTAG	TCAC :	359
TrMDHe2	:						GCTGATGTTAC		303
TrMDHe3	:	TCAGTTCT	TCATCTT	TATGATGTTG	TCAACACTC	CTGGTGTCACT	GCTGATGTTAC	TCAC	303
TrMDHe4	:	TC G GTTCT	TCATCTT	TATGATGTTG	TCAACACTC	CTGGTGTCACT	GCTGATGTTAG	TCAC :	
TrMDHe5	:	TCGGTTCT	TCATCTT	TATGATGTTG	TCAACACTC	CTGGTGTCACT	GCTGATGTTAC	TCAC :	278
TrMDHe6	:	TCÄGTTCT	TCATCTT	TATGATGTTG	TCAACACTC	CTGGTGTCACT	GCTGATGTTAC	TCAC	263
TrMDHe7	:								-
TrMDHe8	:							;	-
TrMDHe9	:				-		· •		
TrMDHe10	:								
								-	
			*	380	*	400	*	42	20
TrMDHe1	:	ATTGACAC	CGGTGCT	GTGGTTCGTG	GCTTTCTAG		CTTGAGAATG		
TrMDHe2	:	ATTGACAC	CGGTGCT	GTGGTTCGTG	GCTTTCTAG:	GGCAGGCACAZ	CTTGAGAATG	ACTT :	
TrMDHe3	:	ATTGATAC	CGGTGCT	GTGGTTCGTG	GCTTTCTAG	GGCAGGCACA	CTTGAGAATG	CACTT	
TrMDHe4	:	ATTGAČAC	CGGTGCT	GTGGTTCGTG	GCTTTCTAG	GGCAGGCACAZ	CTTGAGAATG	'ДСТТ	343
TrMDHe5	:	ATTGACAC	CGGTGCT	GTGGTTCGTG	GCTTTCTAG	GGCAGGCACAZ	CTTGAGAATG	CACTT :	
TrMDHe6	:	ATTGACAC	CGGTGCT	GTGGTTCGTG	GCTTTCTAG	GGCAGGCACAA	CTTGAGAATGC	'ACTT .	323
TrMDHe7	:						CTTGAAAATGO		22
TrMDHe8	:						CTIONANTO		. 42
TrMDHe9	:								_
TrMDHe10	:								
								•	
			*	440	*	460	*	48	ł۸
TrMDHe1	:	ACAGGCAT	GGACTTG	GTCGTTATAC	CTGCTGGTG	TGCCGAGGAAA	CCTGGAATGAC	'AACC .	479
TrMDHe2	:	ACAGGCAT	GGACTTG	GTCGTTATAC	CTGCTGGTG'	TGCCGAGGAAA	CCTGGAATGAC	'AACC	423
TrMDHe3	:	ACAGGCAT	GGACTTG	GTCGTTATAC	CTGCTGGTG'	TGCCGAGGAAA	CCTGGAATGAC	'AACC	423
TrMDHe4	:	ACAGGCAT	GGACTTG	GCCGTTATAC	CTGCTGGTG	TGCCGAGGAAA	CCTGGAATGAC	'AAGG	403
TrMDHe5	:	ACAGGCAT	GGACTTG	GTCGTTATAC	CTGCTGGTG	TGCCGAGGAAA	CCTGGAATGAC	AACC	398
TrMDHe6	:	ACAGGCAT	GGACTTG	GTCGTTATAC	CTGCTGGTG	TGCCGAGGAAA	CCTGGAATGAC	AAGG:	
TrMDHe7	:	ACAGGCAT	GGACTTG	GTCGNTATAC	CTGCTGGTG	TGCCGAGGAAA	.CCTGGAATGAC	AAGC :	82
TrMDHe8	:						CCIGOIMIOAC		02
TrMDHe9	:								_
TrMDHe10	:								_
								·	_
			*	500	*	520	*	54	Ω
TrMDHe1	:	GATGACTT	ATTTAAG		GAATTGTGAG		GAAGGAATTGC	CAAC .	539
TrMDHe2	:	GATGACTT	ATTTAAG	ATAAATGCTG	BAATTGTGAG	GACTCTTACC	GAAGGAATTGC GAAGGAATTGC	CAAG :	
TrMDHe3	:	GATGACTT	ATTTAAG	ATAAATGCTG	GAATTGTGAG	GACTCTTACC	GAAGGAATTG'I GAAGGAATTG'I	CAAG :	
TrMDHe4	:	GATGACTT	ATTTAAC	ATAAATGCTG	AATTGTGAG	GACTCTTTCT	GAAGGAATTG T GAAGGAATTG T	CAAC:	
TrMDHe5	:	GATGACTT	ATTTAAG	ATAAATGCTG	TAATTGTGAG	GACTCTT TCT	GAAGGAATTG T GAAGGAATTG T	CAAG :	
TrMDHe6	:	GATGACTT	ATTTAAC	ATAAATGCTC		GACTCTTTCT	GAAGGAATTGT GAAGGAATTGC	CAAC :	
TrMDHe7	:	GATGACTT	ATTTAAC	ATAAATGCTC	A ATTOTOAC	GACTCTTAGC	GAAGGAATTGC GAAGGAATTGC	CAAC :	
TrMDHe8	:					JONG FOI FAGE	OAAGGAATTGC	CAAC:	142
TrMDHe9	:							:	-
TrMDHe10								:	-

FIGURE 13 (cont.) 100/138

TrMDHe1 TrMDHe2 TrMDHe3 TrMDHe4 TrMDHe5 TrMDHe6 TrMDHe7 TrMDHe8 TrMDHe9 TrMDHe10	* 560 * 580 * 60 AGCTGTCCTAATGCAATTGTCAACTTGATTAGCAATCCAGTGAATTCCACTGTGCCAAT COMMON COMM	T: 599 T: 543 T: 543 T: 523 T: 518 T: 503
	* 620 * 640 * 660 GCTGCTGAGGTTTTCAAGAAAGCCGGTACATATGATCCAAAGCGACTTTTANGGGTACAC GCTGCTGAGGTTTTCAAGAAAGCCGGTACATAT GCTGCTGAGGTCTTCAAGAAAGCCGGTACATAT GCTGCTGAGGTCTTCAAGAAAGCCGGTACATATGATCCAAAACGACTTTTAGGAGTTACA GCTGCTGAGGTCTTCAAGAAAGCCGGNACATATGATCCAAAACNACTTTTAAGGCTTACA GCTGCTGAGGTTTTCAAGAAAGCCGGTACATATGATCCAAAGCGACTTTTAG GCTGCTGAGGTTTTCAAGAAAGCCGGTACATATGATCCAAAGCGACTTTTAG GCTGCTGAGGTTTTCAAGAAAGCCGGTACATATGATCAAAGCGACTTTTAGGGGTAACA GCTGCTGAGGTTTTCAAGAAAGCCGGTACATATGATCAAAGCGACTTTTAGGGGTAACA TATGATCC-ACGCGACTTTTAGG-GGTACACACACACACACACACACACACACACACACACACA	A : 659 - : 574 - : 576 A : 583 A : 578 - : 555 A : 262
TrMDHe1 TrMDHe2 TrMDHe3 TrMDHe4 TrMDHe5 TrMDHe6 TrMDHe7 TrMDHe8 TrMDHe9 TrMDHe10	* 680 * 700 * 720 ACCCTCGATGNTGT	- : 673 - : - - : 593 A : 637 - : - A : 322
TrMDHe1 TrMDHe2 TrMDHe3 TrMDHe4 TrMDHe5 TrMDHe6 TrMDHe7 TrMDHe8 TrMDHe9 TrMDHe10	* 740 * 760 * 780 NAGGGTNATNTTCCANTGGTAGGAGGGCCCCCCNGGANT-ACAANATTACC-CTTTTTT- GAGGTTGATGTTCCAGNGGTAGGATGGCACGCANGAGT-ACAATATTACCTCTTTTGTCAGAGGTTGATGTTCCAGTGGTAGGAGGGCACGCAGGAGTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTGATGTTCCAGTGGTAGGAGGGCACGCAGGAGTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTGATGTTCCAGTGGTAGGAGGGCACGCAGGAGTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTGATGTTCCAGTGGTAGGAGGGCACGCAGGAGTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTGATGTTCCAGTGGTAGGAGGGCACGCAGGAGTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTCACAATATTACCTCTTTTTGTCAGAGGTTCACAATATTACCTCTTTTTTTT	- : - - : - - : - - : 693 - : -
TrMDHe1 : TrMDHe2 : TrMDHe3 : TrMDHe4 : TrMDHe5 : TrMDHe6 : TrMDHe7 : TrMDHe8 : TrMDHe9 : TrMDHe10 :	* 800 * 820 * 840 CAGGTTAAGCCTNCCAGTANCTT-ACCGNAGAANAAACCGAATACCTGACANANCGNATT CAGGTTAAGCCTCCCAGTAGCTTCACTGCAGAAGAAACCGAATACCTGACANATCGCATT	- : - - : - - : - - : - - : - - : 440

FIGURE 13 (cont.) 101/138

TrMDHe1 TrMDHe2 TrMDHe3 TrMDHe4	* : :	860	*	880	*	900 : :	:
TrMDHe5 TrMDHe6 TrMDHe7		GAACACAAGT <u>C</u> GTT				: :	- : - : 473
TrMDHe8 TrMDHe9 TrMDHe10	: CAAAATGGTGG		GAGGCAAAG	SCTGGGGCTGG SCTGGGGCTGG SCTGGGGCTGG	TTCGGCAAC	ACTANTN :	268 42 38
TrMDHe1	*	920	*	940	*	960 :	-
TrMDHe2 TrMDHe3 TrMDHe4 TrMDHe5	:					: : :	- : - : -
TrMDHe6 TrMDHe7 TrMDHe8	: ATGGCATATG	CAGCTGCCAAGTTT	GCTAACGCA	IGCCTCCGTGG	CTTGAAAGG	: : AGAAGCC :	328
TrMDHe9 TrMDHe10	: ATGGCCTATGG : ATGGCCTATGG	CAGCTGCCAAGTTT(CAGCTGCC <mark>-</mark> AGTTT(GCTAACGCA' GCTAACGCA'	IGCCTCCGTGG IGCCTCCGTGG	CTTGAAAGG. CTTGAAAGG.	AGAAGCC : AGAAGCC :	97
TrMDHe1 TrMDHe2	* :	980	* 	1000	* 	1020 :	- -
TrMDHe3 TrMDHe4 TrMDHe5 TrMDHe6	:					: :	-
TrMDHe8 TrMDHe8 TrMDHe9	: GGGATAGTGGA	AGTGTGCTTTTGTT(AGTGTGCTTTTGTT(GATTCTCAGO	GTTACGGAACT	PCCTTTCTT	rgcagcc :	- 388 162
TrMDHe10	: GGGATAGTGGA	AGTGTGCTTTTGTTC	GATTCTCAGO	GTTACGGAACT	PCCTTTCTT	rgcagcc :	157
TrMDHe1 TrMDHe2	:	1040	* 	1060	* 	1080 :	-
TrMDHe3 TrMDHe4 TrMDHe5 TrMDHe6	:					:	- - -
TrMDHe7 TrMDHe8 TrMDHe9	: AAGGTTCGTCI	TGGTCGCGGTGGAC TGGTCGCGGTGGAC	GCAGAAGAGA	TATATCAACT'	TGGTCCCCT'	TAATGAG :	448 222
TrMDHe10		TGGTCGCGGTGGAC	GC <u>A</u> GAAGAGA	ATATATCAACT'	IGGTCCCCT'	PAATGAG:	217
TrMDHe1 TrMDHe2 TrMDHe3	* :	1100				·	-
TrMDHe3 TrMDHe4 TrMDHe5 TrMDHe6	:					:	-
TrMDHe7 TrMDHe8 TrMDHe9	: TATGAGAGGAT : TATGAGAGGAT	TGGGTTGGAAAAAC TGGATTAGAAAAAC	GCGAAGAATC	AGTTAGÇ <mark>Ç</mark> GGA AGTTAGÇAGGA	AAGCATCCAC	GAAGGGA	- 508
TrMDHe10	: TATGAGAGGAT	TGGATTAGAAAAAC	CGAAGAAAC	SAGTTAGCAGG	AAGCATCCAC	GAAGGGA :	

FIGURE 13 (cont.) 102/138

			*	1160	*	1180	*	1200		
TrMDHe1	:								:	-
TrMDHe2	:								:	_
TrMDHe3	:								:	_
TrMDHe4	:								:	_
TrMDHe5	:								:	
TrMDHe6	:								:	_
TrMDHe7	:								:	
TrMDHe8	:	GTAGAATTC	ATCA G A.	AAA T AA GTC AGAT.	AAGGAAA	AATTAGTTTTGTA	TTGNCTC	$\Gamma T T C T$:	568
TrMDHe9	:	GTAGAATTC.	ATCACA	JAAAAANAA					:	306
TrMDHe10	:	GTAGAATTC.	ATCAĀA	AAAAAN					:	299
			*	1220	*					
TrMDHe1	:				:	_				
TrMDHe2	:	~			:	_				
TrMDHe3	:				:	_				
TrMDHe4	:				:	_				
TrMDHe5	:				:	-				
TrMDHe6	:				:	_				
TrMDHe7	:		-		:	_				
TrMDHe8	:	ATATCTATA.	AAGAAC'	TTGTGTAATAATT	CC : 59	8				
TrMDHe9	:				 :	_				
TrMDHe10	:				:	_				

FIGURE 13 (cont.) 103/138

TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	* GNNTACNGCT	20 ATCNACCCTTCTTT	* CTTATACAAT	40 AATNATAGAT.	* AAATTCATCT	60 GCTAAA : :	60 - -
TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	* TTATGGAGCC	80 AAATTCAGATGCAA	* ATCAACGAAT	100 CGCAAGAATC	* ICCGGCCACC	120 TAAATC : :	120
TrMDHf1: TrMDHf2: TrMDHf3:	* CTCCCAATTT	140 CAAGATGAATGAAC	* ATGGTGATTC	160 TTCTTTGACA	* AGTTTCCATT	180 GCCGTG :	180
TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	* CAAAAGGTGG	200 AGCACCTGGATTCA	* AAGTTGCAAT	220	* GCTGGTGGCA GTG N CA		240 12 -
TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	* AACCTCTTTC ACCCTCTTT	260 aatgttgatgaaga Natgttgatgaaga	TGAATCCT <mark>A</mark> T	280 GGTTT-AGTT GGTTT-AGTT GGTTTN N GTT	CTTCATCTTT	ATGATG:	299 70 29
TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	TTGTTAATAC	320 TCCTGGTGTTACTT TCCTGGTGTTACTT TCCTGGTG-TACTT	CTGATATTAG	TCATATGGAT	ACTGCTGCTG	TTGTTC :	359 130 86
TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	GAGGGTTTTT	380 GGGGCAAAATCAGC GGGGCAAAATCAGC GGGGCAAAATCAGC	TTGAGGATGC	ACTTACAGGT	ATGGATTTGG	TAATCA :	419 190 146
TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	TTCCTGCCGG'	440 IGTTCCCCGTAAAC IGTTCCCCGTAAAC IGTTCCCCGTAAAC	CTGGAATGAC	AAGAGATGAT	CTCTTCAATA	TAAATG :	479 250 206
TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	CCGGGATCGT'	500 PAAAACACTCTGTG PAAAACACTCTGTG PAAAACACTCTGTG	AAGCAATTGC	ÄAAGCGATGT	CCTAAGGCGA'	TTGTCA :	539 310 266
TrMDHf1 : TrMDHf2 : TrMDHf3 :	ACGTGATTAG'	560 FAATCCGGTTAACT FAATCCGGTTAACT FAATCCGGTTAACT	CCACTGTCCC	580 CATTGCGGCTO	* GAAGTTTTCA GAAGTTTTCA	AAAGAG :	572 370 326

FIGURE 14

104/138

TrMDHf1 TrMDHf2 TrMDHf3	:					640 CAATGCTTGATG' CAATGCTTGATG				- 430 386
TrMDHf1 TrMDHf2 TrMDHf3	: :					700 GGGATGTGGATG GGGATGTGGATG				- 490 446
TrMDHf1 TrMDHf2 TrMDHf3	: : :	GAGGACATO	* GCCGGAATO	740 CACCATTTTACC	* PCTGCTTT(760 CTCAGGTTAAAC	* CACATTCC	780 : TCTT :		- 550 506
TrMDHf1 TrMDHf2 TrMDHf3	: : :			800 FGAGTACTTG FGAGTACTTGAC	* AGATCGCA	820 FACAAAACGGTG	* GAACTGAA	840 : : GTTG :	-	- 576 566
TrMDHf1 TrMDHf2 TrMDHf3	: :	TTGAGGCCA	* 	860 :: :: AGCTGGCTCT:	- - 592					

FIGURE 14 (cont.)

105/138

		*	f	20	*	40		*	60		
TrMDHg1 TrMDHg2	:	GTAGGCA T CA <mark>GNN</mark> GGA	ATAACAG	CACAATGA	AACATGGA AACATGGA	AATGTTT(AATGTTT(GCTTTGGA	AATTATGG	ACAATA	:	60 57
TrMDHg1 TrMDHg2	:	* CGGTCCTTAA	AAAATCTG	TTCTTGT' TTCTTGT'	TTTATTT	100 GTACTTT GTACTTT	TTTGTTTT(GGAAGATC	20 GTTAGA GTTAGA	:	122 119
TrMDHg1 TrMDHg2	:	* TACATGTGTG TACATGTGTG	140 GTCTTCTC GTCTTCTC	AAAGTTG <i>A</i>	ATAAGGAA	160 CCAGTCA CCAGTCA	* CTGTATTG(CTGTATTG(180 GTCACTGG GTCACTGG	TGCTGC	:	184 181
TrMDHg1 TrMDHg2	:	* AGGACAAATI AGGACAAATI	200 GGNTATGC GGTTATGC	TCTTGNT	CAATGAT	TGCNANA	* GGGATGAT(GGGATGAT(GCTANGNO	CAAATC CAAATC	:	246 243
TrMDHg1 TrMDHg2	:	* 2 NACCTGGNAT AACCTGTAAT	60 T G TT G ATA TCTTCATA	* TGCTNG N T TGCT T GAT	280 I <mark>NTTG</mark> IATTGAAC	CAGGATT	* AGAGGCCC	300 ITAAAGGG	* GTGAAG	:	276 305
TrMDHg1 TrMDHg2	:	320 ATGGAACTGA	TTGATGGT	* GCTTTCCC	340 CACTTCTT	* AGAGGTG	- 	60 ACTACGGA	* TGTTGT	:	- 367
TrMDHg1 TrMDHg2	:	380 TGAAGCATGC	* AAGGATGT	PAACATTO	100 GCTGTTAT	* GCTTGGT(420 GGATCCCC	AGGAAGG	* AAGGAA	:	- 429
TrMDHg1 TrMDHg2	:	440 TGGAAAGAAA	* AGATGTAA	460) SAATGTTT	* CAATTTA(480 CAAGGCTC	* AGCTTCA	GCTTTG	:	- 491
TrMDHg1 TrMDHg2	:	500 GAGGAGCATG	* CTGCTGCA	520 GATTGTAA	AAGTGCTA	* GTGGTAG(540 CCAATCCAC	* GCAAACAC	5 AAATGC	:	- 553
		60 TCTAATATTG		580 rgctccat	* CAATCCC	TGAGAAA	: - : 594				

FIGURE 15 106/138

			*	20	*	40	*	60		
TrMDHh1	:	GNNTACN	GCTATCNAC	CCTTCTTTCTTA	TACAATAA	TNATAGATAAAI	TCATCTGC	TAAA	:	60
TrMDHh2	:								:	_
111111111111111111111111111111111111111	•								•	
manantil 1		mm a mara a	*	80	*	100	*	120		100
TrMDHh1 TrMDHh2	:	TTATGGA	GCCAAATTC	AGATGCAAATCA	ACGAATCG	CAAGAATCTCCG	GCCACCTA	AATC	:	120
TrMDHh3	:								:	_
			*	140	*	160	*	180		
TrMDHh1	:	CTCCCAA		GAATGAACATGG			TCCATTGC		:	180
${\tt TrMDHh2}$:								:	-
TrMDHh3	:								:	-
			*	200	*	220	*	240		
TrMDHh1	:	CAAAAGG'	TGGAGCACC	TGGATTCAAAGT	TGCAATTT	TAGGTGCTGCTG			:	240
TrMDHh2	:						GTG N CATA	GGTN	:	12
	•								•	
TrMDHh1		Δ Δ С С Τ С Τ Γ	* ኮጥሮ ል ልጥሮጥጥ	260 GATGAAGATGAA	* TCCCTTCC	280 777 - ACTTOTTO	* *	300		299
TrMDHh2	:	ACCTCT	TT-NATGTT	GATGAAGATGAA GATGAAGATGAA	TCCTATGG.	TTT-AGTTCTTC	ATCTTTAT ATCTTTAT	GATG 'GATG	:	∠99 70
${\tt TrMDHh3}$:				TTTGG	TTTN N GTTCTTA	TNCTTTAT	'GATG	:	29
			*	320	*	340	*	360		
${\tt TrMDHh1}$:	TTGTTAA'	TACTCCTGG	TGTTACTTCTGA	TATTAGTC	ACATGGATACTO	GTGCTGTT	GTTC	:	359
TrMDHh2	:			TGTTACTTCTGA					:	130
TrMDHh3	•	TTG-TAA	TACTCCTGG	TG-TACTTCTGA	TATTAGT -	ATATGGATACTG	CTGCTGT'I	GTTC	:	86
m .m. 1		~~~~	*	380	*	400	*	420		
TrMDHh1 TrMDHh2	:			AAATCAGCTTGA AAATCAGCTTGA						419 190
TrMDHh3	:			AAATCAGCTTGA						146
			*	440	*	460	*	480		
TrMDHh1	:	TTCCTGC	T GGTGTTCC	CCGTAAACCTGG			TCAATATA		:	479
${\tt TrMDHh2}$:			CCGTAAACCTGG					:	250
TrMDHh3	:	TTCCTGC	CGGTGTTCC	CCGTAAACCTGG	AATGACAA	GAGATGATCTCI	TCAATATA	AATG	:	206
			*	500	*	520	*	540		
TrMDHh1				ACTCTGTGAAGC						539
TrMDHh2 TrMDHh3				ACTCTGTGAAGC ACTCTGTGAAGC						310 266
	•	20000111			anti tocan	nocomforce in	T-000001 I		•	
				5.50						
TrMDHh1		ACGTGAT	* ጥልርጥል አጥርር	560 GGTTAACTCCAC	* 'TCTCC	580	*	600		572
TrMDHh1				GGTTAACTCCAC GGTTAACTCCAC		TTGCGGCTGAAG	TTTTCAAA	AGAG		370
TrMDHh3	:			GGTTAACTCCAC					:	326

FIGURE 16 107/138

		620 CCCAAGAGACTI				- 130 386
		680 SAAGTTCTTGG1				- 190 146
		740 ATCACCATTTTA				- 550 506
		800 ATTGAGTACTTG		820 GCATACAAAACC	* GTGGAACTG	- 576 566
TrMDHh1 : TrMDHh2 : TrMDHh3 : TTGAGG	* CCAAAGCTO	860 GAGCTGGCTCT	: - : - : 592			

FIGURE 16 (cont.) 108/138

			*		20	*		40		*	60		
TrMDHi1 TrMDHi2	:	GNAATCO	CTCTTT	GNCTCC	CCTACC	CTCCTT1	TTTTTTC				CTCTT C T CTCTTAT	:	60 19
TrMDHi1 TrMDHi2	:	CAACTT1 -AACTT1	* CCACC	8 TCTGAA TCTGAA	CAAAAC	* FTC T ATC	TTTTCT	.00 CATTTT -ATTTT	* CTTATA	ACCCTT	120 PTAGAAA PTACAAA	:	121 76
TrMDHi1 TrMDHi2	-	CTTCTT(* CATAAA CATAAA	140 GTGTTA GTGTT G	FT T <mark></mark> TT GGT	* ГТТТТАТ ГТТТТАТ	16 TTACTCT	TTTCAA	* GAA T CA GAACCA	CAAAA.	180 ACAGTGT ACAGTGT		180 137
TrMDHi1 TrMDHi2		* TTCTTGA TTCTTGA	ATTCT AATTC	200 TTG T AA' TTGGAA	PTTTTT	* PTTTCCT	220 GCAACC GCAACC	ATGGCC	* TTGGCA	CAGTT	240 Aaacaa t Aaacaac	:	241 196
TrMDHi1 TrMDHi2		* CCCACTT CCCACTT	GCTCA GCTCA	260 AAAACT(AAAACT(CAACTT(* CACTCAT	280 CACAAC	TCTCAT TCTCAT	* TT T T G T TTCTCT	CTAGG	00 ACTCTCC ACTCTCC	-	302 257
TrMDHi1 TrMDHi2		* CTAGGCA CTAGGCA	ATATC	320 ACTGTA ACTGTA	OTTTTG(CACCACT	340 TCACAG	AACTCA AACTCA	* ACATGG ACATGG	360 CAGAA CAGAA	TACTTG		363 318
TrMDHi1 TrMDHi2		* TTCTGTT TTCTGTT	'GCACC	80 AAATCA AAATCA	* AGTGCAC AGTGCAC	GCTCCA GCTCCA	400 GCTGTA	CAATCA CAATCA	* CAGGAT CAGGAT	420 CCCAAG	GAATAAG GAATAAG		424 379
TrMDHi1 TrMDHi2	:	* CCTGATT CCTGATT	44 'GCTAT 'GCTAT	GGTGTC'	* FTCTGCC FTCTGCC	CTTACCT	60 ATGATT ATGATT	TGAAGG TGAAGG	CTGAAG CTGAAG	480 AGGAGA	ACAAAAT ACAAAAT	:	485 440
TrMDHi1 TrMDHi2	-	* CCTGGAA CCTGGAA	500 GAAAT GAAAT	TAATCAA TAATCAA	* ACATTGO	52 CAGTCTC CAGTCTC	AGGTGC	* TGCTGG TGCTGG	AATGAT AATGAT	540 TTCCAA	ATCATCT ATCATCT		546 501
TrMDHi1 TrMDHi2	-	* ACTTTTC ACTTTTC	560 AAGCT AAGCT	TGCATC' TGCATC'	* IGGTGA <i>I</i> IGGTGA <i>I</i>	580 AGTTTTT AGTTTTT	GG T CCA	* AATCAA AATCAA	CCTATT	00 GCGCT(GCGCT(* GA GAAATTA	:	602 562
TrMDHi1	:		620	<u>-</u> -	* 	6 4 0		: -					
TrMDHi2	:	TTAGGAT	CAGAA.	AGGTCC'	TCCAAC	CTCTTG	AAGGTG	: 599					

FIGURE 17 109/138

		*	20	*	40	*	60		
TrPEPCa1	: GNNACAT	r'TNCCGAA	TGCTGCTGAAC	TAGGGAGTG	ATTCCCTTGG	AGCCTATGTC	ATCTCT	: 6	0
TrPEPCa2	:							:	_
TrPEPCa3	:							:	_
		*	80	*	100	*	120		
TrPEPCa1	: ATGGCC	TCAAGTGC	AAGCGATGTCC	TTGCAGTAG		GAAGGATGCA		: 11	9
TrPEPCa2	·				NACTTTTACA				7
TrPEPCa3	·				AGCTTTTACA				6
111111000	•					0.1100.11001	.001011		
		*	140	*	160	*	180		
TrPEPCa1	· concen	ATTEGAGA	GTTCGGAAGAC	C A TCTCCTTC		GCCCCTTCTC		: 17	q
TrPEPCa2	1.22 22.29 45°X 30		ATTAGGAAGAC						37
TrPEPCa3			ATTAGGAAGAC ATTAGGAAGAC						36
TIFEFCAS	. ACAGII	10100404	MUMMOMILM	CAIGICCGG	GIGGAACGCI	1000010011	CCICIA		
		*	200	*	220	*	240		
TrPEPCa1	. TTTC A A 7	Λ C Γ C Γ C Γ Λ	GGACCT A AGAC	СОЛССТССТВ				: 23	٠.۵
TrPEPCa2			AGACCTGAGAC	F/A			2	: 14	
TrPEPCa3								: 14	
11 PEPCa3	: IIIGAA	ACIGIGCA	AGACCTGAGAC	JUNGC 1GG 1G	CAGITATCAG	AAAACTITIA	TCAATC	: 14	. O
		4	260	4	200		200		
m DDD DG - 1	a z amoor		260	*	280	×	300		
TrPEPCa1	6000		ACACATCATTA				2 · F	: 29	
TrPEPCa2			ACACATCATTA					: 20	
TrPEPCa3	: GATTGG	PACCGCCA	ACACATCATTA	AAGAACCATA	ACGGACACCA	AGAGGTTATO	GTCGGT	: 20	16
		*	320	*	340	*	360		
TrPEPCa1			TAAAGATGCT					: 35	
TrPEPCa2			TAAAGATGCCC					: 26	7
TrPEPCa3	: TATTCTO	GATTCTGG	TAAAGATGCCC	GGCGCTTTA	CTGCTGCTTG	GGAACTTTAC	AAAGCT	: 26	6
		*	380	*	400	*	420		
TrPEPCa1			AGCTGCTTGC					: 41	.9
TrPEPCa2	: CAAGAG	GATGTAGT	GGCTGCTTGC	AATAAGTACG	ATACTAAGGT	TACTTTGTTC	CACGGC	: 32	:7
TrPEPCa3	: CAAGAG	GATGTAGT	GGCTGCTTGC	ATAAGTACG	ATACTAAGGT	TACTTTGTTC	CACGGC	: 32	6
		*	440	*	460	*	480		
TrPEPCa1	: CGTGGA	GG C AGTAT	TGGTCGAGGTC	GGTGGCCCTA	CATATCTGGC	TATTCAGTCC	CAACCA	: 47	9
TrPEPCa2			TGGACGTGGCC					: 38	7
TrPEPCa3	: CGCGGAC	GGGAGTAT	TGGACGTGGCC	GAGGCCCAA	CATATCTGGC	TATTCAGTCC	CAGCCA	: 38	6
		*	500	*	520	*	540		
TrPEPCa1			GGGAAC A CTTC					: 53	9
TrPEPCa2		TCTGTGAT	GGGAACCCTTC	CGGTCAACTG	AGCAGGGAGA	GATGGTGCAC	GCCGAG	: 44	7
TrPEPCa3			GGGAACCCTTC					: 44	6
		*	560	*	580	*	600		
TrPEPCa1	: TTTGGG	I'T A CCACA	GATAGCTGTTA	AGACAACTTG	ANN			: 57	6'
TrPEPCa2			GAĈAGCÃGTTA			AACAGCTGTC	CTACTT	: 50	
TrPEPCa3			GACAGCAGTTA					: 50	

FIGURE 18 110/138

		*	620	*	640	*	660		
TrPEPCa1	:			- 				:	
TrPEPCa2	:	GCTACACGTCGT	CACCACTCCCAC	CTCGAGAAG	AAAAATGGCG	PAATCTAATC	GAAGAC	:	567
TrPEPCa3	:	GCTACACGTCGT	CCACCACTCCCAC	CTCGAGAAG	AAAAATGGCG'	PAATCTAATC	GAAGAC	:	566
			*****	*					
		*	680	*	700	*			
TrPEPCa1									
TrPEPCa2	:	ATN							
	•						: 570		
TrPEPCa3	:	ATTITICAAAAATCA	1	PACCECAGTE	TACTCTATCA	$\Delta \Delta $. 619		

FIGURE 18 (cont.) 111/138

			*	20	*	40	*	60		
TrPEPCb1 TrPEPCb2	:					CGCTATCTCTTA CGCTATCTCTTA			:	60 60
TrPEPCb1		<u></u> ምርጥር እ እ እጥ	*	80	*	100 GATGAGTTCTTG	*	120		120
TrPEPCb2	:					GATGAGTTCTTG GATGAGTTCTTG			:	120
TrPEPCb1	:	CTATGCTA	* .CAGATCAC'	140 CTGTGCTTGTG	* GTGATCGT	160 GCGATTGCCGAT	* GGAAGCCT	180 TCTT	:	180
TrPEPCb2	:					GCGATTGCCGAT			:	180
TrPEPCb1	:					220 CTGGTAAGACTT			:	240
TrPEPCb2	:	GATTTCTT	GAGGCAAG1	TTTCCACTTTTG	GACTGTCA	CTGGTAAGACTT	GATATAAG	GCAA	:	240
TrPEPCb1 TrPEPCb2	:	GAGTCAGA	* TCGTCACAC	260 GGACGTGATGG	* ATGCCATT.	280 ACCAAACATTTG	* GAAATTGG	300 ATCC	:	300
11PEPCD2	•	GAGTCAGA	TCGTCACAC	.GGACGTGATGG	ATGCCATT.	ACCAAACATTTG	GAAA'I"TGG.	ATCC	:	300
TrPEPCb1 TrPEPCb2	:	TACCAAGA TACCAAGA	* CTGGTCTG <i>I</i> CTGGTCTG <i>I</i>	320 AGAAAAAAGACA AGAAAAAAGACA	* AGGAATGG	340 CTTTTGTCTGAG CTTTTGTCTGAG	* TTGGTTGG	360 CAAA	:	360 360
			+	380	±				•	300
TrPEPCb1 TrPEPCb2	:	AGGCCGCT AGGCCGCT	TTTTGGACC TTTTGGACC	TGACCTACCTC	AAACCGAT(_400 GAAATTAGAGAA GAAATTAGAGAA	GTTTTAGA GTTTTAGA	420 GACA GACA	:	420 420
			*	440	*	460	*	480		
TrPEPCb1 TrPEPCb2	:	TTTCATGT TTTCATGT	CATAGCAG <i>I</i> CATAGCAG <i>I</i>	ACTTCCATCAGA ACTTCCATCAGA	ACAACTTT ACAACTTT	GGAGCCTATATC GGAGCCTATATC	ATTTCGAT ATTTCGAT	GGCA	:	480 480
			*	500	*	520	*	5 4 0		
TrPEPCb1 TrPEPCb2	:	ACTGCCCC ACTGCCCC	GTCTGATG1 GTCTGATG1	'GCTAGCGGTTG <i>i</i> 'GCTAGCGGTTG <i>i</i>	AACTTCTT(AACTTCTT(CAACGTGAATGC. CAACGTGAATGC.	AAAATCAA(AAAATCAA(GAAT GAAT	:	540 540
TrPEPCb1		CCCTTAAC	* ^~~~~~~~~	560	*	580 SATCTCGAGTCT	*	n.c.		.0
TrPEPCb2	:	CCGTTAAG.	AGTTGTTCC	GTTGTTTGAGAA GTTGTTTGAGAA	AACTTGCT(GATCTCGAGTCTCGAGTCTC		:	59 58	

FIGURE 19 112/138

			*	20	*	40	*	60		
TrPEPCc1 TrPEPCc2	: :					CGTGATCAAGGC CGTGATCAAGGC			:	60 54
			*	80	.	100	4	120		
TrPEPCc1 TrPEPCc2	:			GTTTCGTTGTAC		GCAATCCATAGT. GCAATCCATAGT.		GGAA	:	120 114
TrPEPCc1	:					_160 TCCTCTTCACTA' TCCTCTTCACTA'			:	180
TTPEPCC2	•	CAAACTAG	ATTTCCAC	CTAGGTTGTCA	CGAGATTT	TCCTCTTCACTA	!"I"I"I"I"C'I"I"	1"1"1'C	:	174
TrPEPCc1	:					220 GTACTGTGTAAC.			:	240
TrPEPCc2	:	ATATAATA	A T TCAACA(CTTTTTCTAGCT.	ACTTACTA	GTACTGTGTAAC.	ACAAATTT	TATT	:	234
TrPEPCc1		САТТАТСС	* :CTACTCCT(260 CCAACATTGAA	* 	280 TTCAATTGATGC	* PC & A TTC A	300		300
TrPEPCc2	:					TTCAATTGATGC			:	294
mpppg-1		1 am 2 ag 2 a	*	320	*	340	*	360		
TrPEPCc1 TrPEPCc2	:					TGTCGAGTATGA' TGTCGAGTATGA'			:	360 354
			*	380	*	400	*	420		
TrPEPCc1 TrPEPCc2	:					AGAAGATATCAG. AGAAGATATCAG.			:	420 414
			*	440	*	460	*	480		
TrPEPCc1 TrPEPCc2	:					GCTTA T GCCGGA GCTTAAGCCGGA			:	480 474
			*	500	*	520	•	540		
TrPEPCc1 TrPEPCc2	:			ACTGGTCTTGAT		TTCTATTGTTAT. TTCTATTGTTAT.		CATT	:	540 534
TrPEPCc1 TrPEPCc2	:	TTCTCATA	* ATGCTTAAT	560 PTGGCAAACTTG	* GCAGAGN	: 575 : 537				

FIGURE 20 113/138

	*	20	*	40	*		60
TrCSal :	GNNNCNCNACC	ATTAC G TTAAT T A	CATTTTCTNCTT	TCGCCTTGTTCT	TTCTCTTCTCAA	١:	60
TrCSa2 :				TCGCCTTGTTCT			45
TrCSa3 :							_
TrCSa4 :				. 			_
TrCSa5 :							_
TrCSa6 :						•	
TrCSa7 :						•	_
TICSa/:						:	_
	*	80	*	100	*		120
TrCSa1 :	ТАТА А АСАССА	ATTCAATTCCCAA	ጥጥርጥጥጥጥርር እጥር		TOTAL COOMPOS	١.	120
TrCSa2 :		ATTCAATTCCCAA ATTCAATTCCCAA					104
TrCSa2 :	IAIAAAACC			IC <mark>-T</mark> A C T TT T N CA			
TrCSa3 :		TACCGNA	AACITINCTIA	C - MACINITINGA		:	40
					GTNCCCGAAA	:	10
TrCSa5 :				·		:	-
TrCSa6 :						:	_
TrCSa7 :						:	-
	*	140	*	160	*		180
TrCSa1 :	TCTCTCTTCTC	TGCGTTTCAAACC	CTAGTTGTTTTC	TTGATTGATCTT	AATGGCGTTCTT		180
TrCSa2 :	TCTCTCTTCTC	TGCGTTTCAAACC	CTAGTTGTTTC	ттартарта	A ATGGCGTTCTT		164
TrCSa3 :	ТСФТИСТТСТС	TGCGTTTCAAACC	CTACTTCTTTTC		AATCCCCTTCTT	:	100
TrCSa4 :	TNNTTCCTTTC	TAC-TTT-TNACC		TIGATIGATETA	AAIGGCGIICII		67
TrCSa5 :		TAC III IIVACC	CIAGIIGIIIMG	TIGATIGATOTA	AAIGGCGIICII	;	67
TrCSa6 :		- 		·		:	_
TrCSa0 :						:	_
TICSa/:						:	-
	*	200	*	220	*		240
TrCSa1 :	TCGAAGCGTTT	CTGCGCTTTCAAA	ACTACGATCTCC	TGTGGGTCAACA	ACCTAGTCTTGC	١.	240
TrCSa2 :	TCGAAGCGTTT	CTGCGCTTTCAAA	АСТАССАТСТСС	TGTGGGTCAACA	Δ CCT Δ GTCTTGC	:	224
TrCSa3 :	TCGAAGCGTTT	CTGCGCTTTCAAA	ACTACGATCTCG	TOTOGOTOMICA TOTOGOTOMICA	ACCTACTCTTCC	1:	160
TrCSa4 :	TCGAAGCGTTT	CTGCGCTTTCAAA	ACTACCATCTCC	TOTOGOT CAACA	ACCIAGICI <u>C</u> GC		
TrCSa5 :		CIOCOCITICAAA	ACIACOAICICO	JIGIGGICAACA	ACCIAGICITGC	:	127
TrCSa6 :			 -			:	-
TrCSa7 :						:	_
iicsa/:	-					:	-
	*	260	*	280	*		300
TrCSa1 :	TAATTCAGTTA	GATGGCTCCAAAC'	TCCAAGCTCCAG	TAACACTGAT <u>CT</u>	TTATTCTGAGAT	:	300
TrCSa2 :	TAATTCAGTTA	GATGGCTCCAAAC'	TCCAAGCTCCAG	TAACACTGATCT	TTATTCTGAGAT	:	284
TrCSa3 :	TAATTCAGTTA	GATGGCTCCAAAC'	TCCAAGCTCCAG	TAACACTGATCT	TTATTCTGAGAT		220
TrCSa4 :	TAATTCAGTTA	GATGGCTCCAAAC'	TCCAAGCTCCAG	TAACACTGATCT	ТТАТТСТСАСАТ		187
TrCSa5 :						• :	10,
TrCSa6 :						:	_
TrCSa7 :					_	•	_
•						:	_
m a a a	*	320	*	340	*		360
TrCSa1 :	GAAGGAGCTAG	TTCCAGAGTATCA	GGAACGTGTTAA	GAAGTTGAAGAA	AGACCATGGA <u>A</u> G	:	360
TrCSa2 :	GAAGGAGCTAG [,]	TTCCAGAGTATCA	GGAACGTGTTAA	.GAAGTTGAAGAA	AGACCATGGA <mark>A</mark> G	:	344
TrCSa3 :	GAAGGAGCTAG	TTCCAGAGTATCA	GGAACGTGTTAA	.GAAGTTGAAGAA	AGA T CATGGA <u>AG</u>	:	280
TrCSa4 :	GAAGGAGCTAG	TTCCAGAGTATCA	GGAACGTGTT <u>AA</u>	GAAGTTGAAGAA	AGACCATGGAAG	:	247
TrCSa5 :						•	
TrCSa6 :						:	_
TrCSa7 :						-	

FIGURE 21 114/138

TrCSa1 : TrCSa2 : TrCSa3 : TrCSa4 : TrCSa5 : TrCSa6 : TrCSa7 :	TGTTGAATTGGGA TGTTGAATTGGGA TGTTGAATTGGGA	AAA G TCACAGCTG	ATATGGTAC ATATGGTAC ATATGGTAC	TTGGTGGAAT TTGGTGGAAT TTGGTGGAAT TTGGTGGAAT	GAGAGGAAT GAGAGGAAT GAGAGGAAT	GACTGC GACAGC GACTGC GACTGC	: 420 : 404 : 340 : 307 : 51 : 16
TrCSa1 : TrCSa2 : TrCSa3 : TrCSa4 : TrCSa5 : TrCSa6 : TrCSa7 :	* TTTAGTGTGGCTA TTTAGTGTGGCTA TTTAGTGTGGCTA TTTAGTGTGGCTA TTTAGTGTGGCTA TTTAGTGTGGCTA	GGCTCAGCTGTTG GGCTCAGCTGTTG GGCTCAGCTGTTG GGCTCAGCTGTTG	ACCCAGATO ACCCAGATO ACCCANATO ACCCAGATO	SAGGGAATTCG SAGGGAATTCG SAGGGAATTCG SAGGGAATTCG	CTTTAGGGG CTTTAGGGG CTTTAGGGG	CATGAC CATGAC CATGAC CATGAC	: 480 : 464 : 400 : 367 : 111 : 74
TrCSa1 : TrCSa2 : TrCSa3 : TrCSa4 : TrCSa5 : TrCSa6 : TrCSa7 :	* AATTCCTGACTGC AATTCCTGACTGC AATTCCTGACTGC AATTCCTGACTGC AATTCCTGACTGC AATTCCTGACTGC	CAGAAAACACTTC CAGAAAACACTTG CAGAAAACACTTG CAGAAAACACTTC	CAGGTGCTT CAGGTGCTT CAGGTGCTT CAGGTGCTC	PTTCCTGGTGG PTTCCTGGTGG PTTMCTGG C GG PTCCTGGTGG	GGAGCCTTI GGAGCCTTI GGAGNCTTI GGAGCCTTI	PGCCCGA PGCCCGA PGNCCNA PGCCCGA	: 540 : 524 : 460 : 427 : 171 : 133
TrCSa1 : TrCSa2 : TrCSa3 : TrCSa4 : TrCSa5 : TrCSa6 : TrCSa7 :	* GGCTATACTGTGG GGCTATACTGTGG GGCTATACTGTGG GGCTATACTGTGG GGCTATACTGTGG GGCTATACTGTGG	CTTCTATTGACCG CTGCCATTGACCG MTTMTATTGACCG CTTCTATTGACCG	GAAAGGTAC GAAAGGTAC G NN<mark></mark> GAAAGGTAC	CCAAGTAAAGA CCAAGTAAAGA CCAAGTAAAGA	GCAAGTAGA GCAAGTAGA GCAAGTAGA	TTCATT TTCATT TTCATT	: 600 : 584 : 520 : 456 : 231 : 193
TrCSa1 : TrCSa2 : TrCSa3 : TrCSa4 : TrCSa5 : TrCSa6 : TrCSa7 :	* AGCTCACGAATTG AGCN AGCTCACGAATTG AGCTCACGAATTG	CGAAGTCGTGCAA CGAAGTCGTGCAA	AAATCCCAC	SAGTATGCTTA SAGTATGCTTA	.CAAGGCAAT	TGATGC	: 660 : 588 : 580 : - : 291 : 253 : -
TrCSa1 : TrCSa2 : TrCSa3 : TrCSa4 : TrCSa5 : TrCSa6 : TrCSa7 :	ACTGCCTGTTTCT	GCTCATCCAATGA GCTCATCCAATGA	CACAATTTA	AGTACTGGTGT	'AATGGCCCT	CCAGGT	: 692 : - : 640 : - : 351 : 313

FIGURE 21 (cont.) 115/138

			*	740	*	760	*	780	
TrCSa1	:							;	: -
TrCSa2	:							:	: -
TrCSa3	:	GGAGAG'I'	'GAG'I'I''I'A	CAAAGGCATA	TGAGAGTGGC	ATACATN		:	: 681
TrCSa4	:	22222	0.2.000002	C2 2 2 CCC 2 M 2	002020000	220200000000000000000000000000000000000		:	
TrCSa5 TrCSa6	:					GATACATAAGT GATACATAAGT			: 411 : 373
TrCSa0	•	GGAGAGI	GAGIIIA			GA <mark>-NCNT-</mark> AGT			: 373
II CBa /	•				1CAUAU1UGC	JA-INCINI -AGI	-AAGC-ATIC	GONGCC.	. 54
			*	800	*	820	*	840	
TrCSa1	:							;	: -
TrCSa2	:							;	: -
TrCSa3	:							:	: -
TrCSa4	:					- 	-	;	: -
TrCSa5	:					TTGCCTGGAA			: 471
TrCSa6	:	<u>A</u> ACTTAT	'GAGGAT <u>A</u>	GCTTGAATTT	AATTGCTCGT	TTTGCCTGGAA	TTGCTGCCTA	TATTTA:	: 433
TrCSa7	:	-ACTTAT	'GAGGAT'-	GCTTGAATTT	AATTGCTCGT	TTGCCTGGAA	TTGCTGCCTA	TATTTA:	92
			*	0.60	ىك	000		000	
TrCSa1				860	•	880 	^	900	_
TrCSa1	:								_
TrCSa3	:		_ _						
TrCSa4	:					- 			
TrCSa5	:	TCGACGG	ATATACA	AGGATGGAAA	AATCATACCA	ATTGGATGATT	CTTTGGATTA	TGGTGC	: 531
TrCSa6	:					ATTGGATGATT			493
TrCSa7	:					ATTGGATGATT			152
TrCSa1			*	920	*	940	*	960	
TrCSa1	:							:	: -
TrCSa2	:							:	: -
TrCSa4	÷							:	-
TrCSa5	•	AAACTAT	GCTCACA	ТСТТАССАТТ	ТСАТСАТСС	GAAACGCTGG	ACTITATION	CCTCTA	- : 591
TrCSa6	:	AAACTAT	GCTCACA'	TGTTAGGATT	TGATGATCC?	GAAACGC 1GG	AGTITATGAG AGTTTATGAG	GCTGTA .	: 553
TrCSa7	:	АААСТАТ	GCTCACA'	TGTTAGGATT	TGATGATCCA	GAAACGCTGG	AGTTTATGAG	GCTGTA :	212
			-						
			*	980	*	1000	*	1020	
TrCSa1	:					·		:	: -
TrCSa2	:								
TrCSa3	:							:	-
	:	77 MMMCM		 -				:	: -
				CTC ATC ATC A					
TrCSa7	:	TATTICT	ATCCATA	GIGAICAIGA CTCATCATCA	AGGN=======	CGTTAGTTCTC	A CA CA COMOA	CCMACM	581
11CDa7	•	17111111	MICCAIA	GIGATCATGA	AGG_LGGCAAC	GILAGIICIC	ACACAGCICA	CCIAGI:	212
			*	1040	*	1060	*	1080	
TrCSa1	:					·		:	: -
						·			
TrCSa3	:					·		:	: -
						· 			
IIC5a/	:	IGCTAGT	TCACTAT(CAGATCCTTA	TCTTGCATT(CGCAGCTGCTC	TGAATGGTTT	AGCTGC :	: 332

FIGURE 21 (cont.) 116/138

			*	1100	*	1120	*	1140	
	:				- 	- 		- :	: -
TrCSa2	:							:	
TrCSa3	:	-						:	_
TrCSa4	:		- 					:	-
TrCSa5	:				- -	- -		:	: -
TrCSa6	:							:	: -
TrCSa7	:	CCCACT	GCATGGT	TTAGCCAATCA	GGAAGTTCT.	ACGATGGATCA	GAAACATAG	TTAAGGA :	392
			-						
			*		*		*	1200	
			 -					•	-
TrCSa2	:						 -	- :	: -
TrCSa3	:							:	: –
TrCSa4	:							:	: -
TrCSa5	:						--	:	: -
TrCSa6	:				- 			:	_
TrCSa7	:	GTTTGG.	AACTCCA	AACATAAGTACA	AGAACAATT	GAGCGACTACA	TTCATAAAA	CATTGAA :	452
							475 - 22		
			*		*	1010	*	1260	
TrCSa1	:								. –
TrCSa2	:						-	:	: -
TrCSa3	:					- 		:	: -
TrCSa4	:		- 					:	-
TrCSa5	:		 -					:	_
TrCSa6	:							:	
TrCSa7	:	CAGTGG	CCAGGTT	GTGCCTGGATAT	rggacatgg.	AGTTTTGCGCA.	ATACAGACC	CAAGATA :	512
			*	1200	*	1300			
	:						•		
TrCSa2	:						•		
TrCSa3	:						•		
TrCSa4	:								
TrCSa5	:						•		
TrCSa6	:						•		
TrCSa7	:	CACTTG	CCAGAGG	GAGTTTGCATT	BAAGCATTT	GCCTAATGATC	CAN : 559		

FIGURE 21 (cont.) 117/138

		*	2	0	*	40	*	60
TrCSb1	: CNT	TCNTTTC	CACAGCATC	CTAATCCTAA	TCCTAATCC	TAATCCTAT	ractaatt <i>i</i>	ACTA : 60
TrCSb2	:					·		
TrCSb3	·							: -
TrCSb4	·							: _
TrCSb5								
TrCSb5								: -
TrCSb0								
TICSD/	:							: -
		*	80	,	10	10	*	120
TrCSb1	. A/I/D/			ለጥጥ እርጥ አ አጥ 7		TTTTTCTCGA	 АСССАФФС	
TrCSb1		CIMHIIM	INGINCIN	TIAGIAAIA	CCGAICCCI	IIIICICGA	ACCCALICA	. 120
TrCSb2	•							: -
TrCSb3						· 		: -
TrCSb4		- 				· 		: -
	:	 -			-			: -
TrCSb6	:		- 					: -
TrCSb7	:							: -
		*	140		16	:0	*	100
TrCSb1	. AAmn					TCTTACAAC		180
TrCSb1								
TrCSb2	:GI	NAGNAGAAC	GAAACINC-A	AAATCCACAA	AC-AAAAC-	TCTTACAACA	AATGTCAAG	CAC : 55
	:GI	NGNAGAAC	GAAACACA	AAATNCACAA	aca a aaaca	TCTTACAACA	AATGTCAA	CCAC : 58
TrCSb4	:			AAATNCAC	:AAAC-AACA	TCTTAC-ACA	AATGTC-AG	
TrCSb5	:	ENAVAC	GAAAAAC -	AAAT NC - C	CAAAC-AAC-	TCTTAC-ACA	AATGTC-AC	CGAC : 45
TrCSb6	: 							: -
TrCSb7	:							: -
			0.00					
m0.cl- 1	7.7.00		200	7	22		*	240
TrCSb1	: AAC'I	ACTACAAC	CGACGAAT	CCAAGCTGCA	CGACGCTGC	ACGGAACCG	rttggc t ac	CCT : 239
TrCSb2	: AAC'I	'AC'TACAAC	CCGACGAAT	CCAAGCTGC	CGACGCTGC	ACGGAACCG	l'TTGGCCA(CCCT : 115
TrCSb3	: AAC'I	'ACTACAAC	CGACGAATO	CCAAGCTGCA	CGACGCTGC	ACGGAACCG1	PTTGGCCAC	CCCT : 118
TrCSb4						ACGGAACCGT		
TrCSb5	: AACI	PACTACAAC	CGACGAAT	CCAAGCTGCA	CGACGCTGC	'ACGGAACCG'	rttggc t ac	CCCT : 105
TrCSb6	: 							: -
TrCSb7		· 			·			: -
		.i.						
m a c1: 1	0,550	*	260	*	28		*	300
TrCSb1	CICA	GCTCACTI	GCTTCCTT(CCTCCACAA	CTCCGCTGC	GCT T CTCCA1	PCCTAT C CA	ACCT : 299
TrCSb2	: CTCA	GCTCACTI	GCTTCCTT(CCTCCACAAC	CTCCGCCGC	GCTCCTCCAT	PCCTATTC <i>i</i>	ACCT : 175
TrCSb3						GCTCCTCCAT		
TrCSb4						GCTCCTCCAT		
TrCSb5	CTCA	GCTCACTI	GCTTCCTTC	CTCCACAA	CTCCGCTGC	GCT T CTCCA1	CCTAT C CA	ACCT : 165
TrCSb6	:							 : -
TrCSb7	:							: -
						_		
mrock1	mmor	*	320	*	34		*	360
TrCSb1						AGGAACACTO		
TrCSb2	TTCC	GCTTCCTC	CGGGATCTC	CCCCACCGTC	TAATGTCAA	AGGAACACTO	CACCGTTGT	TTGA : 235
						AGGAACACTO		
TrCSb4						AGGAACACTO		
TrCSb5		TCTTCCTC	TGGGATCTC	CCCACCGTC	TAATGTCAA	AGGAACACTO	CACCGTTGT	TTGA : 225
TrCSb6			. -					 : -
TrCSb7	-			- 				· -

FIGURE 22 118/138

		*	380	*	400	*	420		
TrCSb1 :	TGAACGTAC	CGGGAAGA	AAGTATACCATT	GAGGTCTC'		СССТТАААС			419
TrCSb2 :	TGAACGTAC	CGGGAAG	AAGTATAACATT	GAGGTCTC	ACCTGATGGCA	CCGTTAAAG	CCAA		295
TrCSb3 :	TGAACGTAC	CGGGAAGA	AAGTATA A CATT	GAGGTCTC.	ACCTGATGGCA	CCGTTAAAG	CCAA	:	298
TrCSb4 :			AAGTATACCATTO					: :	290
TrCSb5 :	TGAACGTAC	CGGGAAGA	AAGTATACCATT	GAGGTCTC'	rcctgatggca	CCGTTAAAC	CCAA	: :	285
TrCSb6 : TrCSb7 :			- 					:	-
iicsb/:			·					:	-
		*	440	*	460	*	480		
TrCSb1 :			CAACTGGGAAG					:	479
TrCSb2:			CAACTGGGAAG						355
TrCSb3 : TrCSb4 :			CAACTGGGAAG						358
TrCSb4 :	TGATTICAA	GAAGATA. GAAGATA	TCGACTGGGAAG TCAACTGGGAAG	AATGATAA(AATGATAA(GGACTCAAAC GGGCTCAAAC	TTTATGATC	CTGG		350 345
TrCSb6 :					3GGGC I CAAAC	ITIAIGAIC	CIGG	•	343
TrCSb7 :		- -				<u>A</u>		:	1
						_			
		*	500	*	520	.	E 40		
TrCSb1 :			CTGTGCGATCA	$\Delta C \Delta \Delta \Psi \Psi \Psi C C$		GTGATGAGG	540 CAAD		539
TrCSb2 :			CTGTGCGATCA						415
TrCSb3 :	ATATTTAAA	CACTGCTC	CTGTGCGATCA	ACAATTTC'	TATATTGATG	GTGATGAGG	GAAT		418
TrCSb4 :	ATATTTAAA	CACTGCTC	CTGTGCGATCA	ACAATTTC:	TATATTGATG(GTGATGAGG	GAAT	: 4	410
TrCSb5 :	AAATTTAAA	CACTGCT	CTGTGCGATCA	ACAATTTC:	TTATATTGATG(GTGATGAGG	GAAT	: 4	405
TrCSb6 : TrCSb7 :			- 					:	-
ilebbi .							-	:	_
mach1	COMM CA FRA	*	560	*	580	*	600		
TrCSb1 :	CCTTAGATA	* TAGAGGAT	ACCCCATTGAA	GAGTTGGC	CGAGAAAAGCA	* CCTTTCCGG	AAGT		599
TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 :	CCTTAGATA'	TAGAGGAT	PACCCCATTGAAC PACCCCATTGAGG	GAGTTGGC(GAGTTGGC(CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA	CCTTTCCGG	AAGT AAGT	: 4	475
TrCSb2 :	CCTTAGATA' CCTTAGATA'	TAGAGGAT TAGAGGAT	ACCCCATTGA A CACCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCCATTGAGGACCCCATTGAGC	GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG	AAGT AAGT AAGT	: 4	
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 :	CCTTAGATA' CCTTAGATA' CCTTAGATA'	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT	PACCCCATTGAAC PACCCCATTGAGG	GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG	AAGT AAGT AAGT AAGT	: 4	475 478
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT	PACCCCATTGAACPACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGGACCCCATTGAGACCCCATTGAGACCCCATTGAGACCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCCCCATTGAGACCATTGAGACCCCCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACCATTGAGACATTGAGACCATTGAGACATTTGAGACATTAGACATTAGACATTAGAACATTTAGAACA	GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC	CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT	: 4	475 478 470
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT	PACCCCATTGAACPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAACPACCCCATTGAACPACCCCATTGAACCCCCATTGAACCCATTGAACCCCCATTGAACCCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCATTGAACCATTGAACCCATTGAACCATTAACCATTGAACCATTGAACCATTGAACCATTAACCATTAACCATTTGAACCATTAACCATTAACCATTGAACCATTTGAACCATTTGAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACATTAACATTAACATTAACCATTAACATTA	GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC	CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT	: 4	475 478 470 465
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT	PACCCCATTGAACPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAACPACCCCATTGAACPACCCCATTGAACCCCCATTGAACCCATTGAACCCCCATTGAACCCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCATTGAACCATTGAACCCATTGAACCATTAACCATTGAACCATTGAACCATTGAACCATTAACCATTAACCATTTGAACCATTAACCATTAACCATTGAACCATTTGAACCATTTGAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACATTAACATTAACATTAACCATTAACATTA	GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC	CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT	: 4	475 478 470 465
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA -A	FAGAGGAT FAGAGGAT FAGAGGAT FAGAGGAT FAGAGGCT	PACCCCATTGAACPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAGGPACCCCATTGAACPACCCCATTGAACPACCCCATTGAACCCCCATTGAACCCATTGAACCCCCATTGAACCCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCCATTGAACCCATTGAACCCATTGAACCATTGAACCCATTGAACCATTAACCATTGAACCATTGAACCATTGAACCATTAACCATTAACCATTTGAACCATTAACCATTAACCATTGAACCATTTGAACCATTTGAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACCATTAACATTAACCATTAACCATTAACATTAACATTAACATTAACATTAACCATTAACATTA	GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC GAGTTGGCC	CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CGAGAAAAGCA(CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT	: 4	475 478 470 465
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGGT ** **	PACCCATTGAÃO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCATTGAGO PACCCATTGAGO	GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT	: 4	475 478 470 465 49 -
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGĞT * * CATATTGT	PACCCATTGAÃO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCATTGAGO PACCATTGAGO PACCCATTGAGO PACCCATTGAGO PACCATTGAGO PACCATTGAG	GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(*	CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA 640	CCTTTCGGGCCTTTCGGGCCTTTCGGGCCTTTATGGCCTTTATGGCCTTTATGGCAAGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT	: 4	475 478 470 465 49 -
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGCT * N CATATTGT	PACCCATTGAÃO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PATGGAAATTTGO PATGGAAATTTGO	GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(CACCACCACCACCACCACCACCACCACCACCACCACCAC	CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA CGAGAAAAGCA AAATCAGTTACA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT 660	: 4	475 478 470 465 49 - 609 535 538
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGCT * NTGATATTGT CATATTGT	PACCCATTGAÃO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PATGGAAATTTGGO PATGGAAATTTGGO PATGGAAATTTGGO PATGGAAATTTGGO PATGGAAATTTGGO	GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(GAGTTGGC(CATCTTGCACCTTCTGCACCTTCTGCACCTTCTGCACCTTCTGCACCTTCTGCACCTTCTGCACCTTCTGCACCTGCACCTTCTGCACCTGCACCTTGCACCTGCACCTTGCACCTGCACCTTGCACCTGCACCTTGCACCTGCACCTTGCACCTGCACCTTGCACCTGCACCTTGCACCTGCACCTTTGCACCTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTGCACCTTTTGCACCTTTGCACCTTTTTTTT	CGAGAAAAGCACCAGAGAAAAAATCAGTTACAAAATCAAGTTACAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAAATCAGTTACAAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATTACAAAATCAAATTAAATCAAATTAAATCAAATCAAATTAAATCAAATTAAATCAAATTAAATTAAAATCAAATTAAAATCAAAATCAAATTAAAATCAAATTAAAATTAAATAAATTAAAATTAAAATTAAAATTAAAA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT	: 4 : 4 : : : : : : : : : : : : : : : :	475 478 470 465 49 - 609 535 538
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT * N	PACCCATTGAÃO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PATGGAAATTTGO PATGGAAATTTGO	GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC * * * * * * * * * * * * *	CGAGAAAAGCACCAGAGAAAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAATCAAATCAGTTACAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATTCAAATTACAAATCAAATCAAATCAAATTCAAATACAAATCAAATCAAATTCAAATTACAAAATCAAATTCAAATTCAAATTACAAATTCAAATTCAAATACAAATCAAATTCAAATTACAAAATCAAAATCAAATTAAAATTCAAAATCAAATTCAAATTAAATTAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAATTAAATTCAAATTCAAATTCAAAATCAAATAAATCAAATTCAAAATCAAATTCAAAATCAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAATTAAAATTCAAAATTAAAAATCAAAATTCAAAATTCAAAAATTAAAAATTCAAAATTAAAAATTCAAAAATTCAAAATTAAAAATTAAAAAA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT 660 AATT AATT AATT	: 4 : 4 : 4 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5	475 478 470 465 49 - 609 535 538
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT * N	PACCCATTGAACPACCCCATTGAGCPACCCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPATGGAAATTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAAAAA	GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC * * * * * * * * * * * * *	CGAGAAAAGCACCAGAGAAAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAATCAAATCAGTTACAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATTCAAATTACAAATCAAATCAAATCAAATTCAAATACAAATCAAATCAAATTCAAATTACAAAATCAAATTCAAATTCAAATTACAAATTCAAATTCAAATACAAATCAAATTCAAATTACAAAATCAAAATCAAATTAAAATTCAAAATCAAATTCAAATTAAATTAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAATTAAATTCAAATTCAAATTCAAAATCAAATAAATCAAATTCAAAATCAAATTCAAAATCAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAATTAAAATTCAAAATTAAAAATCAAAATTCAAAATTCAAAAATTAAAAATTCAAAATTAAAAATTCAAAAATTCAAAATTAAAAATTAAAAAA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AATT AATT AATT	: 4 : 4 : 4 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5	475 478 470 465 49 - 609 535 538 530 525
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT * N	PACCCATTGAACPACCCCATTGAGCPACCCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPATGGAAATTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAAAAA	GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC * * * * * * * * * * * * *	CGAGAAAAGCACCAGAGAAAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAATCAAATCAGTTACAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATTCAAATTACAAATCAAATCAAATCAAATTCAAATACAAATCAAATCAAATTCAAATTACAAAATCAAATTCAAATTCAAATTACAAATTCAAATTCAAATACAAATCAAATTCAAATTACAAAATCAAAATCAAATTAAAATTCAAAATCAAATTCAAATTAAATTAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAATTAAATTCAAATTCAAATTCAAAATCAAATAAATCAAATTCAAAATCAAATTCAAAATCAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAATTAAAATTCAAAATTAAAAATCAAAATTCAAAATTCAAAAATTAAAAATTCAAAATTAAAAATTCAAAAATTCAAAATTAAAAATTAAAAAA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AATT AATT AATT	: 4 : 4 : 4 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5	475 478 470 465 49 - 609 535 538 530 525 108
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT * N	PACCCATTGAACPACCCCATTGAGCPACCCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPACCCATTGAGCPATGGAAATTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAGTTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAATTTTGCPATGAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAAAATTTTGCPATGAAAAAAAAAA	GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC * * * * * * * * * * * * *	CGAGAAAAGCACCAGAGAAAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAAATCAGTTACAAATCAAATCAGTTACAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATCAAATTCAAATTACAAATCAAATCAAATCAAATTCAAATACAAATCAAATCAAATTCAAATTACAAAATCAAATTCAAATTCAAATTACAAATTCAAATTCAAATACAAATCAAATTCAAATTACAAAATCAAAATCAAATTAAAATTCAAAATCAAATTCAAATTAAATTAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAATTAAATTCAAATTCAAATTCAAAATCAAATAAATCAAATTCAAAATCAAATTCAAAATCAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAAATTCAAATTAAAATTCAAAATTAAAAATCAAAATTCAAAATTCAAAAATTAAAAATTCAAAATTAAAAATTCAAAAATTCAAAATTAAAAATTAAAAAA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AATT AATT AATT	: 4 : 4 : 4 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5	475 478 470 465 49 - 609 535 538 530 525 108
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT * * * * * * * * * * * * * * * * * *	PACCCATTGAAC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC	GAGTTGGCG GAGTTGGCG GAGTTGGCG GAGTTGGCG CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA	CGAGAAAGCACCAGAGAAAAGCACCGAGAAAAAGCACCGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAAGTAAGT	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AATT AATT AATT AATT	: 4 : 4 : 4 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5 : 5	475 478 470 465 49 - 609 535 538 530 525 108
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb7 : TrCSb6 : TrCSb7 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GTCCTATCT CTCTATCT CTCTATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT * * * * * * * * * * * * * * * * * *	PACCCATTGAAC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC	GAGTTGGCG GAGTTGGCG GAGTTGGCG GAGTTGGCG CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTACTGA A CAAGGAGTT	CGAGAAAGCACCAGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAATTAGCAAATTAGGTTAGCATTAGGTTTAGGTTTAGGTTTAGGTTTAGGTTTAGGTTTAGGTTTAGGTTTAGGTTTAGGTTTTAGGTTTTAGGTTTTAGGTTTTTAGGTTTTTAGGTTTTTAGGTTTTTT	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AATT AATT AATT AATT		475 478 470 465 49 - 609 535 535 538 12
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb6 : TrCSb7 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT * * * * * * * * * * * * * * * * * *	PACCCATTGAAC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTGC PATGGAAGTTTAC PATGGAAGTTTAC	GAGTTGGCG GAGTTGGCG GAGTTGGCG GAGTTGGCG CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTACTGA A CAAGGAGT CAAGGAGT CAAGGAGT	CGAGAAAGCACCAGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTACAATCAGTTAGGATCTCA	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AGAATGGG	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AATT AATT AATT AATT		475 478 470 465 49 - 609 535 538 530 525 108 12
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT * * CATATTGT CATATTGT CATATTGT ATAATGT * * * * * * * * * * * * * * * * * *	PACCCATTGAAC PACCCCATTGAG PACCCCATTGAG PACCCCATTGAG PACCCCATTGAG PACCCCATTGAG PACCCCATTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAATTTGAG PATGGAAGTTTAAC PAGGAAGTTTAAC PAGGAAGTTTACCTCAGCCTTACCTC	GAGTTGGCG GAGTTGGCG GAGTTGGCG GAGTTGGCG CTTCTGCG CCTTCTGCG CCTTCTGCG CCTTCTGCG CCTTCTGCG CCTACTGA CAAGGAGT CAAGGAGT CAAGGAGT	CGAGAAAAGCACCAGAGAAAAGCACCGAGAAAAAGCACCGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTAAGTTACAATTAGCTTTGGATCTCACTT	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG * TACAATN FACAATCNN	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT		475 478 470 465 49 - 609 535 538 530 525 108 12
TrCsb2 : TrCsb3 : TrCsb4 : TrCsb6 : TrCsb7 : TrCsb1 : TrCsb2 : TrCsb3 : TrCsb6 : TrCsb7 : TrCsb4 : TrCsb7 : TrCsb6 : TrCsb7 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGATTGT CATATTGT ATAATGT ATAATGT TCAGCATT TCAGCATT TCAGCATT TCAGCATT TCAGCATT	PACCCATTGAÃO PACCCCATTGAÃO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PACCCCATTGAGO PATGGAAATTTGO PATGGAAATTTGO PATGGAAATTTGO PATGGAAATTTGO PATGGAAATTTGO PATGGAAATTTGO PATGGAAATTTAO PATGGAAGTTTÃO PATGGAAGTTTÃO PATGGAAGTTTÃO PATGGAAGTTTÃO PAGCCTTACCTO PAGCCTACCTO PAGCCTACTO PAGCCTTACCTO PAGCCTTACCTO PAGCCTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTO PAGCCTACTACTACTO PAGCCTACTACCTO PAGCCTACTACTACTO PAGCCTACTACTACTO PAGCCTACTACTACTACTACTACTAC	GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC * CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTACTGA * CAAGGAGT	CGAGAAAAGCACCAGAGAAAAGCACCGAGAAAAAGCACCGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAATTAGATCAATTAGATCAATTAGATCAATTAGATCAATTAGATCAATTTGGATCTCAATTTTGGATCTCAATTTTGGATCTCAATTTTGGATCTCAATTTTTTTT	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG * FACAATN FACAATCAA FACAATCAA	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT		475 478 470 465 49 - 609 535 538 530 525 108 12
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 :	CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA CCTTAGATA A GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT GGCATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT TGCTATATCT	TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGAGGAT TAGATTGT CATATTGT ATAATGT ATAATGT TCAGCATT TCAGCATT TCAGCATT TCAGCATT TCAGCATT	PACCCATTGAAC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PACCCCATTGAGC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTAC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTAC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTAC PATGGAAATTTGC PATGGAAATTTAC PATGGAAATTTGC PAT	GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC GAGTTGGC * CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTTCTGCA CCTACTGA * CAAGGAGT	CGAGAAAAGCACCAGAGAAAAGCACCGAGAAAAAGCACCGAGAAAAGCACCGAGAAAAGCACCAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAAATCAGTTACAATTAGATCAATTAGATCAATTAGATCAATTAGATCAATTAGATCAATTTGGATCTCAATTTTGGATCTCAATTTTGGATCTCAATTTTGGATCTCAATTTTTTTT	CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CCTTTCCGG CTTTTATGG * AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG AAGAATGGG * FACAATN FACAATCAA FACAATCAA	AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT AAGT		475 478 470 465 49 - 609 535 538 530 525 108 12

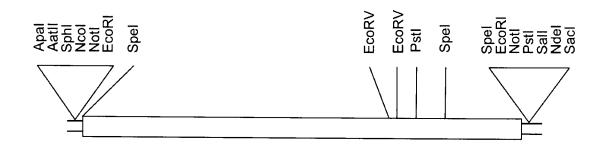
FIGURE 22 (cont.) 119/138

		*	740	*	760	*	780	
TrCSb1 :								: -
TrCSb2 :								: -
TrCSb3 :								
TrCSb4								• _
TrCSb5	TCAAGNN	5						: 592
TrCSb6:	5	<u> </u>	CTATCCCTCT	CCTACTCAA	IGCAATAAGCG	CTCTTTCTC	ጥጥጥጥር እ	: 228
TrCSb0 :					IGCAATAAGCG IGC TC TAAG T G			
IICSD/ :	ICAAGAI	CACALC	.CIAIGUGUGI	JCITGITAA	IGCIC TAAGIG	CITIGICIG	TTTTCA	: 130
		*	800	*	820	*	840	
TrCSb1 :								: -
TrCSb2 :			·					: -
TrCSb3 :		- 					-	: -
TrCSb4 :								: -
TrCSb5 :								: -
TrCSb6 :	TCCTGAC	CGCCAATC	CTGCTCTTAG	AGGTCTTGA!	rat t tac g act	CAAAG G AAG'	TGAGAGA	: 288
TrCSb7 :	TCCTGAT	GCAAATC	CTGCTCTCAG	AGGTCTTGA	CATCTACAACT	CAAAGCAAG'	TGAGAGA	: 190
		*	860	*	880	*	900	
TrCSb1 :		·	·					: -
TrCSb2 :				- 				: -
TrCSb3 :				- 				: -
TrCSb4:			· -		 -			
TrCSb5:			·					· · -
TrCSb6:	CAAACAA	ATAGCAC	GGATTATTGG	AAAGAT T A T	AACAATTGCTG	CTGCAGTTT.	$\Delta \Psi C \Psi \Psi \Delta G$	· : 348
TrCSb7:	CAAACAA	ATAG TG C	GGATTATTGG	AAAGATĀĀČ	AACAATTGCTG	CTGCGATTA	ATCTTAG	: 250
	_					01000111111	.11 0 1 1 1 1 1 0	. 250
		*	920	*	940	*	960	
TrCSb1 :		* - 	920	*	940	*	960	
TrCSb1 :		* - 	920	* 		* 	960	: - · _
TrCSb2 :		* 	920	* 		* 	960	: - : -
TrCSb2 : TrCSb3 :		*	920	*		*	960	: - : -
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 :		*	920	*		*	960	: - : - : -
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 :	AATGCA	*						: - : - : - : - : : - : : - : : - : : - :
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 :	AATGGCA	* \GGAAGGC	CACCTGTGCT	rccatccaa(CAACTATCTT	ACACTGAGA.	ACTTCCT	: - : - : - : - : 408
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 :	AATGGCA A T TGG G A	* AGGAAGGC	CACCTGTGCT	rccatccaa(ACACTGAGA.	ACTTCCT	: - : - : - : - : 408 : 310
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 :	AATGGCA A T TGGGA	* .GGAAGGC .GGAAGGC	CACCTGTGCT CACCTGT T CTT	rccatccaa(CCAACTATCTT. CAAACT T TCTT.	ACACTGAGA.	ACTTCCT ACTTCCT	
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 :	AATGGCA A T TGGGA	* .GGAAGGC .GGAAGGC	CACCTGTGCT	PCCATCCAAG PCCATCCAAG *	CAACTATCTT CAAACTTTCTT	ACACTGAGA.	ACTTCCT	
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 :	AATGGCA A T TGGĞA	* AGGAAGGC AGGAAGGC	CACCTGTGCT CACCTGT T CTT	PCCATCCAAG PCCATCCAAG *	CCAACTATCTT. CAAACT T TCTT.	ACACTGAGA.	ACTTCCT ACTTCCT	
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 :	AATGGCA A T TGGĞA	* GGAAGGC GGAAGGC	CACCTGTGCT CACCTGT T CTT	PCCATCCAAG PCCATCCAAG *	CAACTATCTT CAAACTTTCTT	ACACTGAGA.	ACTTCCT ACTTCCT	
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 :	AATGGCA A T TGGĞA	* AGGAAGGC AGGAAGGC	CACCTGTGCT CACCTGT T CTT	PCCATCCAAG PCCATCCAAG *	CAACTATCTT CAAACTTTCTT 1000	ACACTGAGA.	ACTTCCT ACTTCCT	
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 :	AATGGCA A T TGGGA	* .GGAAGGC .GGAAGGC *	CACCTGTGCT CACCTGT T CTT	PCCATCCAAG PCCATCCAAG *	CAACTATCTT CAAACTTTCTT 1000	ACACTGAGA.	ACTTCCT ACTTCCT	
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 :	ATTGGGA	*	CACCTGTGCT CACCTGTTCTT	CCATCCAA(CCATCCAA(CCAACTATCTT CAAACTTTCTT 1000	ACACTGAGA. ACACAGAGA. *	ACTTCCT ACTTCCT	: 310 : - : - : - : -
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb4 : TrCSb6 :	ATTGGGA	* CTTGATT	CACCTGTGCT CACCTGTTCT 980 CTTTAGGCAA	CCATCCAA(CCATCCAA(CAACTATCTT AAACTTTCTT 1000	ACACTGAGA. ACACAGAGA. *	ACTTCCT ACTTCCT 1020	: 310 : - : - : - : - : 468
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 :	ATTGGGA	* CTTGATT	CACCTGTGCT CACCTGTTCT 980 CTTTAGGCAA	CCATCCAA(CCATCCAA(CCAACTATCTT CAAACTTTCTT 1000	ACACTGAGA. ACACAGAGA. *	ACTTCCT ACTTCCT 1020	: 310 : - : - : - : -
TrCSb2 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb4 : TrCSb6 :	ATTGGGA	* * * * * * * * * * * * * * * * * * *	CACCTGTGCT CACCTGTTCT 980 CTTTAGGCAAT	CCATCCAAC * * CGGTCATAT	CCAACTATCTT AAACTTTCTT 1000 PAAACCCAACC	ACACTGAGA ACACAGAGA * CTCAGCTAA(ACTTCCT ACTTCCT 1020 CTCGTGC CTCGTGC	: 310 : - : - : - : - : 468
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 :	ATTGGGA	* CTTGATT	CACCTGTGCTTCTTCACCTGTTCTTTAGGCAATCTCTTGGCAAT	CCATCCAAC * * CCGGTCATAT CCGGTCATAT	CCAACTATCTT. 1000 1000 PAAACCCAACC PAAACCTAATC	ACACTGAGA ACACAGAGA * CTCAGCTAA(ACTTCCT ACTTCCT 1020 CTCGTGC CTCGTGC 1080	: 310 : - : - : - : - : 468
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb7 : TrCSb7 :	ATTGGGA	*	CACCTGTGCTTCTTCACCTGTTCTTTAGGCAAT	CCATCCAAC * CCATCCAAC * CCGGTCATAT CCGGTCATAT	CCAACTATCTT. 1000 PAAACCCAACC PAAACCTAATC	ACACTGAGAA ACACAGAGAA * CTCAGCTAA(CTCGTCTAA(ACTTCCT ACTTCCT 1020 CTCGTGC CTCGTGC	: 310 : - : - : - : - : 468
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb5 : TrCSb7 : TrCSb6 : TrCSb7 :	ATTGGGA	* CTTGATT *	CACCTGTGCTTCTTCACCTGTTCTTTAGGCAAT	CCATCCAAC * CCATCCAAC * CCGGTCATAT	CCAACTATCTT 1000 PAAACCCAACC PAAACCTAATC	ACACTGAGAAACACAGAGAAACACAGAGAAACACAGCTAAACCTCGTCTAAAC	ACTTCCT ACTTCCT 1020 CTCGTGC CTCGTGC	: 310 : - : - : - : - : 468
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb5 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb7 :	ATTGGGA	* GGAAGGC * GCTTGATT CTTGATT	CACCTGTGCTTCTTCACCTGTTCTTTAGGCAAT	PCCATCCAAC * * PCGGTCATAT	CAACTATCTT 1000 PAAACCCAACC PAAACCTAATC	ACACTGAGAA ACACAGAGAA * CTCAGCTAA(CTCGTCTAA(ACTTCCT ACTTCCT 1020 CTCGTGC CTCGTGC 1080	: 310 : - : - : - : - : 468
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb7 : TrCSb6 : TrCSb7 :	ATTGGGA	* CTTGATT *	PACCTGTGCTT 980 CTTTAGGCAAT 1040	CCATCCAAC * CCGTCATAT CCGGTCATAT *	CCAACTATCTT. 1000 1000 PAAACCCAACC PAAACCTAATC	ACACTGAGAA ACACAGAGAA * CTCAGCTAA(CTCGTCTAA(ACTTCCT ACTTCCT 1020 CTCGTGC CTCGTGC	: 310 : - : - : - : - : 468
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb6 : TrCSb7 :	ATTGGGA	* GGAAGGC * GCTTGATT *	PACCTGTGCTTCTT 980 CTTTAGGCAAT 1040	CCATCCAAC * * CCGTCATAT	PAAACCCAACC	ACACTGAGAA ACACAGAGAA * CTCAGCTAAG	ACTTCCT ACTTCCT 1020 CTCGTGC CTCGTGC	: 310 : - : - : - : - : 468
TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb4 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb1 : TrCSb2 : TrCSb3 : TrCSb6 : TrCSb7 : TrCSb7 : TrCSb6 : TrCSb7 :	ATTGGGA ATACATG TTACATG	* CTTGATT * CTTGATT *	PACCTGTGCTT 980 CTTTAGGCAAT 1040 TCATCCTGCAT	CCATCCAAC CCATCCAAC * CCGTCATAT CCGGTCATAT	CCAACTATCTT. 1000 1000 PAAACCCAACC PAAACCTAATC	ACACTGAGA ACACAGAGA * CTCAGCTAA(CTCGTCTAA(ACTTCCT ACTTCCT 1020 CTCGTGC 1080	: 310 : - : - : - : 468 : 370

FIGURE 22 (cont.) 120/138

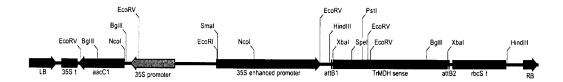
m0.01-1			*	1100	*	1120	*	1140		
TrCSb1 TrCSb2	: - : -								:	_
TrCSb3	: -								:	-
TrCSb4	: -	· -							:	-
TrCSb5	: -	CGACACC	TTCCATC	AAGCGGCGT T GAT		СТССТАТТССТС	CCCN		:	- 579
TrCSb7				aageggegtetegat aag t ggegetegat				TGGAGC		490
	-		• •							
			*	1160	*	1180	*	1200		
TrCSb1	: -								:	_
TrCSb2	: -	-							:	_
TrCSb3	: -								:	-
TrCSb4	: -								:	-
TrCSb5	: -								:	-
TrCSb7		СТСТАТС	GACCTCT	TCATGGTGGAGCT	AATGAGG	CGGTCCTTAAAA	ТССТСАС	ТСАААТ		- 550
	_							10.11.11	•	,,,,
			*							
TrCSb1			*	1220	*	1240				
TrCSb1	• -						_			
TrCSb3	: -						_			
TrCSb4	: -					:	_			
TrCSb5	: -		-			:	-			
TrCSb6	: _					:	-			
TrCSb7	: 1	GGAAGTG	TCGATAA	CATTCCAGAGTTC	ATTGAAG	GTGTTAANN:	594			

FIGURE 22 (cont.) 121/138



TrMDH

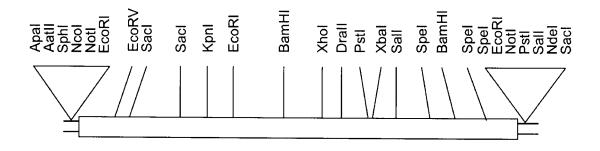
FIGURE 23 122/138



pPZP221:TrMDH sense

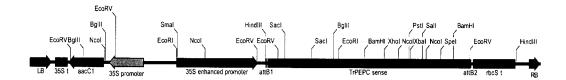
FIGURE 24

123/138



TrPEPC

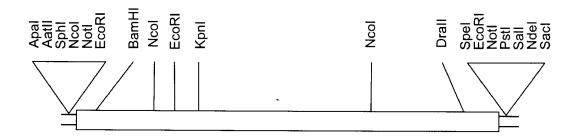
FIGURE 25 124/138



pPZP221:TrPEPC sense

FIGURE 26 125/138

·



TrCSa

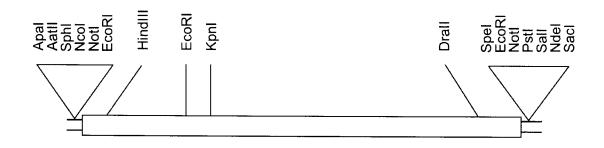
FIGURE 27 126/138



pPZP221:TrCSa sense

FIGURE 28 127/138

And the state of t



TrCSb

FIGURE 29 128/138



pPZP221:TrCSb sense

FIGURE 30 129/138



TrCSd

FIGURE 31 130/138

THE PARTY OF THE P



pPZP221:TrCSd sense

FIGURE 32 131/138

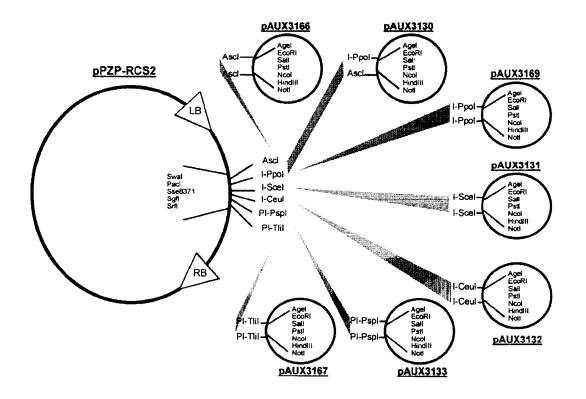
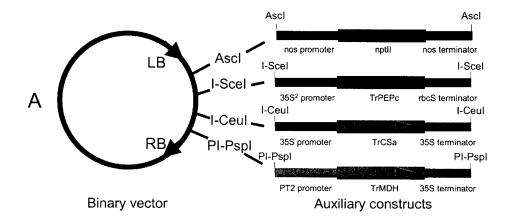
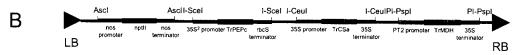


FIGURE 33 132/138

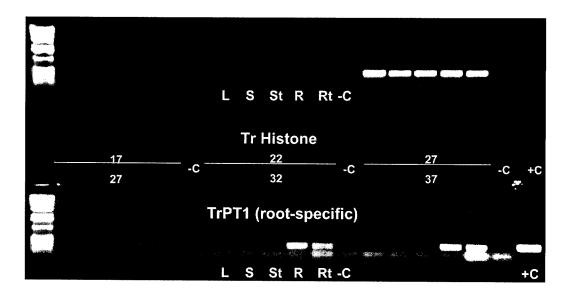




Binary vector construct

FIGURE 34 133/138

Α



В

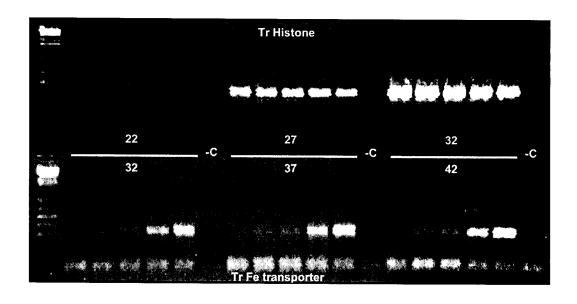
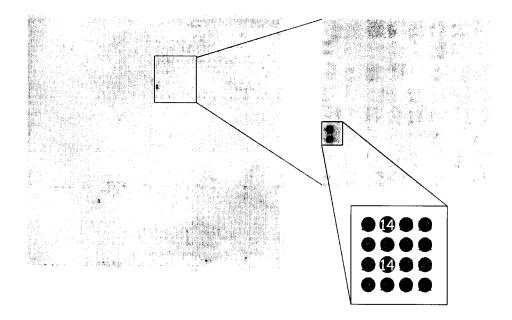
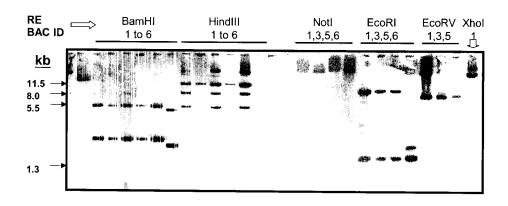


FIGURE 35 134/138





В



С

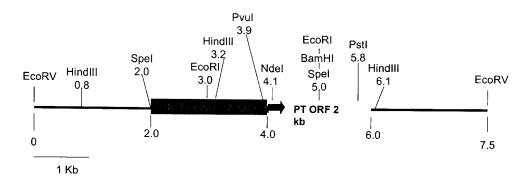


FIGURE 36 135/138

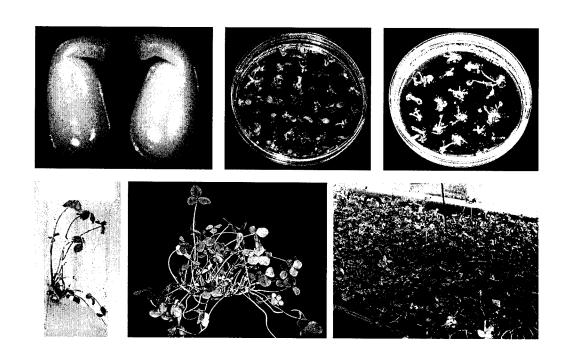
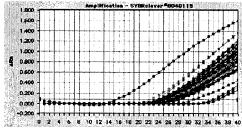
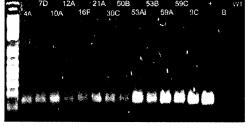


FIGURE 37 136/138



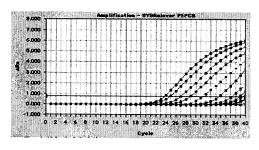


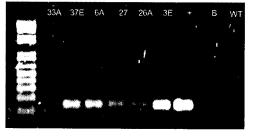
QPCR plots

QPCR Result

FIGURE 38 137/138

The state of the s

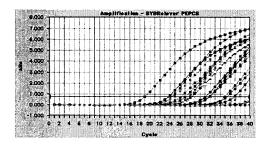


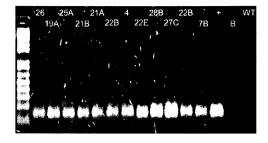


QPCR plots

QPCR Result

FIGURE 39 138/138





QPCR plots

QPCR Result

FIGURE 40